Tabelle A5: *M* ***S-Identifizierte Proteine nach EGFR Immunpräzipitation aus Lysaten der Glioblastom-Zelllinie NCH****. Anzahl gemessener peptide spectrum matches (PSM) und relative Proteinmenge (NSAF) in % von EGFR. Präzipitation des EGFR erfolgte aus Lysaten von NCH Zellen nach EGF-Stimulation (100 ng/ml, 37°C, 30 min.) (+). Log2 Werte der Quotienten für erhöhte (positiv) oder verringerte (-) Assoziation an EGFR. (n.i.= nicht identifiziert; n.c.= nicht calculierbar)*

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q9NQ66	PLCB1	1-phosphatidylinositol-4,5-bisphosphate phosphodiesterase beta-1 OS	138	n.i.	n.i.	24	14	n.c.	n.c.	1,28	0,86	n.c.	-0,571	n.c.	n.c.
Q15147	PLCB4	1-phosphatidylinositol-4,5-bisphosphate phosphodiesterase beta-4 OS	134	26	22	50	74	0,79	0,82	2,75	4,69	0,05	0,77	1,80	2,52
P19174	PLCG1	1-phosphatidylinositol-4,5-bisphosphate phosphodiesterase gamma-1 OS	148	n.i.	18	32	76	n.c.	0,61	1,59	4,36	n.c.	1,45	n.c.	2,84
P09543	CN37	2',3'-cyclic-nucleotide 3'-phosphodiesterase OS	48	12	13	14	10	1,03	1,37	2,18	1,79	0,41	-0,28	1,08	0,39
O00232	PSD12	26S proteasome non-ATPase regulatory subunit 12 OS	53	n.i.	9	n.i.	n.i.	n.c.	0,85	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9UNM6	PSD13	26S proteasome non-ATPase regulatory subunit 13 OS	43	5	14	9	n.i.	0,48	1,64	1,55	n.c.	1,78	n.c.	1,70	n.c.
P55036	PSMD4	26S proteasome non-ATPase regulatory subunit 4 OS	41	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,37	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q15008	PSMD6	26S proteasome non-ATPase regulatory subunit 6 OS	46	n.i.	5	n.i.	n.i.	n.c.	0,55	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P51665	PSD7	26S proteasome non-ATPase regulatory subunit 7 OS	37	n.i.	2	n.i.	n.i.	n.c.	0,27	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P48556	PSMD8	26S proteasome non-ATPase regulatory subunit 8 OS	40	3	5	3	n.i.	0,31	0,63	0,56	n.c.	1,03	n.c.	0,85	n.c.
P04035	HMDH	3-hydroxy-3-methylglutaryl-coenzyme A reductase OS	97	n.i.	n.i.	5	n.i.	n.c.	n.c.	0,38	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9P035	HACD3	3-hydroxyacyl-CoA dehydratase 3 OS	43	26	21	20	15	2,47	2,44	3,43	2,96	-0,01	-0,21	0,47	0,28
P62249	RS16	40S ribosomal protein S16 OS	16	29	31	23	35	7,22	9,46	10,34	18,15	0,39	0,81	0,52	0,94
P62854	RS26	40S ribosomal protein S26 OS	13	29	28	34	36	9,12	10,79	19,31	23,59	0,24	0,29	1,08	1,13
P42677	RS27	40S ribosomal protein S27 OS	9	n.i.	n.i.	10	n.i.	n.c.	n.c.	7,81	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P62857	RS28	40S ribosomal protein S28 OS	8	n.i.	n.i.	3	5	n.c.	n.c.	2,83	5,44	n.c.	0,94	n.c.	n.c.
P62273	RS29	40S ribosomal protein S29 OS	7	n.i.	n.i.	n.i.	13	n.c.	n.c.	n.c.	16,61	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P23396	RS3	40S ribosomal protein S3 OS	27	59	66	70	71	9,05	12,40	19,39	22,69	0,46	0,23	1,10	0,87

Accession	Gen	Protein	M [kDa]	PSM				% von EGFR				log2			
				NCH	NCH+	NCHvIII	NCHvIII+	NCH	NCH+	NCHvIII	NCHvIII+	NCH+/ NCH	NCHvIII+/ NCHvIII	NCHvIII/ NCH	NCHvIII+/ NCH+
P08195	4F2	4F2 cell-surface antigen heavy chain OS	68	18	15	14	11	1,08	1,11	1,52	1,38	0,03	-0,14	0,49	0,32
P21589	5NTD	5'-nucleotidase OS	63	15	n.i.	31	16	0,97	n.c.	3,62	2,15	n.c.	-0,75	1,90	n.c.
P62829	RL23	60S ribosomal protein L23 OS	15	59	52	70	59	16,24	17,55	34,81	33,86	0,11	-0,04	1,10	0,95
P47914	RL29	60S ribosomal protein L29 OS	18	n.i.	n.i.	n.i.	5	n.c.	n.c.	n.c.	2,40	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P63173	RL38	60S ribosomal protein L38 OS	8	27	23	30	33	13,44	14,04	26,99	34,25	0,06	0,34	1,01	1,29
P17858	K6PL	6-phosphofructokinase, liver type OS	85	72	58	47	26	3,47	3,42	4,09	2,61	-0,02	-0,65	0,24	-0,39
P11021	GRP78	78 kDa glucose-regulated protein OS	72	342	248	318	236	19,35	17,20	32,50	27,83	-0,17	-0,22	0,75	0,69
Q9UBM7	DHCR7	7-dehydrocholesterol reductase OS	54	7	8	11	5	0,53	0,74	1,49	0,78	0,49	-0,93	1,51	0,09
Q8IZT6	ASPM	Abnormal spindle-like microcephaly-associated protein OS	410	n.i.	2	2	n.i.	n.c.	0,02	0,04	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q13085	ACACA	Acetyl-CoA carboxylase 1 OS	265	51	87	329	372	0,79	1,64	9,16	11,95	1,06	0,38	3,54	2,86
O00763	ACACB	Acetyl-CoA carboxylase 2 OS	276	n.i.	n.i.	60	68	n.c.	n.c.	1,60	2,10	n.c.	0,39	n.c.	n.c.
Q8N556	AFAP1	Actin filament-associated protein 1 OS	81	15	2	21	10	0,76	0,12	1,92	1,06	-2,61	-0,86	1,34	3,09
Q8TED9	AF1L1	Actin filament-associated protein 1-like 1 OS	86	13	n.i.	14	12	0,62	n.c.	1,20	1,18	n.c.	-0,02	0,96	n.c.
P68032	ACTC	Actin, alpha cardiac muscle 1 OS	42	256	131	218	n.i.	24,93	15,64	38,35	n.c.	-0,67	n.c.	0,62	n.c.
P60709	ACTB	Actin, cytoplasmic 1 OS	42	532	280	416	275	52,16	33,65	73,68	56,21	-0,63	-0,39	0,50	0,74
P61160	ARP2	Actin-related protein 2 OS	45	36	13	22	4	3,29	1,46	3,63	0,76	-1,18	-2,25	0,14	-0,93
Q92747	ARC1A	Actin-related protein 2/3 complex subunit 1A OS	42	14	6	9	4	1,38	0,72	1,60	0,82	-0,93	-0,96	0,22	0,18
O15143	ARC1B	Actin-related protein 2/3 complex subunit 1B OS	41	5	n.i.	n.i.	n.i.	0,50	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O15145	ARPC3	Actin-related protein 2/3 complex subunit 3 OS	21	11	7	8	n.i.	2,19	1,71	2,88	n.c.	-0,36	n.c.	0,39	n.c.
O15511	ARPC5	Actin-related protein 2/3 complex subunit 5 OS	16	19	6	14	4	4,76	1,84	6,34	2,09	-1,37	-1,60	0,41	0,18
Q9BPX5	ARP5L	Actin-related protein 2/3 complex subunit 5-like protein OS	17	7	n.i.	9	n.i.	1,69	n.c.	3,93	n.c.	n.c.	n.c.	1,22	n.c.
P61158	ARP3	Actin-related protein 3 OS	47	49	19	33	18	4,23	2,01	5,15	3,24	-1,07	-0,67	0,28	0,69
Q9P1U1	ARP3B	Actin-related protein 3B OS	48	13	n.i.	n.i.	n.i.	1,12	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q07912	ACK1	Activated CDC42 kinase 1 OS	114	4	11	7	19	0,14	0,48	0,45	1,41	1,75	1,65	1,66	1,55
Q86WX3	AROS	Active regulator of SIRT1 OS	15	4	6	6	8	1,06	1,95	2,87	4,42	0,88	0,62	1,44	1,18
Q709F0	ACD11	Acyl-CoA dehydrogenase family member 11 OS	87	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,25	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P25054	APC	Adenomatous polyposis coli protein OS	311	27	13	33	3	0,35	0,21	0,78	0,08	-0,76	-3,25	1,14	-1,35
O43306	ADCY6	Adenylate cyclase type 6 OS	131	n.i.	n.i.	n.i.	3	n.c.	n.c.	n.c.	0,20	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O60503	ADCY9	Adenylate cyclase type 9 OS	151	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,11	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
P05141	ADT2	ADP/ATP translocase 2 OS	33	18	15	8	n.i.	2,24	2,29	1,80	n.c.	0,03	n.c.	-0,32	n.c.
P18085	ARF4	ADP-ribosylation factor 4 OS	20	9	7	5	n.i.	1,80	1,71	1,80	n.c.	-0,07	n.c.	0,01	n.c.
P62330	ARF6	ADP-ribosylation factor 6 OS	20,1	2	n.i.	n.i.	n.i.	0,41	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P40616	ARL1	ADP-ribosylation factor-like protein 1 OS	20	13	8	6	n.i.	2,61	1,97	2,17	n.c.	-0,407	n.c.	-0,262	n.c.
Q8N8L6	ARL10	ADP-ribosylation factor-like protein 10 OS	27	4	n.i.	n.i.	n.i.	0,60	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9Y2D5	AKAP2	A-kinase anchor protein 2 OS	95	n.i.	n.i.	6	n.i.	n.c.	n.c.	0,47	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q99996	AKAP9	A-kinase anchor protein 9 OS	453	45	7	27	2	0,41	0,08	0,44	0,04	-2,39	-3,55	0,12	-1,04
Q9BQI0	AIF1L	Allograft inflammatory factor 1-like OS	17	14	4	11	n.i.	3,36	1,18	4,76	n.c.	-1,51	n.c.	0,51	n.c.
P35609	ACTN2	Alpha-actinin-2 OS	104	47	n.i.	78	31	1,85	n.c.	5,55	2,55	n.c.	-1,12	1,58	n.c.
O43707	ACTN4	Alpha-actinin-4 OS	105	179	56	185	96	6,99	2,68	13,04	7,81	-1,38	-0,74	0,90	1,54
P35611	ADDA	Alpha-adducin OS	81	n.i.	n.i.	9	5	n.c.	n.c.	0,82	0,53	n.c.	-0,64	n.c.	n.c.
Q9UBT7	CTNL1	Alpha-catulin OS	82	n.i.	n.i.	5	n.i.	n.c.	n.c.	0,45	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q16352	AINX	Alpha-internexin OS	55	122	68	141	126	9,01	6,16	18,82	19,40	-0,55	0,04	1,06	1,66
P16234	PGFRA	Alpha-type platelet-derived growth factor receptor OS	123	169	335	369	501	5,64	13,70	22,24	34,84	1,28	0,65	1,98	1,35
P05067	A4	Amyloid beta A4 protein OS	87	n.i.	n.i.	3	3	n.c.	n.c.	0,26	0,29	n.c.	0,21	n.c.	n.c.
Q9Y679	AUP1	Ancient ubiquitous protein 1 OS	53	4	10	7	n.i.	0,31	0,95	0,98	n.c.	1,62	n.c.	1,66	n.c.
Q4VCS5	AMOT	Angiomotin OS	118	3	n.i.	21	21	0,10	n.c.	1,31	1,52	n.c.	0,21	3,66	n.c.
Q8IY63	AMOL1	Angiomotin-like protein 1 OS	107	11	3	17	14	0,42	0,14	1,18	1,12	-1,58	-0,07	1,48	2,99
Q9P0K7	RAI14	Ankycorbin OS	110	74	35	103	109	2,75	1,60	6,92	8,45	-0,79	0,29	1,33	2,40
Q9H6X2	ANTR1	Anthrax toxin receptor 1 OS	62,7	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,20	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q03518	TAP1	Antigen peptide transporter 1 OS	87	n.i.	5	5	n.i.	n.c.	0,29	0,42	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q03519	TAP2	Antigen peptide transporter 2 OS	76	4	4	n.i.	n.i.	0,22	0,27	n.c.	n.c.	0,29	n.c.	n.c.	n.c.
O95782	AP2A1	AP-2 complex subunit alpha-1 OS	107	27	57	35	45	1,03	2,66	2,41	3,57	1,37	0,57	1,23	0,43
O94973	AP2A2	AP-2 complex subunit alpha-2 OS	104	22	55	27	40	0,87	2,65	1,92	3,28	1,62	0,77	1,15	0,31
P63010	AP2B1	AP-2 complex subunit beta OS	104	24	47	24	46	0,94	2,25	1,70	3,75	1,26	1,15	0,85	0,74
Q96CW1	AP2M1	AP-2 complex subunit mu OS	50	12	17	9	n.i.	0,99	1,72	1,34	n.c.	0,80	n.c.	0,44	n.c.
O95831	AIFM1	Apoptosis-inducing factor 1, mitochondrial OS	67	32	31	27	16	1,96	2,32	2,98	2,04	0,25	-0,55	0,61	-0,19
Q13625	ASPP2	Apoptosis-stimulating of p53 protein 2 OS	126	4	n.i.	8	7	0,13	n.c.	0,47	0,48	n.c.	0,01	1,85	n.c.
O00192	ARVC	Armadillo repeat protein deleted in velo-cardio-facial syndrome OS	105	11	n.i.	9	9	0,43	n.c.	0,64	0,73	n.c.	0,21	0,56	n.c.

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q96B67	ARRD3	Arrestin domain-containing protein 3 OS	46	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,37	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9UBB4	ATX10	Ataxin-10 OS	53	73	63	42	35	5,58	5,91	5,80	5,58	0,08	-0,06	0,06	-0,08
Q6SPF0	SAMD1	Atherin OS	56	10	7	9	12	0,73	0,63	1,19	1,83	-0,22	0,62	0,70	1,54
P24539	AT5F1	ATP synthase subunit b, mitochondrial OS	29	4	n.i.	5	n.i.	0,57	n.c.	1,28	n.c.	n.c.	n.c.	1,18	n.c.
Q9NVI7	ATD3A	ATPase family AAA domain-containing protein 3A OS	71	54	55	44	43	3,10	3,87	4,56	5,14	0,32	0,17	0,56	0,41
Q5T9A4	ATD3B	ATPase family AAA domain-containing protein 3B OS	73	35	37	26	31	1,97	2,56	2,65	3,64	0,37	0,46	0,42	0,51
Q96S55	WRIP1	ATPase WRNIP1 OS	72	n.i.	2	6	2	n.c.	0,14	0,61	0,24	n.c.	-1,38	n.c.	0,77
Q99758	ABCA3	ATP-binding cassette sub-family A member 3 OS	191	n.i.	6	35	66	n.c.	0,16	1,35	2,94	n.c.	1,12	n.c.	4,23
Q9NP58	ABCB6	ATP-binding cassette sub-family B member 6, mitochondrial OS	94	14	11	15	14	0,61	0,59	1,18	1,27	-0,05	0,11	0,95	1,11
P28288	ABCD3	ATP-binding cassette sub-family D member 3 OS	75	21	22	23	13	1,14	1,46	2,25	1,47	0,36	-0,62	0,98	0,01
Q9UG63	ABCF2	ATP-binding cassette sub-family F member 2 OS	71	5	n.i.	3	9	0,29	n.c.	0,31	1,08	n.c.	1,79	0,12	n.c.
Q8WXE1	ATRIP	ATR-interacting protein OS	86	n.i.	6	2	n.i.	n.c.	0,35	0,17	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q7Z3C6	ATG9A	Autophagy-related protein 9A OS	94	9	n.i.	12	3	0,39	n.c.	0,94	0,27	n.c.	-1,79	1,27	n.c.
O95816	BAG2	BAG family molecular chaperone regulator 2 OS	24	11	8	9	6	1,89	1,69	2,80	2,15	-0,17	-0,38	0,56	0,35
O43491	E41L2	Band 4.1-like protein 2 OS	113	4	n.i.	9	8	0,15	n.c.	0,59	0,61	n.c.	0,04	2,02	n.c.
Q9HCM4	E41L5	Band 4.1-like protein 5 OS	82	12	n.i.	17	10	0,60	n.c.	1,54	1,04	n.c.	-0,56	1,36	n.c.
Q9Y6E2	BZW2	Basic leucine zipper and W2 domain-containing protein 2 OS	48	29	15	7	n.i.	2,46	1,56	1,07	n.c.	-0,66	n.c.	-1,20	n.c.
P35613	BASI	Basigin OS	42	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,53	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P51572	BAP31	B-cell receptor-associated protein 31 OS	28	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,79	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q13884	SNTB1	Beta-1-syntrophin OS	58	19	5	22	16	1,34	0,43	2,80	2,35	-1,63	-0,25	1,06	2,44
Q562R1	ACTBL	Beta-actin-like protein 2 OS	42	112	n.i.	n.i.	75	10,91	n.c.	n.c.	15,23	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P16278	BGAL	Beta-galactosidase OS	76	84	46	45	18	4,52	3,03	4,37	2,02	-0,58	-1,12	-0,05	-0,59
P31939	PUR9	Bifunctional purine biosynthesis protein PURH OS	65	n.i.	n.i.	2	n.i.	n.c.	n.c.	0,23	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q13873	BMPR2	Bone morphogenetic protein receptor type-2 OS	115	n.i.	n.i.	n.i.	3	n.c.	n.c.	n.c.	0,22	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q6PJG6	BAAT1	BRCA1-associated protein required for ATM activation protein 1 OS	88	8	8	6	n.i.	0,37	0,46	0,50	n.c.	0,29	n.c.	0,44	n.c.

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q9Y6D6	BIG1	Brefeldin A-inhibited guanine nucleotide-exchange protein 1 OS	209	n.i.	10	n.i.	3	n.c.	0,24	n.c.	0,12	n.c.	n.c.	n.c.	-0,97
Q9Y6D5	BIG2	Brefeldin A-inhibited guanine nucleotide-exchange protein 2 OS	202	14	23	6	3	0,28	0,57	0,22	0,13	1,01	-0,79	-0,37	-2,17
Q5TH69	BIG3	Brefeldin A-inhibited guanine nucleotide-exchange protein 3 OS	240	20	39	16	13	0,34	0,81	0,49	0,46	1,26	-0,09	0,53	-0,82
Q5VW32	BROX	BRO1 domain-containing protein BROX OS	46	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,32	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9UIF8	BAZ2B	Bromodomain adjacent to zinc finger domain protein 2B OS	240	7	6	9	5	0,12	0,13	0,28	0,18	0,07	-0,64	1,22	0,50
Q9H8M2	BRD9	Bromodomain-containing protein 9 OS	67	8	7	9	6	0,49	0,52	0,99	0,76	0,10	-0,38	1,02	0,54
Q96Q07	BTBD9	BTB/POZ domain-containing protein 9 OS	69,1	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,18	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q03001	BPA1	Bullous pemphigoid antigen 1 OS	860	29	8	83	42	0,14	0,05	0,71	0,42	-1,56	-0,78	2,37	3,16
Q15800	ERG25	C-4 methylsterol oxidase OS	35	4	3	n.i.	n.i.	0,46	0,43	n.c.	n.c.	-0,12	n.c.	n.c.	n.c.
Q9HCU4	CELR2	Cadherin EGF LAG seven-pass G-type receptor 2 OS	317	7	n.i.	20	4	0,09	n.c.	0,47	0,11	n.c.	-2,12	2,37	n.c.
P19022	CADH2	Cadherin-2 OS	100	25	5	43	33	1,02	0,25	3,18	2,82	-2,03	-0,18	1,64	3,49
Q14123	PDE1C	Calcium/calmodulin-dependent 3',5'-cyclic nucleotide phosphodiesterase 1C OS	81	7	10	7	9	0,35	0,62	0,64	0,95	0,81	0,57	0,85	0,61
Q13557	KCC2D	Calcium/calmodulin-dependent protein kinase type II subunit delta OS	56	11	7	15	6	0,80	0,62	1,97	0,91	-0,36	-1,12	1,30	0,54
P98194	AT2C1	Calcium-transporting ATPase type 2C member 1 OS	101	13	n.i.	15	9	0,53	n.c.	1,10	0,76	n.c.	-0,53	1,06	n.c.
Q05682	CALD1	Caldesmon OS	93,2	2	n.i.	n.i.	n.i.	0,09	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P27824	CALX	Calnexin OS	68	37	16	34	10	2,24	1,19	3,72	1,26	-0,92	-1,56	0,73	0,09
O15484	CAN5	Calpain-5 OS	73	5	n.i.	n.i.	n.i.	0,28	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P50416	CPT1A	Carnitine O-palmitoyltransferase 1, liver isoform OS	88	13	14	14	6	0,60	0,79	1,17	0,58	0,40	-1,02	0,96	-0,46
P48729	KC1A	Casein kinase I isoform alpha OS	39	3	n.i.	3	n.i.	0,32	n.c.	0,57	n.c.	n.c.	n.c.	0,853	n.c.
P49674	KC1E	Casein kinase I isoform epsilon OS	47	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,47	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P21964	COMT	Catechol O-methyltransferase OS	30	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,50	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P35221	CTNA1	Catenin alpha-1 OS	100	93	22	132	95	3,80	1,10	9,75	8,10	-1,79	-0,27	1,36	2,88

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
P35222	CTNB1	Catenin beta-1 OS	85	90	28	115	76	4,31	1,64	9,94	7,58	-1,39	-0,39	1,21	2,21
O60716	CTND1	Catenin delta-1 OS	108	22	4	38	14	0,83	0,19	2,60	1,10	-2,17	-1,23	1,64	2,57
Q8N5K1	CISD2	CDGSH iron-sulfur domain-containing protein 2 OS	15	n.i.	n.i.	4	n.i.	n.c.	n.c.	1,94	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q5VV42	CDKAL	CDK5 regulatory subunit-associated protein 1-like 1 OS	65	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,23	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96SN8	CK5P2	CDK5 regulatory subunit-associated protein 2 OS	215	5	n.i.	6	n.i.	0,10	n.c.	0,21	n.c.	n.c.	n.c.	1,12	n.c.
O14735	CDIPT	CDP-diacylglycerol--inositol 3-phosphatidyltransferase OS	24	5	n.i.	n.i.	n.i.	0,87	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P41208	CETN2	Centrin-2 OS	20	6	n.i.	n.i.	n.i.	1,24	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8N137	CNTRB	Centrobin OS	101	3	n.i.	5	n.i.	0,12	n.c.	0,37	n.c.	n.c.	n.c.	1,59	n.c.
O43264	ZW10	Centromere/kinetochore protein zw10 homolog OS	89	30	13	27	30	1,38	0,73	2,25	2,88	-0,91	0,36	0,70	1,97
Q66GS9	CP135	Centrosomal protein of 135 kDa OS	133,4	2	n.i.	n.i.	n.i.	0,06	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q5SW79	CE170	Centrosomal protein of 170 kDa OS	175	85	50	111	121	1,98	1,43	4,68	5,89	-0,47	0,33	1,24	2,04
Q8TEP8	CE192	Centrosomal protein of 192 kDa OS	213	4	n.i.	9	n.i.	0,08	n.c.	0,31	n.c.	n.c.	n.c.	2,02	n.c.
Q9BV73	CP250	Centrosome-associated protein CEP250 OS	281,0	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,04	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8NI60	ADCK3	Chaperone activity of bc1 complex-like, mitochondrial OS	72	n.i.	2	n.i.	n.i.	n.c.	0,14	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9BT22	ALG1	Chitobiosyldiphosphodolichol beta-mannosyltransferase OS	52	n.i.	2	n.i.	n.i.	n.c.	0,19	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96S66	CLCC1	Chloride channel CLIC-like protein 1 OS	62	4	4	n.i.	n.i.	0,26	0,32	n.c.	n.c.	0,29	n.c.	n.c.	n.c.
O00299	CLIC1	Chloride intracellular channel protein 1 OS	27	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,46	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9Y6K0	CEPT1	Choline/ethanolaminephosphotransferase 1 OS	47	4	n.i.	6	n.i.	0,35	n.c.	0,95	n.c.	n.c.	n.c.	1,44	n.c.
Q9P2E5	CHPF2	Chondroitin sulfate glucuronyltransferase OS	86	6	n.i.	n.i.	n.i.	0,29	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q86X52	CHSS1	Chondroitin sulfate synthase 1 OS	92	28	n.i.	5	n.i.	1,25	n.c.	0,40	n.c.	n.c.	n.c.	-1,63	n.c.
Q8IZ52	CHSS2	Chondroitin sulfate synthase 2 OS	85,41	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,14	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q13112	CAF1B	Chromatin assembly factor 1 subunit B OS	61	40	57	57	69	2,66	4,65	6,85	9,57	0,80	0,48	1,36	1,04
P45973	CBX5	Chromobox protein homolog 5 OS	22	4	3	4	n.i.	0,74	0,68	1,33	n.c.	-0,12	n.c.	0,85	n.c.
Q9P2M7	CING	Cingulin OS	136	39	13	93	64	1,17	0,48	5,04	4,00	-1,29	-0,33	2,11	3,07
Q14677	EPN4	Clathrin interactor 1 OS	68	n.i.	3	3	n.i.	n.c.	0,22	0,32	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9UKF6	CPSF3	Cleavage and polyadenylation specificity factor subunit 3 OS	77	n.i.	2	n.i.	5	n.c.	0,13	n.c.	0,55	n.c.	n.c.	n.c.	2,09

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q6P1N0	C2D1A	Coiled-coil and C2 domain-containing protein 1A OS	104	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,16	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96CT7	CC124	Coiled-coil domain-containing protein 124 OS	26	3	n.i.	5	n.i.	0,48	n.c.	1,43	n.c.	n.c.	n.c.	1,59	n.c.
Q9Y592	CCD41	Coiled-coil domain-containing protein 41 OS	82	14	n.i.	5	n.i.	0,70	n.c.	0,45	n.c.	n.c.	n.c.	-0,63	n.c.
Q96BP2	CHCH1	Coiled-coil-helix-coiled-coil-helix domain-containing protein 1 OS	13	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,91	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P23508	CRCM	Colorectal mutant cancer protein OS	93	n.i.	n.i.	4	n.i.	n.c.	n.c.	0,32	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P57678	GEMI4	Component of gems 4 OS	120	69	55	64	42	2,35	2,30	3,94	2,99	-0,03	-0,40	0,74	0,38
P42695	CNDD3	Condensin-2 complex subunit D3 OS	169	4	19	14	25	0,10	0,56	0,61	1,26	2,54	1,04	2,66	1,16
Q86XI2	CNDG2	Condensin-2 complex subunit G2 OS	131	8	13	2	12	0,25	0,50	0,11	0,78	0,99	2,79	-1,15	0,65
Q6IBW4	CNDH2	Condensin-2 complex subunit H2 OS	68	n.i.	5	5	5	n.c.	0,37	0,54	0,63	n.c.	0,21	n.c.	0,77
Q6P9H4	CNKR3	Connector enhancer of kinase suppressor of ras 3 OS	62	n.i.	n.i.	3	4	n.c.	n.c.	0,36	0,55	n.c.	0,62	n.c.	n.c.
Q8WTW3	COG1	Conserved oligomeric Golgi complex subunit 1 OS	109	21	39	12	11	0,79	1,80	0,81	0,86	1,19	0,08	0,05	-1,06
Q14746	COG2	Conserved oligomeric Golgi complex subunit 2 OS	83	25	39	14	11	1,23	2,35	1,24	1,13	0,94	-0,14	0,02	-1,06
Q96JB2	COG3	Conserved oligomeric Golgi complex subunit 3 OS	94	24	40	9	5	1,04	2,13	0,71	0,45	1,03	-0,64	-0,56	-2,23
Q9H9E3	COG4	Conserved oligomeric Golgi complex subunit 4 OS	89	41	77	13	12	1,88	4,34	1,08	1,15	1,20	0,09	-0,80	-1,92
Q9UP83	COG5	Conserved oligomeric Golgi complex subunit 5 OS	93	42	36	19	10	1,85	1,95	1,51	0,92	0,07	-0,72	-0,29	-1,08
Q9Y2V7	COG6	Conserved oligomeric Golgi complex subunit 6 OS	73	27	48	14	13	1,51	3,29	1,41	1,51	1,12	0,10	-0,09	-1,12
P83436	COG7	Conserved oligomeric Golgi complex subunit 7 OS	86	37	45	15	9	1,75	2,61	1,28	0,89	0,58	-0,53	-0,45	-1,56
Q96MW5	COG8	Conserved oligomeric Golgi complex subunit 8 OS	68	19	33	16	11	1,14	2,42	1,73	1,37	1,09	-0,33	0,61	-0,82
Q12860	CNTN1	Contactin-1 OS	113	2	n.i.	5	n.i.	0,07	n.c.	0,33	n.c.	n.c.	n.c.	2,18	n.c.
Q04656	ATP7A	Copper-transporting ATPase 1 OS	163	n.i.	n.i.	n.i.	4	n.c.	n.c.	n.c.	0,21	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9ULV4	COR1C	Coronin-1C OS	53	12	n.i.	12	2	0,92	n.c.	1,67	0,32	n.c.	-2,38	0,85	n.c.
Q92828	COR2A	Coronin-2A OS	59,7	2	n.i.	n.i.	n.i.	0,14	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9UQ03	COR2B	Coronin-2B OS	55	58	15	27	9	4,32	1,37	3,63	1,40	-1,66	-1,38	-0,25	0,03
P46109	CRKL	Crk-like protein OS	34	n.i.	5	6	n.i.	n.c.	0,74	1,31	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P17812	PYRG1	CTP synthase 1 OS	67	17	18	12	8	1,04	1,35	1,33	1,02	0,38	-0,38	0,35	-0,40
Q13618	CUL3	Cullin-3 OS	89	20	n.i.	16	4	0,92	n.c.	1,33	0,38	n.c.	-1,79	0,53	n.c.
Q93034	CUL5	Cullin-5 OS	91	9	13	26	28	0,40	0,72	2,11	2,63	0,82	0,31	2,38	1,87

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
P15336	ATF2	Cyclic AMP-dependent transcription factor ATF-2 OS	55	n.i.	6	n.i.	7	n.c.	0,55	n.c.	1,09	n.c.	n.c.	n.c.	0,99
P17544	ATF7	Cyclic AMP-dependent transcription factor ATF-7 OS	53	n.i.	6	n.i.	4	n.c.	0,57	n.c.	0,64	n.c.	n.c.	n.c.	0,18
O75909	CCNK	Cyclin-K OS	64	n.i.	3	4	8	n.c.	0,23	0,46	1,06	n.c.	1,21	n.c.	2,18
P00403	COX2	Cytochrome c oxidase subunit 2 OS	26	8	5	7	n.i.	1,28	0,98	2,02	n.c.	-0,38	n.c.	0,66	n.c.
Q8NCM8	DYHC2	Cytoplasmic dynein 2 heavy chain 1 OS	492	10	11	3	9	0,08	0,11	0,05	0,16	0,43	1,79	-0,88	0,48
Q8WWK9	CKAP2	Cytoskeleton-associated protein 2 OS	77	2	n.i.	3	7	0,11	n.c.	0,29	0,78	n.c.	1,43	1,44	n.c.
Q69YQ0	CYTSA	Cytospin-A OS	125	13	n.i.	39	34	0,43	n.c.	2,31	2,33	n.c.	0,01	2,44	n.c.
Q5M775	CYTSB	Cytospin-B OS	119	13	n.i.	36	24	0,45	n.c.	2,24	1,73	n.c.	-0,38	2,32	n.c.
P61962	DCAF7	DDB1- and CUL4-associated factor 7 OS	39	5	3	6	n.i.	0,53	0,39	1,14	n.c.	-0,44	n.c.	1,12	n.c.
Q14185	DOCK1	Dedicator of cytokinesis protein 1 OS	215	n.i.	2	n.i.	n.i.	n.c.	0,05	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8IZD9	DOCK3	Dedicator of cytokinesis protein 3 OS	233	3	30	18	n.i.	0,05	0,65	0,57	n.c.	3,616	n.c.	3,438	n.c.
Q8N1I0	DOCK4	Dedicator of cytokinesis protein 4 OS	225	104	315	154	48	1,89	7,02	5,05	1,82	1,89	-1,48	1,42	-1,95
Q96N67	DOCK7	Dedicator of cytokinesis protein 7 OS	242	54	23	74	59	0,91	0,48	2,26	2,07	-0,94	-0,12	1,31	2,13
Q13268	DHRS2	Dehydrogenase/reductase SDR family member 2 OS	27,4	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,45	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q6IAN0	DRS7B	Dehydrogenase/reductase SDR family member 7B OS	35	4	4	3	n.i.	0,47	0,57	0,63	n.c.	0,29	n.c.	0,44	n.c.
P81605	DCD	Dermcidin OS	11	n.i.	4	3	7	n.c.	1,78	1,97	5,29	n.c.	1,43	n.c.	1,57
Q02413	DSG1	Desmoglein-1 OS	114	n.i.	n.i.	n.i.	9	n.c.	n.c.	n.c.	0,67	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q14126	DSG2	Desmoglein-2 OS	122	n.i.	3	3	13	n.c.	0,12	0,18	0,91	n.c.	2,32	n.c.	2,88
Q9H5Q4	TFB2M	Dimethyladenosine transferase 2, mitochondrial OS	45	5	n.i.	3	n.i.	0,45	n.c.	0,49	n.c.	n.c.	n.c.	0,12	n.c.
Q9Y4D1	DAAM1	Disheveled-associated activator of morphogenesis 1 OS	123	n.i.	n.i.	n.i.	4	n.c.	n.c.	n.c.	0,28	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q12959	DLG1	Disks large homolog 1 OS	100	13	3	39	18	0,53	0,15	2,87	1,53	-1,82	-0,91	2,44	3,35
Q8TDM6	DLG5	Disks large homolog 5 OS	214	7	n.i.	6	n.i.	0,13	n.c.	0,21	n.c.	n.c.	n.c.	0,63	n.c.
O14490	DLGP1	Disks large-associated protein 1 OS	109	3	n.i.	4	n.i.	0,11	n.c.	0,27	n.c.	n.c.	n.c.	1,27	n.c.
Q155Q3	DIXC1	Dixin OS	77	3	n.i.	n.i.	2	0,16	n.c.	n.c.	0,22	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P78527	PRKDC	DNA-dependent protein kinase catalytic subunit OS	469	713	1122	593	450	6,22	12,00	9,34	8,18	0,95	-0,19	0,59	-0,55

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
O15446	RPA34	DNA-directed RNA polymerase I subunit RPA34 OS	55	n.i.	5	n.i.	10	n.c.	0,46	n.c.	1,55	n.c.	n.c.	n.c.	1,77
P52434	RPAB3	DNA-directed RNA polymerases I, II, and III subunit RPABC3 OS	17	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,72	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P31689	DNJA1	DnaJ homolog subfamily A member 1 OS	45	13	8	5	2	1,19	0,89	0,82	0,38	-0,41	-1,12	-0,53	-1,23
O60884	DNJA2	DnaJ homolog subfamily A member 2 OS	45,7	2	n.i.	n.i.	n.i.	0,18	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96EY1	DNJA3	DnaJ homolog subfamily A member 3, mitochondrial OS	52	30	29	24	11	2,34	2,77	3,38	1,79	0,24	-0,92	0,53	-0,63
Q9UBS4	DJB11	DnaJ homolog subfamily B member 11 OS	40,5	2	n.i.	n.i.	n.i.	0,20	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O75190	DNJB6	DnaJ homolog subfamily B member 6 OS	36	6	n.i.	4	n.i.	0,68	n.c.	0,82	n.c.	n.c.	n.c.	0,27	n.c.
Q9Y2G8	DJC16	DnaJ homolog subfamily C member 16 OS	91	12	17	12	7	0,54	0,94	0,98	0,66	0,80	-0,57	0,85	-0,51
Q99615	DNJC7	DnaJ homolog subfamily C member 7 OS	56	n.i.	3	n.i.	3	n.c.	0,27	n.c.	0,45	n.c.	n.c.	n.c.	0,77
P04843	RPN1	Dolichyl-diphosphooligosaccharide--protein glycosyltransferase subunit 1 OS	69	66	45	78	26	3,94	3,29	8,41	3,23	-0,26	-1,38	1,09	-0,03
Q92685	ALG3	Dolichyl-P-Man:Man(5)GlcNAc(2)-PP-dolichyl mannosyltransferase OS	50,1	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,24	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q16643	DREB	Drebrin OS	71	117	36	118	81	6,70	2,53	12,21	9,67	-1,41	-0,34	0,87	1,94
Q13627	DYR1A	Dual specificity tyrosine-phosphorylation-regulated kinase 1A OS	86	14	2	14	n.i.	0,67	0,12	1,21	n.c.	-2,51	n.c.	0,85	n.c.
Q7RTS9	DYM	Dymeclin OS	76	8	8	n.i.	n.i.	0,43	0,53	n.c.	n.c.	0,29	n.c.	n.c.	n.c.
O60941	DTNB	Dystrobrevin beta OS	71	10	6	22	13	0,57	0,42	2,28	1,55	-0,44	-0,55	1,99	1,88
O00257	CBX4	E3 SUMO-protein ligase CBX4 OS	61	4	4	7	4	0,27	0,33	0,84	0,56	0,29	-0,60	1,66	0,77
P49792	RBP2	E3 SUMO-protein ligase RanBP2 OS	358	104	181	127	98	1,19	2,53	2,62	2,33	1,09	-0,17	1,14	-0,12
Q9UKV5	AMFR2	E3 ubiquitin-protein ligase AMFR OS	73	n.i.	n.i.	2	n.i.	n.c.	n.c.	0,20	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P22681	CBL	E3 ubiquitin-protein ligase CBL OS	100	n.i.	16	23	6	n.c.	0,81	1,71	0,51	n.c.	-1,73	n.c.	-0,65
Q13191	CBLB	E3 ubiquitin-protein ligase CBL-B OS	109	n.i.	12	22	4	n.c.	0,55	1,49	0,31	n.c.	-2,25	n.c.	-0,82
O95714	HERC2	E3 ubiquitin-protein ligase HERC2 OS	527	16	12	21	11	0,12	0,11	0,29	0,18	-0,12	-0,73	1,25	0,64
Q96J02	ITCH	E3 ubiquitin-protein ligase Itchy homolog OS	103	n.i.	n.i.	5	23	n.c.	n.c.	0,36	1,91	n.c.	2,41	n.c.	n.c.
Q86YT6	MIB1	E3 ubiquitin-protein ligase MIB1 OS	110	3	n.i.	n.i.	4	0,11	n.c.	n.c.	0,31	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96PU5	NED4L	E3 ubiquitin-protein ligase NEDD4-like OS	112	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,15	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8TEB7	RN128	E3 ubiquitin-protein ligase RNF128 OS	46	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,32	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q86XS8	GOLI	E3 ubiquitin-protein ligase RNF130 OS	46	n.i.	6	n.i.	6	n.c.	0,65	n.c.	1,10	n.c.	n.c.	n.c.	0,77
Q8NC42	RN149	E3 ubiquitin-protein ligase RNF149 OS	43	n.i.	2	3	4	n.c.	0,23	0,51	0,79	n.c.	0,62	n.c.	1,77
Q6Q0C0	TRAF7	E3 ubiquitin-protein ligase TRAF7 OS	75	4	n.i.	3	n.i.	0,22	n.c.	0,30	n.c.	n.c.	n.c.	0,44	n.c.
P19474	RO52	E3 ubiquitin-protein ligase TRIM21 OS	54	42	32	40	21	3,17	2,96	5,46	3,31	-0,10	-0,72	0,78	0,16
Q13049	TRI32	E3 ubiquitin-protein ligase TRIM32 OS	72	n.i.	n.i.	3	4	n.c.	n.c.	0,31	0,47	n.c.	0,62	n.c.	n.c.
Q6ZT12	UBR3	E3 ubiquitin-protein ligase UBR3 OS	212	n.i.	n.i.	n.i.	3	n.c.	n.c.	n.c.	0,12	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9BUP0	EFHD1	EF-hand domain-containing protein D1 OS	27	4	n.i.	7	n.i.	0,61	n.c.	1,92	n.c.	n.c.	n.c.	1,66	n.c.
Q9UKM7	MA1B1	Endoplasmic reticulum mannosyl-oligosaccharide 1,2-alpha-mannosidase OS	80	6	n.i.	3	n.i.	0,31	n.c.	0,28	n.c.	n.c.	n.c.	-0,15	n.c.
Q969X5	ERGI1	Endoplasmic reticulum-Golgi intermediate compartment protein 1 OS	33	3	4	n.i.	n.i.	0,38	0,62	n.c.	n.c.	0,71	n.c.	n.c.	n.c.
Q96JJ3	ELMO2	Engulfment and cell motility protein 2 OS	83	41	77	62	18	2,03	4,68	5,55	1,86	1,20	-1,58	1,45	-1,33
P29320	EPHA3	Ephrin type-A receptor 3 OS	110	n.i.	n.i.	2	10	n.c.	n.c.	0,13	0,77	n.c.	2,53	n.c.	n.c.
P54753	EPHB3	Ephrin type-B receptor 3 OS	110	n.i.	3	4	6	n.c.	0,14	0,27	0,46	n.c.	0,79	n.c.	1,77
P00533	EGFR	Epidermal growth factor receptor OS	170	4156	3389	1960	1701	99,98	99,93	99,86	100,00	0,00	0,00	0,00	0,00
P42566	EPS15	Epidermal growth factor receptor substrate 15 OS	99	n.i.	2	n.i.	n.i.	n.c.	0,10	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9BZQ6	EDEM3	ER degradation-enhancing alpha-mannosidase-like 3 OS	105	n.i.	n.i.	3	6	n.c.	n.c.	0,21	0,49	n.c.	1,21	n.c.	n.c.
P33947	ERD22	ER lumen protein retaining receptor 2 OS	24	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,50	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9UJM3	ERRFI	ERBB receptor feedback inhibitor 1 OS	51	20	9	29	7	1,62	0,89	4,24	1,18	-0,86	-1,84	1,39	0,40
Q53GQ0	DHB12	Estradiol 17-beta-dehydrogenase 12 OS	34	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,36	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9C0D9	EPT1	Ethanolaminephosphotransferase 1 OS	45	4	n.i.	n.i.	n.i.	0,36	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O14681	EI24	Etoposide-induced protein 2.4 homolog OS	38,9	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,32	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9NRA8	4ET	Eukaryotic translation initiation factor 4E transporter OS	108	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,20	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P43003	EAA1	Excitatory amino acid transporter 1 OS	60	6	5	5	n.i.	0,41	0,42	0,62	n.c.	0,03	n.c.	0,59	n.c.
Q9NV70	EXOC1	Exocyst complex component 1 OS	102	n.i.	7	5	11	n.c.	0,34	0,36	0,92	n.c.	1,34	n.c.	1,42
Q96KP1	EXOC2	Exocyst complex component 2 OS	104	n.i.	3	6	6	n.c.	0,14	0,43	0,49	n.c.	0,21	n.c.	1,77
O60645	EXOC3	Exocyst complex component 3 OS	87	3	9	n.i.	7	0,14	0,52	n.c.	0,69	1,88	n.c.	n.c.	0,40
Q96A65	EXOC4	Exocyst complex component 4 OS	110	6	5	15	19	0,22	0,23	1,00	1,47	0,031	0,548	2,175	2,692
O00471	EXOC5	Exocyst complex component 5 OS	82	9	19	10	17	0,45	1,16	0,90	1,77	1,37	0,97	1,01	0,61

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q8TAG9	EXOC6	Exocyst complex component 6 OS	94	7	n.i.	3	n.i.	0,31	n.c.	0,24	n.c.	n.c.	n.c.	-0,37	n.c.
Q9Y2D4	EXC6B	Exocyst complex component 6B OS	78	11	3	3	4	0,58	0,19	0,28	0,44	-1,58	0,62	-1,02	1,18
Q9UPT5	EXOC7	Exocyst complex component 7 OS	83	45	50	35	20	2,21	3,01	3,10	2,05	0,45	-0,60	0,49	-0,56
Q8IYI6	EXOC8	Exocyst complex component 8 OS	82	9	12	7	4	0,45	0,74	0,63	0,42	0,71	-0,60	0,49	-0,82
Q9NVH0	EXD2	Exonuclease 3'-5' domain-containing protein 2 OS	56	6	6	15	5	0,44	0,53	1,97	0,76	0,29	-1,38	2,18	0,50
O14980	XPO1	Exportin-1 OS	123	277	191	173	160	9,19	7,76	10,36	11,06	-0,24	0,09	0,17	0,51
P55060	XPO2	Exportin-2 OS	110	212	98	118	84	7,86	4,45	7,90	6,49	-0,82	-0,28	0,01	0,54
Q9C0E2	XPO4	Exportin-4 OS	130	132	130	100	76	4,15	5,01	5,68	4,98	0,27	-0,19	0,45	-0,01
Q9HAV4	XPO5	Exportin-5 OS	136	138	106	119	102	4,14	3,90	6,45	6,38	-0,09	-0,02	0,64	0,71
Q96QU8	XPO6	Exportin-6 OS	129	27	21	11	11	0,86	0,82	0,63	0,73	-0,07	0,21	-0,44	-0,17
Q9UIA9	XPO7	Exportin-7 OS	124	33	27	18	16	1,09	1,09	1,07	1,10	0,00	0,04	-0,02	0,01
O43592	XPOT	Exportin-T OS	110	288	168	214	191	10,72	7,66	14,39	14,82	-0,48	0,04	0,42	0,95
P15311	EZRI	Ezrin OS	69	8	8	12	n.i.	0,47	0,58	1,28	n.c.	0,29	n.c.	1,44	n.c.
P52907	CAZA1	F-actin-capping protein subunit alpha-1 OS	33	28	17	20	12	3,48	2,59	4,49	3,11	-0,43	-0,53	0,37	0,26
P47755	CAZA2	F-actin-capping protein subunit alpha-2 OS	33	16	8	12	5	1,99	1,22	2,69	1,29	-0,71	-1,06	0,44	0,09
P47756	CAPZB	F-actin-capping protein subunit beta OS	31	39	16	29	10	5,09	2,56	6,84	2,72	-0,99	-1,33	0,43	0,09
Q9BXW9	FACD2	Fanconi anemia group D2 protein OS	166	6	8	8	4	0,15	0,24	0,36	0,20	0,71	-0,79	1,27	-0,23
Q9NVI1	FANCI	Fanconi anemia group I protein OS	149	34	30	49	34	0,93	1,01	2,43	1,94	0,11	-0,32	1,38	0,95
Q53R41	FAKD1	FAST kinase domain-containing protein 1 OS	97	11	7	5	3	0,46	0,36	0,38	0,26	-0,36	-0,53	-0,28	-0,46
Q7L8L6	FAKD5	FAST kinase domain-containing protein 5 OS	87	4	n.i.	n.i.	3	0,19	n.c.	n.c.	0,30	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O95864	FADS2	Fatty acid desaturase 2 OS	52	10	8	3	n.i.	0,78	0,77	0,42	n.c.	-0,03	n.c.	-0,88	n.c.
P51648	AL3A2	Fatty aldehyde dehydrogenase OS	55	13	12	4	n.i.	0,97	1,10	0,54	n.c.	0,18	n.c.	-0,85	n.c.
Q7Z6J6	FRMD5	FERM domain-containing protein 5 OS	65	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,23	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96NE9	FRMD6	FERM domain-containing protein 6 OS	72	n.i.	n.i.	2	n.i.	n.c.	n.c.	0,21	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9Y4F1	FARP1	FERM, RhoGEF and pleckstrin domain-containing protein 1 OS	119	25	4	50	19	0,86	0,17	3,12	1,37	-2,35	-1,19	1,85	3,01
O94887	FARP2	FERM, RhoGEF and pleckstrin domain-containing protein 2 OS	120	10	n.i.	13	6	0,34	n.c.	0,80	0,43	n.c.	-0,909	1,232	n.c.
O95684	FR1OP	FGFR1 oncogene partner OS	43	9	5	6	2	0,86	0,58	1,03	0,40	-0,55	-1,38	0,27	-0,56
Q5CZC0	FSIP2	Fibrous sheath-interacting protein 2 OS	780	n.i.	n.i.	3	2	n.c.	n.c.	0,03	0,02	n.c.	-0,38	n.c.	n.c.
Q6PIW4	FIGL1	Fidgetin-like protein 1 OS	74	n.i.	2	10	2	n.c.	0,14	1,00	0,23	n.c.	-2,12	n.c.	0,77

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q5D862	FILA2	Filaggrin-2 OS	248	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,07	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O75369	FLNB	Filamin-B OS	278	177	123	251	218	2,60	2,22	6,67	6,69	-0,23	0,00	1,36	1,59
O75955	FLOT1	Flotillin-1 OS	47	70	58	58	53	6,05	6,14	9,05	9,55	0,02	0,08	0,58	0,64
Q14254	FLOT2	Flotillin-2 OS	47	46	37	32	29	4,00	3,94	5,03	5,26	-0,02	0,06	0,33	0,41
Q96PY5	FMNL2	Formin-like protein 2 OS	123	11	6	31	39	0,37	0,24	1,86	2,70	-0,58	0,54	2,35	3,47
P09382	LEG1	Galectin-1 OS	15	17	11	7	n.i.	4,73	3,75	3,52	n.c.	-0,334	n.c.	-0,427	n.c.
Q08380	LG3BP	Galectin-3-binding protein OS	65	21	24	28	21	1,32	1,84	3,17	2,74	0,49	-0,21	1,27	0,57
Q9BSJ2	GCP2	Gamma-tubulin complex component 2 OS	102	5	n.i.	7	18	0,20	n.c.	0,50	1,50	n.c.	1,57	1,34	n.c.
Q96CW5	GCP3	Gamma-tubulin complex component 3 OS	104	n.i.	n.i.	n.i.	4	n.c.	n.c.	n.c.	0,33	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9UGJ1	GCP4	Gamma-tubulin complex component 4 OS	76	3	n.i.	n.i.	6	0,16	n.c.	n.c.	0,67	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P17302	CXA1	Gap junction alpha-1 protein OS	43	14	9	15	8	1,33	1,05	2,58	1,59	-0,34	-0,70	0,95	0,60
Q86XJ1	GA2L3	GAS2-like protein 3 OS	75	25	7	29	11	1,36	0,47	2,85	1,25	-1,54	-1,19	1,07	1,42
Q9Y5B6	GCFC1	GC-rich sequence DNA-binding factor 1 OS	105	n.i.	n.i.	6	18	n.c.	n.c.	0,42	1,47	n.c.	1,79	n.c.	n.c.
Q8WXD5	GEMI6	Gem-associated protein 6 OS	19	n.i.	7	n.i.	4	n.c.	1,87	n.c.	1,81	n.c.	n.c.	n.c.	-0,04
Q3V6T2	GRDN	Girdin OS	215,9	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,06	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P14136	GFAP	Glial fibrillary acidic protein OS	50	17	21	n.i.	n.i.	1,39	2,11	n.c.	n.c.	0,60	n.c.	n.c.	n.c.
Q9NZM5	GSCR2	Glioma tumor suppressor candidate region gene 2 protein OS	54,4	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,23	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O94808	GFPT2	Glucosamine--fructose-6-phosphate aminotransferase [isomerizing] 2	77	5	n.i.	n.i.	n.i.	0,27	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P00367	DHE3	Glutamate dehydrogenase 1, mitochondrial OS	61	4	n.i.	n.i.	n.i.	0,27	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9NXS2	QPCTL	Glutaminyl-peptide cyclotransferase-like protein OS	43	5	4	3	n.i.	0,48	0,47	0,52	n.c.	-0,03	n.c.	0,12	n.c.
Q92947	GCDH	Glutaryl-CoA dehydrogenase, mitochondrial OS	48	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,31	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8N158	GPC2	Glypican-2 OS	63	n.i.	n.i.	4	n.i.	n.c.	n.c.	0,47	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9Y625	GPC6	Glypican-6 OS	63	7	n.i.	9	n.i.	0,46	n.c.	1,06	n.c.	n.c.	n.c.	1,22	n.c.
Q92896	GSLG1	Golgi apparatus protein 1 OS	134	22	8	64	43	0,67	0,30	3,52	2,73	-1,17	-0,37	2,39	3,19
B7ZAQ6	GPHRA	Golgi pH regulator A OS	53	10	12	14	5	0,77	1,14	1,96	0,81	0,56	-1,28	1,34	-0,50
Q14789	GOGB1	Golgin subfamily B member 1 OS	376	n.i.	5	n.i.	n.i.	n.c.	0,07	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q92538	GBF1	Golgi-specific brefeldin A-resistance guanine nucleotide exchange factor 1 OS	206	39	64	20	28	0,77	1,55	0,72	1,16	1,008	0,692	-0,110	-0,427
Q96S52	PIGS	GPI transamidase component PIG-S OS	62	9	2	16	n.i.	0,60	0,16	1,92	n.c.	-1,88	n.c.	1,68	n.c.

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q969N2	PIGT	GPI transamidase component PIG-T OS	66	8	n.i.	6	n.i.	0,50	n.c.	0,68	n.c.	n.c.	n.c.	0,44	n.c.
Q92643	GPI8	GPI-anchor transamidase OS	45,2	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,27	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q86SQ4	GP126	G-protein coupled receptor 126 OS	137	n.i.	n.i.	n.i.	3	n.c.	n.c.	n.c.	0,19	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9Y653	GPR56	G-protein coupled receptor 56 OS	78	n.i.	n.i.	4	12	n.c.	n.c.	0,38	1,32	n.c.	1,79	n.c.	n.c.
Q86YR5	GPSM1	G-protein-signaling modulator 1 OS	74	n.i.	n.i.	3	6	n.c.	n.c.	0,30	0,69	n.c.	1,21	n.c.	n.c.
Q9UQC2	GAB2	GRB2-associated-binding protein 2 OS	74	3	5	9	n.i.	0,16	0,34	0,89	n.c.	1,03	n.c.	2,44	n.c.
Q8TAE8	G45IP	Growth arrest and DNA damage-inducible proteins-interacting protein 1 OS	25	9	5	9	n.i.	1,45	0,99	2,62	n.c.	-0,55	n.c.	0,85	n.c.
P62993	GRB2	Growth factor receptor-bound protein 2 OS	25	40	35	50	10	6,49	6,96	14,66	3,38	0,10	-2,12	1,18	-1,04
P62826	RAN	GTP-binding nuclear protein Ran OS	24	8	7	5	5	1,34	1,44	1,51	1,75	0,10	0,21	0,18	0,28
P52735	VAV2	Guanine nucleotide exchange factor VAV2 OS	101	n.i.	16	7	5	n.c.	0,79	0,51	0,42	n.c.	-0,28	n.c.	-0,91
P63096	GNAI1	Guanine nucleotide-binding protein G(i) subunit alpha-1 OS	40	10	n.i.	n.i.	n.i.	1,01	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P04899	GNAI2	Guanine nucleotide-binding protein G(i) subunit alpha-2 OS	40	16	5	10	4	1,62	0,62	1,83	0,84	-1,38	-1,12	0,18	0,44
P62873	GBB1	Guanine nucleotide-binding protein G(I)/G(S)/G(T) subunit beta-1 OS	37	7	4	5	n.i.	0,77	0,54	0,99	n.c.	-0,51	n.c.	0,37	n.c.
P08754	GNAI3	Guanine nucleotide-binding protein G(k) subunit alpha OS	41	15	5	9	n.i.	1,51	0,62	1,64	n.c.	-1,29	n.c.	0,12	n.c.
P63092	GNAS2	Guanine nucleotide-binding protein G(s) subunit alpha isoforms short OS	46	9	5	12	3	0,81	0,55	1,94	0,56	-0,55	-1,79	1,27	0,03
Q9NVN8	GNL3L	Guanine nucleotide-binding protein-like 3-like protein OS	66	14	27	30	23	0,87	2,07	3,38	2,99	1,24	-0,18	1,95	0,53
Q9NY12	GAR1	H/ACA ribonucleoprotein complex subunit 1 OS	22	3	5	4	4	0,55	1,12	1,32	1,53	1,03	0,21	1,27	0,44
Q9NX24	NHP2	H/ACA ribonucleoprotein complex subunit 2 OS	17	n.i.	6	6	8	n.c.	1,75	2,58	3,97	n.c.	0,62	n.c.	1,18
Q9NPE3	NOP10	H/ACA ribonucleoprotein complex subunit 3 OS	8	3	5	6	6	1,59	3,25	5,76	6,64	1,03	0,21	1,85	1,03
Q96CS2	HAUS1	HAUS augmin-like complex subunit 1 OS	32	n.i.	n.i.	2	n.i.	n.c.	n.c.	0,46	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q68CZ6	HAUS3	HAUS augmin-like complex subunit 3 OS	70	4	n.i.	2	n.i.	0,24	n.c.	0,21	n.c.	n.c.	n.c.	-0,15	n.c.
O94927	HAUS5	HAUS augmin-like complex subunit 5 OS	71,6	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,17	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9BT25	HAUS8	HAUS augmin-like complex subunit 8 OS	44,8	2	n.i.	n.i.	n.i.	0,18	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O00165	HAX1	HCLS1-associated protein X-1 OS	32	10	10	8	n.i.	1,29	1,59	1,87	n.c.	0,29	n.c.	0,53	n.c.

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q9H583	HEAT1	HEAT repeat-containing protein 1 OS	242	69	112	62	48	1,17	2,32	1,89	1,69	0,99	-0,16	0,70	-0,46
Q86Y56	HEAT2	HEAT repeat-containing protein 2 OS	93	26	21	20	15	1,14	1,13	1,58	1,37	-0,01	-0,21	0,47	0,28
Q7Z4Q2	HEAT3	HEAT repeat-containing protein 3 OS	75	10	9	4	4	0,55	0,61	0,40	0,46	0,14	0,21	-0,47	-0,40
O43301	HS12A	Heat shock 70 kDa protein 12A OS	75	3	2	n.i.	n.i.	0,16	0,13	n.c.	n.c.	-0,29	n.c.	n.c.	n.c.
P08107	HSP71	Heat shock 70 kDa protein 1A/1B OS	70	54	57	72	72	3,15	4,08	7,60	8,77	0,37	0,21	1,27	1,10
P11142	HSP7C	Heat shock cognate 71 kDa protein OS	71	243	189	188	167	14,03	13,37	19,60	20,09	-0,07	0,04	0,48	0,59
Q7LGA3	HS2ST	Heparan sulfate 2-O-sulfotransferase 1 OS	42	4	5	n.i.	n.i.	0,39	0,60	n.c.	n.c.	0,62	n.c.	n.c.	n.c.
P09038	FGF2	Heparin-binding growth factor 2 OS	30,8	2	n.i.	n.i.	n.i.	0,27	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O14964	HGS	Hepatocyte growth factor-regulated tyrosine kinase substrate OS	86	n.i.	n.i.	n.i.	5	n.c.	n.c.	n.c.	0,49	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q5SSJ5	HP1B3	Heterochromatin protein 1-binding protein 3 OS	61	11	19	33	24	0,74	1,56	3,99	3,34	1,08	-0,25	2,44	1,10
Q9Y294	ASF1A	Histone chaperone ASF1A OS	23	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,66	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9UKV0	HDAC9	Histone deacetylase 9 OS	111	n.i.	n.i.	2	n.i.	n.c.	n.c.	0,13	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P10412	H14	Histone H1.4 OS	22	100	157	170	161	18,72	36,02	57,47	62,81	0,94	0,13	1,62	0,80
P22492	H1T	Histone H1t OS	22	35	71	63	61	6,50	16,17	21,15	23,63	1,31	0,16	1,70	0,55
P16104	H2AX	Histone H2A.x OS	15	36	31	48	31	9,73	10,27	23,43	17,46	0,08	-0,42	1,27	0,77
P0C0S5	H2AZ	Histone H2A.Z OS	14	37	32	50	41	11,17	11,84	27,27	25,80	0,08	-0,08	1,29	1,12
P06899	H2B1J	Histone H2B type 1-J OS	14	132	156	234	209	38,85	56,28	124,41	128,22	0,53	0,04	1,68	1,19
O60814	H2B1K	Histone H2B type 1-K OS	14	134	156	232	210	39,48	56,33	123,47	128,96	0,51	0,06	1,65	1,19
P05534	1A24	HLA class I histocompatibility antigen, A-24 alpha chain OS	41	6	8	11	12	0,60	0,99	2,00	2,52	0,71	0,33	1,73	1,35
P56177	DLX1	Homeobox protein DLX-1 OS	27	n.i.	10	n.i.	n.i.	n.c.	1,84	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P01857	IGHG1	Ig gamma-1 chain C region OS	36	785	682	743	845	88,97	94,74	152,12	199,63	0,09	0,39	0,77	1,08
P01859	IGHG2	Ig gamma-2 chain C region OS	36	n.i.	229	n.i.	n.i.	n.c.	32,00	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P01860	IGHG3	Ig gamma-3 chain C region OS	41	249	n.i.	269	314	24,68	n.c.	48,16	64,88	n.c.	0,43	0,96	n.c.
P01861	IGHG4	Ig gamma-4 chain C region OS	36	n.i.	74	n.i.	n.i.	n.c.	10,33	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P01834	IGKC	Ig kappa chain C region OS	12	379	415	413	357	133,60	179,31	262,98	262,32	0,42	0,00	0,98	0,55
Q8TDY8	IGDC4	Immunoglobulin superfamily DCC subclass member 4 OS	134	n.i.	n.i.	4	6	n.c.	n.c.	0,22	0,38	n.c.	0,79	n.c.	n.c.
Q14974	IMB1	Importin subunit beta-1 OS	97	143	117	125	103	6,02	6,04	9,51	9,04	0,00	-0,07	0,66	0,58
Q9UI26	IPO11	Importin-11 OS	112	16	14	2	n.i.	0,58	0,62	0,13	n.c.	0,10	n.c.	-2,15	n.c.

Accession	Gen	Protein	M [kDa]	PSM				% von EGFR				log2			
				NCH	NCH+	NCHvIII	NCHvIII+	NCH	NCH+	NCHvIII	NCHvIII+	NCH+/ NCH	NCHvIII+/ NCHvIII	NCHvIII/ NCH	NCHvIII+/ NCH+
O94829	IPO13	Importin-13 OS	108	16	4	2	n.i.	0,61	0,19	0,14	n.c.	-1,71	n.c.	-2,15	n.c.
Q8TEX9	IPO4	Importin-4 OS	119	27	28	21	19	0,93	1,18	1,31	1,37	0,35	0,06	0,49	0,21
O00410	IPO5	Importin-5 OS	124	268	215	161	148	8,87	8,72	9,63	10,21	-0,02	0,09	0,12	0,23
O95373	IPO7	Importin-7 OS	119	111	71	76	55	3,80	2,98	4,70	3,93	-0,35	-0,26	0,31	0,40
O15397	IPO8	Importin-8 OS	120	18	10	6	6	0,61	0,42	0,37	0,43	-0,55	0,21	-0,73	0,03
Q96P70	IPO9	Importin-9 OS	116	194	150	133	120	6,85	6,49	8,48	8,83	-0,08	0,06	0,31	0,44
Q70EL1	UBP54	Inactive ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase 54 OS	187	13	3	21	12	0,28	0,08	0,83	0,55	-1,82	-0,60	1,55	2,77
Q14643	ITPR1	Inositol 1,4,5-trisphosphate receptor type 1 OS	314	64	30	103	61	0,83	0,48	2,43	1,66	-0,80	-0,55	1,54	1,79
Q14571	ITPR2	Inositol 1,4,5-trisphosphate receptor type 2 OS	308	375	188	413	298	4,98	3,06	9,91	8,25	-0,70	-0,26	0,99	1,43
Q14573	ITPR3	Inositol 1,4,5-trisphosphate receptor type 3 OS	304	16	n.i.	63	49	0,22	n.c.	1,53	1,37	n.c.	-0,16	2,83	n.c.
P08069	IGF1R	Insulin-like growth factor 1 receptor OS	155	n.i.	n.i.	2	8	n.c.	n.c.	0,10	0,44	n.c.	2,21	n.c.	n.c.
Q8N201	INT1	Integrator complex subunit 1 OS	244	4	20	n.i.	2	0,07	0,41	n.c.	0,07	2,62	n.c.	n.c.	-2,56
Q9H0H0	INT2	Integrator complex subunit 2 OS	134	n.i.	5	n.i.	3	n.c.	0,19	n.c.	0,19	n.c.	n.c.	n.c.	0,03
Q9UL03	INT6	Integrator complex subunit 6 OS	100	n.i.	n.i.	6	6	n.c.	n.c.	0,44	0,51	n.c.	0,21	n.c.	n.c.
P06756	ITAV	Integrin alpha-V OS	116	n.i.	n.i.	5	n.i.	n.c.	n.c.	0,32	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P15260	INGR1	Interferon gamma receptor 1 OS	54	n.i.	n.i.	n.i.	3	n.c.	n.c.	n.c.	0,47	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P51617	IRAK1	Interleukin-1 receptor-associated kinase 1 OS	76	10	6	5	4	0,53	0,39	0,48	0,45	-0,44	-0,12	-0,15	0,18
P40189	IL6RB	Interleukin-6 receptor subunit beta OS	103	n.i.	n.i.	n.i.	6	n.c.	n.c.	n.c.	0,49	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96LB3	IFT74	Intraflagellar transport protein 74 homolog OS	69,2	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,18	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q6DN90	IQEC1	IQ motif and SEC7 domain-containing protein 1 OS	108	n.i.	n.i.	n.i.	3	n.c.	n.c.	n.c.	0,24	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P14923	PLAK	Junction plakoglobin OS	82	n.i.	n.i.	8	7	n.c.	n.c.	0,72	0,73	n.c.	0,014	n.c.	n.c.
Q14145	KEAP1	Kelch-like ECH-associated protein 1 OS	70	2	n.i.	6	n.i.	0,12	n.c.	0,64	n.c.	n.c.	n.c.	2,44	n.c.
Q53GT1	KLH22	Kelch-like protein 22 OS	72	n.i.	6	n.i.	n.i.	n.c.	0,42	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8IXQ5	KLHL7	Kelch-like protein 7 OS	66	9	n.i.	4	n.i.	0,56	n.c.	0,45	n.c.	n.c.	n.c.	-0,32	n.c.
Q9P2J3	KLHL9	Kelch-like protein 9 OS	69,38	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,18	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P13646	K1C13	Keratin, type I cytoskeletal 13 OS	50	n.i.	19	n.i.	n.i.	n.c.	1,92	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q14CN4	K2C72	Keratin, type II cytoskeletal 72 OS	56	n.i.	n.i.	n.i.	7	n.c.	n.c.	n.c.	1,07	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96J84	KIRR1	Kin of IRRE-like protein 1 OS	83	3	n.i.	6	5	0,15	n.c.	0,53	0,51	n.c.	-0,06	1,85	n.c.
Q9ULH0	KDIS	Kinase D-interacting substrate of 220 kDa OS	196	33	32	84	88	0,69	0,82	3,16	3,82	0,25	0,27	2,20	2,23
O60282	KIF5C	Kinesin heavy chain isoform 5C OS	109	n.i.	n.i.	n.i.	13	n.c.	n.c.	n.c.	1,01	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.

Accession	Gen	Protein	M [kDa]	PSM				% von EGFR				log2			
				NCH	NCH+	NCHvIII	NCHvIII+	NCH	NCH+	NCHvIII	NCHvIII+	NCH+/ NCH	NCHvIII+/ NCHvIII	NCHvIII/ NCH	NCHvIII+/ NCH+
Q07866	KLC1	Kinesin light chain 1 OS	65	7	6	14	9	0,44	0,46	1,58	1,18	0,07	-0,43	1,85	1,35
Q9H0B6	KLC2	Kinesin light chain 2 OS	69	8	n.i.	9	5	0,47	n.c.	0,97	0,62	n.c.	-0,64	1,02	n.c.
Q9NSK0	KLC4	Kinesin light chain 4 OS	69	2	2	3	2	0,12	0,15	0,32	0,25	0,29	-0,38	1,44	0,77
Q15058	KIF14	Kinesin-like protein KIF14 OS	186	66	49	90	60	1,45	1,32	3,57	2,74	-0,14	-0,38	1,30	1,06
Q14807	KIF22	Kinesin-like protein KIF22 OS	73	n.i.	2	5	5	n.c.	0,14	0,50	0,58	n.c.	0,21	n.c.	2,09
Q2KJY2	KI26B	Kinesin-like protein KIF26B OS	224	2	n.i.	13	3	0,04	n.c.	0,43	0,11	n.c.	-1,91	3,55	n.c.
Q9Y496	KIF3A	Kinesin-like protein KIF3A OS	80	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,28	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q14678	KANK1	KN motif and ankyrin repeat domain-containing protein 1 OS	147	3	n.i.	7	8	0,08	n.c.	0,35	0,46	n.c.	0,40	2,08	n.c.
Q14739	LBR	Lamin-B receptor OS	71	n.i.	n.i.	2	n.i.	n.c.	n.c.	0,21	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P20700	LMNB1	Lamin-B1 OS	66	33	47	59	31	2,03	3,55	6,57	3,98	0,80	-0,72	1,69	0,17
Q03252	LMNB2	Lamin-B2 OS	68	27	19	36	21	1,63	1,41	3,93	2,65	-0,21	-0,57	1,27	0,91
P07942	LAMB1	Laminin subunit beta-1 OS	198	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,09	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q01650	LAT1	Large neutral amino acids transporter small subunit 1 OS	55	5	n.i.	n.i.	n.i.	0,37	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9H089	LSG1	Large subunit GTPase 1 homolog OS	75	23	13	25	12	1,25	0,87	2,46	1,36	-0,53	-0,85	0,97	0,65
O95490	LPHN2	Latrophilin-2 OS	163	n.i.	n.i.	5	7	n.c.	n.c.	0,23	0,37	n.c.	0,69	n.c.	n.c.
Q9HAR2	LPHN3	Latrophilin-3 OS	162	n.i.	n.i.	6	n.i.	n.c.	n.c.	0,27	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O95202	LETM1	LETM1 and EF-hand domain-containing protein 1, mitochondrial OS	83	7	3	n.i.	3	0,34	0,18	n.c.	0,31	-0,93	n.c.	n.c.	0,77
Q86V48	LUZP1	Leucine zipper protein 1 OS	120	n.i.	n.i.	14	7	n.c.	n.c.	0,86	0,50	n.c.	-0,79	n.c.	n.c.
Q9Y250	LZTS1	Leucine zipper putative tumor suppressor 1 OS	67	13	9	19	5	0,80	0,68	2,11	0,64	-0,24	-1,72	1,40	-0,08
Q9BRK4	LZTS2	Leucine zipper putative tumor suppressor 2 OS	73	42	16	32	21	2,36	1,10	3,25	2,46	-1,10	-0,40	0,46	1,16
Q5S007	LRRK2	Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2 OS	286	n.i.	5	3	7	n.c.	0,09	0,08	0,21	n.c.	1,43	n.c.	1,25
Q8N1G4	LRC47	Leucine-rich repeat-containing protein 47 OS	63	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,35	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8IWT6	LRC8A	Leucine-rich repeat-containing protein 8A OS	94	n.i.	n.i.	2	n.i.	n.c.	n.c.	0,16	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9UIQ6	LCAP	Leucyl-cystinyl aminopeptidase OS	117	n.i.	n.i.	n.i.	11	n.c.	n.c.	n.c.	0,80	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P42702	LIFR	Leukemia inhibitory factor receptor OS	124	n.i.	n.i.	n.i.	4	n.c.	n.c.	n.c.	0,28	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9UPQ0	LIMC1	LIM and calponin homology domains-containing protein 1 OS	122	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,14	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q9UHB6	LIMA1	LIM domain and actin-binding protein 1 OS	85	245	112	213	139	11,76	6,59	18,47	13,91	-0,84	-0,41	0,65	1,08
Q8WWI1	LMO7	LIM domain only protein 7 OS	193	137	42	167	92	2,91	1,09	6,41	4,07	-1,41	-0,65	1,14	1,90
Q13449	LSAMP	Limbic system-associated membrane protein OS	37	16	6	17	8	1,75	0,80	3,36	1,82	-1,12	-0,88	0,94	1,18
Q13136	LIPA1	Liprin-alpha-1 OS	136	n.i.	n.i.	3	5	n.c.	n.c.	0,16	0,31	n.c.	0,94	n.c.	n.c.
Q6PCB7	S27A1	Long-chain fatty acid transport protein 1 OS	71	n.i.	10	n.i.	4	n.c.	0,71	n.c.	0,48	n.c.	n.c.	n.c.	-0,56
P33121	ACSL1	Long-chain-fatty-acid--CoA ligase 1 OS	78	n.i.	5	n.i.	n.i.	n.c.	0,32	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O95573	ACSL3	Long-chain-fatty-acid--CoA ligase 3 OS	80	15	13	12	9	0,76	0,81	1,10	0,95	0,09	-0,21	0,53	0,24
O75581	LRP6	Low-density lipoprotein receptor-related protein 6 OS	180	n.i.	n.i.	n.i.	5	n.c.	n.c.	n.c.	0,24	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9UJU2	LEF1	Lymphoid enhancer-binding factor 1 OS	44	n.i.	7	n.i.	n.i.	n.c.	0,79	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P10619	PPGB	Lysosomal protective protein OS	54	7	3	n.i.	n.i.	0,53	0,28	n.c.	n.c.	-0,93	n.c.	n.c.	n.c.
Q9H0U3	MAGT1	Magnesium transporter protein 1 OS	38	12	n.i.	10	n.i.	1,29	n.c.	1,94	n.c.	n.c.	n.c.	0,59	n.c.
Q8N3R9	MPP5	MAGUK p55 subfamily member 5 OS	77	8	n.i.	11	10	0,42	n.c.	1,05	1,10	n.c.	0,07	1,31	n.c.
P40926	MDHM	Malate dehydrogenase, mitochondrial OS	35	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,42	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q14165	MLEC	Malectin OS	32	5	2	9	n.i.	0,63	0,31	2,06	n.c.	-1,03	n.c.	1,70	n.c.
Q13724	MOGS	Mannosyl-oligosaccharide glucosidase OS	92	16	18	18	15	0,71	0,98	1,45	1,39	0,46	-0,06	1,02	0,50
Q3KQU3	MA7D1	MAP7 domain-containing protein 1 OS	93	6	6	14	22	0,26	0,32	1,11	2,02	0,29	0,86	2,08	2,64
Q14676	MDC1	Mediator of DNA damage checkpoint protein 1 OS	227	n.i.	8	16	16	n.c.	0,18	0,52	0,60	n.c.	0,21	n.c.	1,77
Q96RN5	MED15	Mediator of RNA polymerase II transcription subunit 15 OS	87	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,20	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9Y2X0	MED16	Mediator of RNA polymerase II transcription subunit 16 OS	97	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,18	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9Y5V3	MAGD1	Melanoma-associated antigen D1 OS	86	3	n.i.	n.i.	5	0,14	n.c.	n.c.	0,50	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q15049	MLC1	Membrane protein MLC1 OS	41	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,41	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96QZ7	MAGI1	Membrane-associated guanylate kinase, WW and PDZ domain-containing protein 1 OS	164	4	n.i.	11	4	0,10	n.c.	0,49	0,21	n.c.	-1,25	2,31	n.c.
Q86UL8	MAGI2	Membrane-associated guanylate kinase, WW and PDZ domain-containing protein 2 OS	159	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,11	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O00264	PGRC1	Membrane-associated progesterone receptor component 1 OS	22	23	17	16	8	4,34	3,93	5,46	3,15	-0,14	-0,79	0,33	-0,32

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
O15173	PGRC2	Membrane-associated progesterone receptor component 2 OS	23,8	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,52	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O00255	MEN1	Menin OS	68	3	4	n.i.	n.i.	0,18	0,30	n.c.	n.c.	0,71	n.c.	n.c.	n.c.
P35240	MERL	Merlin OS	70	24	12	38	17	1,41	0,86	4,03	2,08	-0,71	-0,95	1,52	1,27
Q9HCC0	MCCB	Methylcrotonoyl-CoA carboxylase beta chain, mitochondrial OS	61	43	55	90	98	2,87	4,50	10,85	13,63	0,65	0,33	1,92	1,60
Q96RQ3	MCCA	Methylcrotonoyl-CoA carboxylase subunit alpha, mitochondrial OS	80	32	35	75	68	1,63	2,18	6,89	7,21	0,42	0,07	2,08	1,72
Q96PK2	MACF4	Microtubule-actin cross-linking factor 1, isoform 4 OS	670	15	n.i.	18	11	0,09	n.c.	0,20	0,14	n.c.	-0,504	1,116	n.c.
Q9UPN3	MACF1	Microtubule-actin cross-linking factor 1, isoforms 1/2/3/5 OS	620	n.i.	n.i.	n.i.	9	n.c.	n.c.	n.c.	0,12	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9NU22	MDN1	Midasin OS	632	4	31	n.i.	n.i.	0,03	0,25	n.c.	n.c.	3,25	n.c.	n.c.	n.c.
Q9Y6C9	MTCH2	Mitochondrial carrier homolog 2 OS	33	4	3	5	n.i.	0,49	0,45	1,11	n.c.	-0,12	n.c.	1,18	n.c.
Q16891	IMMT	Mitochondrial inner membrane protein OS	84	57	46	50	59	2,79	2,76	4,42	6,01	-0,02	0,45	0,66	1,13
Q8IXI2	MIRO1	Mitochondrial Rho GTPase 1 OS	71	14	9	9	8	0,81	0,64	0,94	0,96	-0,34	0,04	0,22	0,60
Q8IXI1	MIRO2	Mitochondrial Rho GTPase 2 OS	68	12	8	10	n.i.	0,72	0,59	1,09	n.c.	-0,29	n.c.	0,59	n.c.
O95819	M4K4	Mitogen-activated protein kinase kinase kinase kinase 4 OS	142	n.i.	n.i.	n.i.	3	n.c.	n.c.	n.c.	0,18	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8IXM2	CQ049	MLL1/MLL complex subunit C17orf49 OS	18	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,95	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96T76	MMS19	MMS19 nucleotide excision repair protein homolog OS	113	40	13	12	8	1,44	0,58	0,78	0,60	-1,33	-0,38	-0,88	0,07
P26038	MOES	Moesin OS	68	21	9	28	13	1,27	0,67	3,05	1,64	-0,93	-0,90	1,27	1,30
P53985	MOT1	Monocarboxylate transporter 1 OS	54	9	n.i.	n.i.	n.i.	0,68	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O60942	MCE1	mRNA-capping enzyme OS	69	3	3	3	n.i.	0,18	0,22	0,32	n.c.	0,29	n.c.	0,85	n.c.
Q9NPI6	DCP1A	mRNA-decapping enzyme 1A OS	63	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,27	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O15439	MRP4	Multidrug resistance-associated protein 4 OS	149	n.i.	n.i.	5	n.i.	n.c.	n.c.	0,25	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O75970	MPDZ	Multiple PDZ domain protein OS	218	11	8	35	32	0,21	0,18	1,18	1,25	-0,17	0,08	2,52	2,77
Q15773	MLF2	Myeloid leukemia factor 2 OS	28	3	3	n.i.	n.i.	0,44	0,53	n.c.	n.c.	0,29	n.c.	n.c.	n.c.
Q6WCQ1	MPRIP	Myosin phosphatase Rho-interacting protein OS	116	64	31	113	112	2,25	1,33	7,17	8,20	-0,75	0,19	1,67	2,62
P35580	MYH10	Myosin-10 OS	229	523	298	413	405	9,35	6,53	13,33	15,09	-0,52	0,18	0,51	1,21

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
P35579	MYH9	Myosin-9 OS	226	282	185	151	312	5,09	4,10	4,93	11,75	-0,31	1,25	-0,05	1,52
Q12965	MYO1E	Myosin-Ie OS	127	17	n.i.	11	2	0,55	n.c.	0,64	0,13	n.c.	-2,25	0,23	n.c.
B2RTY4	MYO9A	Myosin-IXa OS	293	5	5	5	11	0,07	0,09	0,13	0,32	0,29	1,34	0,85	1,90
Q9Y4I1	MYO5A	Myosin-Va OS	215	70	33	38	50	1,33	0,77	1,30	1,98	-0,79	0,60	-0,03	1,37
Q9ULV0	MYO5B	Myosin-Vb OS	214	127	71	77	98	2,43	1,67	2,66	3,91	-0,55	0,55	0,13	1,23
Q9NQX4	MYO5C	Myosin-Vc OS	203	114	41	82	74	2,30	1,01	2,99	3,11	-1,18	0,06	0,38	1,62
Q9HD67	MYO10	Myosin-X OS	237	27	11	20	9	0,47	0,23	0,62	0,32	-1,00	-0,95	0,42	0,48
Q92614	MY18A	Myosin-XVIIIa OS	233	6	4	5	n.i.	0,11	0,09	0,16	n.c.	-0,29	n.c.	0,59	n.c.
O95248	MTMR5	Myotubularin-related protein 5 OS	208	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,08	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9NZQ3	SPN90	NCK-interacting protein with SH3 domain OS	79	n.i.	n.i.	4	n.i.	n.c.	n.c.	0,37	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9H0M0	WWP1	NEDD4-like E3 ubiquitin-protein ligase WWP1 OS	105	n.i.	n.i.	n.i.	10	n.c.	n.c.	n.c.	0,81	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O00308	WWP2	NEDD4-like E3 ubiquitin-protein ligase WWP2 OS	99	n.i.	n.i.	n.i.	25	n.c.	n.c.	n.c.	2,16	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9H3P2	NELFA	Negative elongation factor A OS	57	9	4	21	4	0,64	0,35	2,71	0,60	-0,88	-2,19	2,08	0,77
Q8WX92	NELFB	Negative elongation factor B OS	66	25	22	44	25	1,56	1,68	4,95	3,25	0,11	-0,61	1,67	0,95
Q8IXH7	NELFD	Negative elongation factor C/D OS	66	n.i.	6	10	7	n.c.	0,45	1,12	0,90	n.c.	-0,31	n.c.	0,99
Q92859	NEO1	Neogenin OS	160	10	n.i.	9	n.i.	0,26	n.c.	0,42	n.c.	n.c.	n.c.	0,701	n.c.
P48681	NEST	Nestin OS	177	1072	583	1325	1070	24,72	16,48	55,20	51,44	-0,59	-0,10	1,16	1,64
O95185	UNC5C	Netrin receptor UNC5C OS	103	n.i.	3	n.i.	4	n.c.	0,15	n.c.	0,33	n.c.	n.c.	n.c.	1,18
Q9ULJ8	NEB1	Neurabin-1 OS	123	199	104	196	130	6,60	4,23	11,75	8,99	-0,64	-0,39	0,83	1,09
Q96SB3	NEB2	Neurabin-2 OS	89	159	73	185	102	7,29	4,11	15,33	9,75	-0,83	-0,65	1,07	1,25
P13591	NCAM1	Neural cell adhesion molecule 1 OS	95	n.i.	n.i.	6	n.i.	n.c.	n.c.	0,47	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q6ZNJ1	NBEL2	Neurobeachin-like protein 2 OS	302	5	7	3	2	0,07	0,12	0,07	0,06	0,78	-0,38	0,12	-1,04
A2RRP1	NBAS	Neuroblastoma-amplified sequence OS	268	50	54	47	33	0,76	1,01	1,29	1,05	0,40	-0,30	0,76	0,06
Q9UBB6	NCDN	Neurochondrin OS	79	24	18	20	15	1,25	1,14	1,87	1,62	-0,121	-0,208	0,590	0,503
P21359	NF1	Neurofibromin OS	319	21	96	21	18	0,27	1,51	0,49	0,48	2,49	-0,02	0,85	-1,65
P07196	NFL	Neurofilament light polypeptide OS	61	110	53	54	28	7,32	4,32	6,49	3,88	-0,76	-0,74	-0,17	-0,15
P46531	NOTC1	Neurogenic locus notch homolog protein 1 OS	272	n.i.	6	9	49	n.c.	0,11	0,24	1,53	n.c.	2,65	n.c.	3,80
Q04721	NOTC2	Neurogenic locus notch homolog protein 2 OS	265	n.i.	4	11	29	n.c.	0,08	0,31	0,93	n.c.	1,61	n.c.	3,62
Q9UM47	NOTC3	Neurogenic locus notch homolog protein 3 OS	243	n.i.	n.i.	n.i.	9	n.c.	n.c.	n.c.	0,32	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8NEY1	NAV1	Neuron navigator 1 OS	202	22	20	46	33	0,44	0,50	1,68	1,39	0,16	-0,27	1,92	1,49
Q8IVL1	NAV2	Neuron navigator 2 OS	268	4	2	8	n.i.	0,06	0,04	0,22	n.c.	-0,71	n.c.	1,85	n.c.

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q8IY17	PLPL6	Neuropathy target esterase OS	150	n.i.	n.i.	6	5	n.c.	n.c.	0,30	0,28	n.c.	-0,06	n.c.	n.c.
O60462	NRP2	Neuropilin-2 OS	105	n.i.	n.i.	2	3	n.c.	n.c.	0,14	0,24	n.c.	0,79	n.c.	n.c.
P43007	SATT	Neutral amino acid transporter A OS	56	14	3	12	5	1,03	0,27	1,59	0,77	-1,93	-1,06	0,63	1,50
Q15758	AAAT	Neutral amino acid transporter B(0) OS	56,6	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,22	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q0ZGT2	NEXN	Nexilin OS	81	13	n.i.	7	3	0,66	n.c.	0,64	0,32	n.c.	-1,02	-0,04	n.c.
P55769	NH2L1	NHP2-like protein 1 OS	14	n.i.	n.i.	6	6	n.c.	n.c.	3,13	3,61	n.c.	0,21	n.c.	n.c.
O60443	DFNA5	Non-syndromic hearing impairment protein 5 OS	55	4	n.i.	n.i.	n.i.	0,30	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9NXR1	NDE1	Nuclear distribution protein nudE homolog 1 OS	38,8	2	n.i.	n.i.	n.i.	0,21	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
A8CG34	P121C	Nuclear envelope pore membrane protein POM 121C OS	125	n.i.	n.i.	4	n.i.	n.c.	n.c.	0,24	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q14980	NUMA1	Nuclear mitotic apparatus protein 1 OS	238	6	16	16	11	0,10	0,34	0,50	0,39	1,71	-0,33	2,27	0,23
P57740	NU107	Nuclear pore complex protein Nup107 OS	106	9	8	16	29	0,35	0,38	1,11	2,33	0,12	1,06	1,68	2,62
Q8WUM0	NU133	Nuclear pore complex protein Nup133 OS	129	5	10	9	22	0,16	0,39	0,52	1,45	1,29	1,50	1,70	1,90
Q12769	NU160	Nuclear pore complex protein Nup160 OS	162	33	30	53	64	0,83	0,93	2,42	3,37	0,16	0,48	1,54	1,86
Q92621	NU205	Nuclear pore complex protein Nup205 OS	228	44	65	58	67	0,79	1,43	1,88	2,51	0,86	0,41	1,25	0,81
Q9UKX7	NUP50	Nuclear pore complex protein Nup50 OS	50	2	n.i.	2	n.i.	0,16	n.c.	0,29	n.c.	n.c.	n.c.	0,85	n.c.
Q9BW27	NUP85	Nuclear pore complex protein Nup85 OS	75	36	42	19	23	1,96	2,81	1,87	2,62	0,52	0,48	-0,07	-0,10
Q99567	NUP88	Nuclear pore complex protein Nup88 OS	83	10	14	16	14	0,49	0,84	1,42	1,43	0,78	0,01	1,53	0,77
Q8N1F7	NUP93	Nuclear pore complex protein Nup93 OS	93	29	32	34	39	1,27	1,72	2,69	3,56	0,44	0,40	1,08	1,05
Q8TC05	MDM1	Nuclear protein MDM1 OS	81	6	n.i.	6	3	0,30	n.c.	0,55	0,32	n.c.	-0,79	0,85	n.c.
Q9BZE4	NOG1	Nucleolar GTP-binding protein 1 OS	74	25	39	38	43	1,38	2,64	3,80	4,96	0,94	0,38	1,46	0,91
Q9H8H0	NOL11	Nucleolar protein 11 OS	81	n.i.	n.i.	4	n.i.	n.c.	n.c.	0,36	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9H6R4	NOL6	Nucleolar protein 6 OS	128	n.i.	n.i.	4	n.i.	n.c.	n.c.	0,23	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q53GS7	GLE1	Nucleoporin GLE1 OS	80	4	3	7	6	0,21	0,19	0,65	0,64	-0,12	-0,02	1,66	1,77
Q9BTX1	NDC1	Nucleoporin NDC1 OS	76	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,20	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q5SRE5	NU188	Nucleoporin NUP188 homolog OS	196	13	23	23	38	0,27	0,59	0,87	1,65	1,12	0,93	1,68	1,49
Q8NFH3	NUP43	Nucleoporin Nup43 OS	42,1	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,29	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8NFH5	NUP53	Nucleoporin NUP53 OS	35	11	14	9	8	1,29	2,02	1,91	1,96	0,64	0,04	0,56	-0,04
Q96EE3	SEH1	Nucleoporin SEH1 OS	40	3	5	4	4	0,31	0,63	0,75	0,86	1,03	0,21	1,27	0,44
Q5BJF6	ODFP2	Outer dense fiber protein 2 OS	95	5	n.i.	n.i.	n.i.	0,21	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9BZF1	OSBL8	Oxysterol-binding protein-related protein 8 OS	101	52	6	92	62	2,10	0,30	6,72	5,23	-2,822	-0,363	1,676	4,135

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
P54821	PRRX1	Paired mesoderm homeobox protein 1 OS	27	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,81	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P50897	PPT1	Palmitoyl-protein thioesterase 1 OS	34	7	6	n.i.	n.i.	0,84	0,88	n.c.	n.c.	0,07	n.c.	n.c.	n.c.
Q8TEW0	PARD3	Partitioning defective 3 homolog OS	151	16	5	37	18	0,43	0,17	1,81	1,01	-1,38	-0,83	2,06	2,61
O75475	PSIP1	PC4 and SFRS1-interacting protein OS	60	11	47	43	45	0,75	3,92	5,29	6,39	2,39	0,27	2,82	0,70
Q8WUA2	PPIL4	Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase-like 4 OS	57	n.i.	n.i.	2	8	n.c.	n.c.	0,26	1,19	n.c.	2,21	n.c.	n.c.
O95613	PCNT	Pericentrin OS	378	13	n.i.	11	n.i.	0,14	n.c.	0,22	n.c.	n.c.	n.c.	0,61	n.c.
O14936	CSKP	Peripheral plasma membrane protein CASK OS	105	13	n.i.	30	12	0,51	n.c.	2,11	0,97	n.c.	-1,12	2,06	n.c.
Q92626	PXDN	Peroxidasin homolog OS	165	4	n.i.	9	5	0,10	n.c.	0,40	0,26	n.c.	-0,64	2,02	n.c.
P40855	PEX19	Peroxisomal biogenesis factor 19 OS	33	4	n.i.	n.i.	n.i.	0,50	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P50542	PEX5	Peroxisomal targeting signal 1 receptor OS	71	3	n.i.	3	n.i.	0,17	n.c.	0,31	n.c.	n.c.	n.c.	0,85	n.c.
P27986	P85A	Phosphatidylinositol 3-kinase regulatory subunit alpha OS	84	3	29	12	21	0,15	1,74	1,06	2,14	3,57	1,01	2,85	0,30
O00459	P85B	Phosphatidylinositol 3-kinase regulatory subunit beta OS	82	2	23	20	40	0,10	1,41	1,81	4,18	3,82	1,21	4,18	1,56
P42356	PI4KA	Phosphatidylinositol 4-kinase alpha OS	231	19	22	14	18	0,34	0,48	0,45	0,66	0,51	0,57	0,41	0,48
P42336	PK3CA	Phosphatidylinositol-4,5-bisphosphate 3-kinase catalytic subunit alpha isoform OS	124	n.i.	n.i.	n.i.	6	n.c.	n.c.	n.c.	0,41	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P48651	PTSS1	Phosphatidylserine synthase 1 OS	55	6	9	9	n.i.	0,44	0,81	1,20	n.c.	0,879	n.c.	1,438	n.c.
O95394	AGM1	Phosphoacetylglucosamine mutase OS	60	n.i.	9	n.i.	n.i.	n.c.	0,75	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9Y263	PLAP	Phospholipase A-2-activating protein OS	87	4	3	4	3	0,19	0,17	0,34	0,29	-0,12	-0,21	0,85	0,77
Q6NYC8	PHTNS	Phostensin OS	68	7	n.i.	3	n.i.	0,42	n.c.	0,33	n.c.	n.c.	n.c.	-0,37	n.c.
Q96BK5	PINX1	PIN2/TERF1-interacting telomerase inhibitor 1 OS	37	14	18	20	18	1,55	2,44	3,99	4,15	0,66	0,05	1,37	0,77
Q99569	PKP4	Plakophilin-4 OS	134	89	16	98	57	2,71	0,60	5,40	3,62	-2,18	-0,58	0,99	2,60
P20020	AT2B1	Plasma membrane calcium-transporting ATPase 1 OS	139	56	48	84	97	1,65	1,74	4,48	5,96	0,07	0,41	1,44	1,78
Q9H4M7	PKHA4	Pleckstrin homology domain-containing family A member 4 OS	85	34	5	10	2	1,63	0,29	0,87	0,20	-2,47	-2,12	-0,91	-0,56
Q6IQ23	PKHA7	Pleckstrin homology domain-containing family A member 7 OS	127	9	n.i.	29	15	0,29	n.c.	1,69	1,01	n.c.	-0,74	2,54	n.c.
A1L390	PKHG3	Pleckstrin homology domain-containing family G member 3 OS	134	18	6	28	18	0,55	0,22	1,54	1,14	-1,29	-0,43	1,49	2,35

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q8IVE3	PKHH2	Pleckstrin homology domain-containing family H member 2 OS	168	3	n.i.	3	n.i.	0,07	n.c.	0,13	n.c.	n.c.	n.c.	0,85	n.c.
Q7Z736	PKHH3	Pleckstrin homology domain-containing family H member 3 OS	85	3	9	7	6	0,14	0,53	0,61	0,60	1,88	-0,02	2,08	0,18
Q86UU1	PHLB1	Pleckstrin homology-like domain family B member 1 OS	151	n.i.	n.i.	n.i.	8	n.c.	n.c.	n.c.	0,45	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q15149	PLEC	Plectin OS	531	1898	1095	1809	1223	14,61	10,33	25,15	19,62	-0,50	-0,36	0,78	0,93
P51805	PLXA3	Plexin-A3 OS	208	n.i.	2	n.i.	4	n.c.	0,05	n.c.	0,16	n.c.	n.c.	n.c.	1,77
O15031	PLXB2	Plexin-B2 OS	205	5	15	27	45	0,10	0,37	0,97	1,87	1,88	0,94	3,29	2,35
Q9ULL4	PLXB3	Plexin-B3 OS	207	n.i.	3	9	13	n.c.	0,07	0,32	0,54	n.c.	0,74	n.c.	2,88
Q8TC44	POC1B	POC1 centriolar protein homolog B OS	53,63	2	n.i.	n.i.	n.i.	0,15	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P0CG47	UBB	Polyubiquitin-B OS	26	68	105	77	86	10,80	20,44	22,09	28,48	0,92	0,37	1,03	0,48
Q9NR82	KCNQ5	Potassium voltage-gated channel subfamily KQT member 5 OS	102	n.i.	n.i.	n.i.	3	n.c.	n.c.	n.c.	0,25	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P20265	PO3F2	POU domain, class 3, transcription factor 2 OS	47	n.i.	10	5	6	n.c.	1,07	0,79	1,09	n.c.	0,47	n.c.	0,03
Q96AQ6	PBIP1	Pre-B-cell leukemia transcription factor-interacting protein 1 OS	81	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,27	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96IZ0	PAWR	PRKC apoptosis WT1 regulator protein OS	37	n.i.	n.i.	2	n.i.	n.c.	n.c.	0,40	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9UHI6	DDX20	Probable ATP-dependent RNA helicase DDX20 OS	92	73	49	61	54	3,24	2,66	4,89	4,99	-0,28	0,03	0,59	0,91
Q9UJV9	DDX41	Probable ATP-dependent RNA helicase DDX41 OS	70	51	59	71	60	2,99	4,24	7,52	7,33	0,504	-0,036	1,330	0,790
Q9Y2R4	DDX52	Probable ATP-dependent RNA helicase DDX52 OS	67	4	3	3	3	0,24	0,22	0,33	0,38	-0,12	0,21	0,44	0,77
Q9H5Z1	DHX35	Probable ATP-dependent RNA helicase DHX35 OS	79	7	9	15	13	0,36	0,57	1,41	1,41	0,66	0,00	1,95	1,30
Q8IX18	DHX40	Probable ATP-dependent RNA helicase DHX40 OS	89	n.i.	n.i.	n.i.	3	n.c.	n.c.	n.c.	0,29	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O75592	MYCB2	Probable E3 ubiquitin-protein ligase MYCBP2 OS	510	32	6	63	4	0,26	0,06	0,91	0,07	-2,12	-3,77	1,83	0,18
Q7Z333	SETX	Probable helicase senataxin OS	303	n.i.	6	8	8	n.c.	0,10	0,20	0,23	n.c.	0,21	n.c.	1,18

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
O96028	NSD2	Probable histone-lysine N-methyltransferase NSD2 OS	152	n.i.	11	8	14	n.c.	0,36	0,39	0,78	n.c.	1,01	n.c.	1,11
Q13395	TARB1	Probable methyltransferase TARBP1 OS	182	5	2	16	5	0,11	0,06	0,65	0,23	-1,03	-1,47	2,53	2,09
Q8NB49	AT11C	Probable phospholipid-transporting ATPase IG OS	129	n.i.	n.i.	n.i.	3	n.c.	n.c.	n.c.	0,20	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9H3G5	CPVL	Probable serine carboxypeptidase CPVL OS	54	15	7	n.i.	n.i.	1,13	0,65	n.c.	n.c.	-0,81	n.c.	n.c.	n.c.
Q93008	USP9X	Probable ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase FAF-X OS	289	14	17	10	16	0,20	0,29	0,26	0,47	0,57	0,88	0,37	0,68
O00507	USP9Y	Probable ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase FAF-Y OS	291	n.i.	9	n.i.	n.i.	n.c.	0,16	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8WXW3	PIBF1	Progesterone-induced-blocking factor 1 OS	90	9	2	6	8	0,41	0,11	0,49	0,76	-1,88	0,62	0,27	2,77
P05165	PCCA	Propionyl-CoA carboxylase alpha chain, mitochondrial OS	80	5	6	23	27	0,26	0,38	2,12	2,88	0,56	0,44	3,05	2,94
P05166	PCCB	Propionyl-CoA carboxylase beta chain, mitochondrial OS	58	10	6	23	31	0,70	0,52	2,92	4,54	-0,44	0,64	2,05	3,14
O60299	PRIP1	ProSAP-interacting protein 1 OS	72	23	9	24	11	1,31	0,63	2,47	1,31	-1,06	-0,92	0,91	1,06
P25786	PSA1	Proteasome subunit alpha type-1 OS	30	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,51	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P25787	PSA2	Proteasome subunit alpha type-2 OS	26	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,86	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P25788	PSA3	Proteasome subunit alpha type-3 OS	28	n.i.	3	4	n.i.	n.c.	0,53	1,04	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P28066	PSA5	Proteasome subunit alpha type-5 OS	26	4	4	7	n.i.	0,62	0,76	1,96	n.c.	0,29	n.c.	1,66	n.c.
P60900	PSA6	Proteasome subunit alpha type-6 OS	27	3	n.i.	3	n.i.	0,45	n.c.	0,81	n.c.	n.c.	n.c.	0,85	n.c.
O14818	PSA7	Proteasome subunit alpha type-7 OS	28	5	6	5	n.i.	0,73	1,08	1,33	n.c.	0,56	n.c.	0,85	n.c.
P20618	PSB1	Proteasome subunit beta type-1 OS	26	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,57	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P28070	PSB4	Proteasome subunit beta type-4 OS	29	n.i.	5	5	n.i.	n.c.	0,86	1,27	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P28074	PSB5	Proteasome subunit beta type-5 OS	28,46	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,43	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P28072	PSB6	Proteasome subunit beta type-6 OS	25	4	5	4	n.i.	0,65	0,99	1,17	n.c.	0,616	n.c.	0,853	n.c.
Q5VYK3	ECM29	Proteasome-associated protein ECM29 homolog OS	204	5	11	14	13	0,10	0,27	0,51	0,54	1,43	0,10	2,34	1,01
Q9HCF4	ALO17	Protein ALO17 OS	175	6	17	10	3	0,14	0,49	0,42	0,15	1,80	-1,53	1,59	-1,74
Q9BT09	CNPY3	Protein canopy homolog 3 OS	31	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,49	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q13948	CASP	Protein CASP OS	77	n.i.	5	5	5	n.c.	0,32	0,48	0,55	n.c.	0,207	n.c.	0,766
Q8TCG1	CIP2A	Protein CIP2A OS	102	36	22	25	13	1,44	1,08	1,81	1,09	-0,42	-0,74	0,33	0,01

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q9P219	DAPLE	Protein Daple OS	228	23	9	46	11	0,41	0,20	1,49	0,41	-1,06	-1,86	1,85	1,06
Q96JJ7	TMX3	Protein disulfide-isomerase TMX3 OS	51,8	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,24	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q5JWR5	DOP1	Protein dopey-1 OS	277	n.i.	5	n.i.	n.i.	n.c.	0,09	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9Y3R5	DOP2	Protein dopey-2 OS	258	13	28	5	n.i.	0,21	0,54	0,14	n.c.	1,40	n.c.	-0,53	n.c.
Q14156	EFR3A	Protein EFR3 homolog A OS	93	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,24	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9NRY5	F1142	Protein FAM114A2 OS	55	4	n.i.	n.i.	n.i.	0,30	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q92508	FA38A	Protein FAM38A OS	233	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,10	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9H0Q0	FA49A	Protein FAM49A OS	37	21	9	19	3	2,30	1,21	3,76	0,69	-0,93	-2,46	0,71	-0,82
Q75VX8	FA59B	Protein FAM59B OS	93	n.i.	3	9	4	n.c.	0,16	0,72	0,37	n.c.	-0,96	n.c.	1,18
Q9UID3	FFR	Protein fat-free homolog OS	86	2	4	3	n.i.	0,10	0,23	0,26	n.c.	1,29	n.c.	1,44	n.c.
Q5TBA9	FRY	Protein furry homolog OS	339	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,04	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O94915	FRYL	Protein furry homolog-like OS	339	n.i.	6	n.i.	n.i.	n.c.	0,09	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96ED9	HOOK2	Protein Hook homolog 2 OS	83	2	3	n.i.	n.i.	0,10	0,18	n.c.	n.c.	0,88	n.c.	n.c.	n.c.
Q86VS8	HOOK3	Protein Hook homolog 3 OS	83	6	3	n.i.	n.i.	0,30	0,18	n.c.	n.c.	-0,706	n.c.	n.c.	n.c.
P41743	KPCI	Protein kinase C iota type OS	68	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,32	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96RT1	LAP2	Protein LAP2 OS	158	33	3	51	13	0,85	0,10	2,38	0,70	-3,17	-1,77	1,48	2,88
Q9NUP9	LIN7C	Protein lin-7 homolog C OS	22	6	n.i.	6	3	1,12	n.c.	2,03	1,17	n.c.	-0,79	0,85	n.c.
Q96GA3	LTV1	Protein LTV1 homolog OS	55	n.i.	n.i.	n.i.	3	n.c.	n.c.	n.c.	0,47	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q7Z3U7	MON2	Protein MON2 homolog OS	190	55	76	52	55	1,18	2,00	2,02	2,46	0,76	0,29	0,77	0,30
Q8NHV4	NEDD1	Protein NEDD1 OS	72	11	8	42	42	0,63	0,56	4,31	4,98	-0,17	0,21	2,79	3,16
P49757	NUMB	Protein numb homolog OS	71	3	5	5	3	0,17	0,35	0,52	0,36	1,03	-0,53	1,59	0,03
Q9Y6A1	POMT1	Protein O-mannosyl-transferase 1 OS	85	11	5	8	n.i.	0,53	0,30	0,70	n.c.	-0,84	n.c.	0,39	n.c.
Q9UKY4	POMT2	Protein O-mannosyl-transferase 2 OS	84	6	9	9	6	0,29	0,54	0,79	0,61	0,88	-0,38	1,44	0,18
Q13438	OS9	Protein OS-9 OS	76	29	14	12	10	1,57	0,93	1,17	1,13	-0,76	-0,06	-0,42	0,28
O14974	MYPT1	Protein phosphatase 1 regulatory subunit 12A OS	115	36	7	71	50	1,28	0,30	4,55	3,70	-2,07	-0,30	1,83	3,60
O60237	MYPT2	Protein phosphatase 1 regulatory subunit 12B OS	110	4	n.i.	9	10	0,15	n.c.	0,60	0,77	n.c.	0,36	2,02	n.c.
Q9BZL4	PP12C	Protein phosphatase 1 regulatory subunit 12C OS	85	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,26	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8WYL5	SSH1	Protein phosphatase Slingshot homolog 1 OS	115	n.i.	n.i.	4	6	n.c.	n.c.	0,26	0,44	n.c.	0,79	n.c.	n.c.
Q76I76	SSH2	Protein phosphatase Slingshot homolog 2 OS	158	n.i.	n.i.	6	7	n.c.	n.c.	0,28	0,38	n.c.	0,43	n.c.	n.c.
O43663	PRC1	Protein regulator of cytokinesis 1 OS	72	3	n.i.	7	n.i.	0,17	n.c.	0,72	n.c.	n.c.	n.c.	2,08	n.c.
Q96ER3	SAAL1	Protein SAAL1 OS	54	46	30	14	13	3,51	2,81	1,93	2,07	-0,32	0,10	-0,86	-0,44

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q14160	SCRIB	Protein scribble homolog OS	175	56	11	117	46	1,31	0,32	4,95	2,24	-2,05	-1,14	1,92	2,83
Q9UBV2	SE1L1	Protein sel-1 homolog 1 OS	89	41	16	24	18	1,89	0,90	2,00	1,73	-1,06	-0,21	0,08	0,94
Q9ULL8	SHRM4	Protein Shroom4 OS	165	8	n.i.	20	21	0,20	n.c.	0,89	1,08	n.c.	0,28	2,18	n.c.
Q9H0W8	SMG9	Protein SMG9 OS	58	n.i.	4	n.i.	n.i.	n.c.	0,35	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9H2V7	SPNS1	Protein spinster homolog 1 OS	57	6	5	3	n.i.	0,43	0,44	0,39	n.c.	0,03	n.c.	-0,15	n.c.
Q08AE8	SPIR1	Protein spire homolog 1 OS	85	n.i.	n.i.	2	n.i.	n.c.	n.c.	0,17	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9C0D5	TANC1	Protein TANC1 OS	202	n.i.	n.i.	3	6	n.c.	n.c.	0,11	0,25	n.c.	1,21	n.c.	n.c.
Q9HCD6	TANC2	Protein TANC2 OS	220	n.i.	n.i.	n.i.	6	n.c.	n.c.	n.c.	0,23	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q969Z0	TBRG4	Protein TBRG4 OS	71	n.i.	2	n.i.	n.i.	n.c.	0,14	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P61619	S61A1	Protein transport protein Sec61 subunit alpha isoform 1 OS	52	42	41	28	13	3,29	3,93	3,96	2,12	0,26	-0,90	0,27	-0,89
Q9H3U1	UN45A	Protein unc-45 homolog A OS	103	3	n.i.	4	2	0,12	n.c.	0,29	0,17	n.c.	-0,79	1,27	n.c.
Q08AM6	VAC14	Protein VAC14 homolog OS	88	10	11	5	n.i.	0,47	0,63	0,42	n.c.	0,43	n.c.	-0,15	n.c.
O95785	WIZ	Protein Wiz OS	179	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,10	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9NV79	PCMD2	Protein-L-isoaspartate O-methyltransferase domain-containing protein 2 OS	41	n.i.	n.i.	2	n.i.	n.c.	n.c.	0,36	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q14517	FAT1	Protocadherin Fat 1 OS	506	n.i.	6	6	6	n.c.	0,06	0,09	0,10	n.c.	0,21	n.c.	0,77
O60245	PCDH7	Protocadherin-7 OS	116	n.i.	n.i.	9	5	n.c.	n.c.	0,57	0,37	n.c.	-0,64	n.c.	n.c.
P07947	YES	Proto-oncogene tyrosine-protein kinase Yes OS	61	6	n.i.	n.i.	n.i.	0,40	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q86U38	CN021	Pumilio domain-containing protein C14orf21 OS	69	16	14	8	4	0,94	1,01	0,85	0,49	0,10	-0,79	-0,15	-1,04
P98179	RBM3	Putative RNA-binding protein 3 OS	17	n.i.	3	2	n.i.	n.c.	0,88	0,86	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9Y383	LC7L2	Putative RNA-binding protein Luc7-like 2 OS	46	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,32	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q6P996	PDXD1	Pyridoxal-dependent decarboxylase domain-containing protein 1 OS	86,65	2	n.i.	n.i.	n.i.	0,09	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q15118	PDK1	Pyruvate dehydrogenase [lipoamide]] kinase isozyme 1, mitochondrial	49	2	4	n.i.	n.i.	0,17	0,41	n.c.	n.c.	1,29	n.c.	n.c.	n.c.
Q9BXF6	RFIP5	Rab11 family-interacting protein 5 OS	70	n.i.	n.i.	n.i.	5	n.c.	n.c.	n.c.	0,61	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q6NUQ1	RINT1	RAD50-interacting protein 1 OS	91	25	15	15	11	1,13	0,83	1,22	1,04	-0,44	-0,24	0,12	0,32
P04049	RAF1	RAF proto-oncogene serine/threonine-protein kinase OS	73	3	6	4	4	0,17	0,41	0,40	0,47	1,29	0,21	1,27	0,18
P46060	RAGP1	Ran GTPase-activating protein 1 OS	64	30	47	30	31	1,93	3,71	3,49	4,16	0,94	0,25	0,85	0,17

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
O60518	RNBP6	Ran-binding protein 6 OS	125	n.i.	31	n.i.	n.i.	n.c.	1,25	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P43487	RANG	Ran-specific GTPase-activating protein OS	23	5	6	5	n.i.	0,88	1,29	1,59	n.c.	0,56	n.c.	0,85	n.c.
Q9UJF2	NGAP	Ras GTPase-activating protein nGAP OS	128	n.i.	n.i.	n.i.	3	n.c.	n.c.	n.c.	0,20	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q13576	IQGA2	Ras GTPase-activating-like protein IQGAP2 OS	180	11	3	n.i.	25	0,25	0,08	n.c.	1,18	-1,58	n.c.	n.c.	3,82
Q86VI3	IQGA3	Ras GTPase-activating-like protein IQGAP3 OS	185	n.i.	n.i.	6	9	n.c.	n.c.	0,24	0,42	n.c.	0,79	n.c.	n.c.
Q9NP72	RAB18	Ras-related protein Rab-18 OS	23	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,97	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9H0U4	RAB1B	Ras-related protein Rab-1B OS	22	5	n.i.	n.i.	n.i.	0,92	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P20337	RAB3B	Ras-related protein Rab-3B OS	25	5	3	n.i.	n.i.	0,83	0,61	n.c.	n.c.	-0,44	n.c.	n.c.	n.c.
P21860	ERBB3	Receptor tyrosine-protein kinase erbB-3 OS	148	n.i.	4	9	46	n.c.	0,14	0,45	2,65	n.c.	2,56	n.c.	4,29
P18433	PTPRA	Receptor-type tyrosine-protein phosphatase alpha OS	91	n.i.	n.i.	4	21	n.c.	n.c.	0,33	1,98	n.c.	2,60	n.c.	n.c.
Q12913	PTPRJ	Receptor-type tyrosine-protein phosphatase eta OS	146	n.i.	11	17	53	n.c.	0,38	0,86	3,10	n.c.	1,85	n.c.	3,03
P10586	PTPRF	Receptor-type tyrosine-protein phosphatase F OS	213	n.i.	27	35	30	n.c.	0,64	1,22	1,20	n.c.	-0,02	n.c.	0,92
Q15262	PTPRK	Receptor-type tyrosine-protein phosphatase kappa OS	162	n.i.	4	4	13	n.c.	0,12	0,18	0,68	n.c.	1,91	n.c.	2,47
Q13332	PTPRS	Receptor-type tyrosine-protein phosphatase S OS	217	n.i.	22	32	25	n.c.	0,51	1,09	0,98	n.c.	-0,15	n.c.	0,95
P23471	PTPRZ	Receptor-type tyrosine-protein phosphatase zeta OS	254	2	15	10	17	0,03	0,30	0,29	0,57	3,20	0,97	3,18	0,95
Q96TC7	RMD3	Regulator of microtubule dynamics protein 3 OS	52	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,29	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P40938	RFC3	Replication factor C subunit 3 OS	41	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,55	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9BWE0	REPI1	Replication initiator 1 OS	64	4	n.i.	n.i.	n.i.	0,26	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9BZR6	RTN4R	Reticulon-4 receptor OS	51	n.i.	n.i.	4	n.i.	n.c.	n.c.	0,58	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q6P4F7	RHGBA	Rho GTPase-activating protein 11A OS	114	16	5	37	14	0,58	0,22	2,40	1,05	-1,38	-1,20	2,06	2,25
Q5T5U3	RHG21	Rho GTPase-activating protein 21 OS	217	57	29	59	25	1,07	0,67	2,01	0,98	-0,68	-1,03	0,90	0,55
Q9P227	RHG23	Rho GTPase-activating protein 23 OS	162	5	n.i.	7	3	0,13	n.c.	0,32	0,16	n.c.	-1,02	1,34	n.c.
O15085	ARHGB	Rho guanine nucleotide exchange factor 11 OS	168	n.i.	n.i.	6	5	n.c.	n.c.	0,26	0,25	n.c.	-0,06	n.c.	n.c.
Q96PE2	ARHGH	Rho guanine nucleotide exchange factor 17 OS	222	20	12	15	3	0,37	0,27	0,50	0,12	-0,44	-2,12	0,44	-1,23
Q92974	ARHG2	Rho guanine nucleotide exchange factor 2 OS	111	n.i.	n.i.	3	4	n.c.	n.c.	0,20	0,31	n.c.	0,62	n.c.	n.c.
Q8TER5	ARH40	Rho guanine nucleotide exchange factor 40 OS	165	2	4	n.i.	7	0,05	0,12	n.c.	0,36	1,29	n.c.	n.c.	1,57
Q15052	ARHG6	Rho guanine nucleotide exchange factor 6 OS	87	n.i.	4	10	n.i.	n.c.	0,23	0,84	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q14155	ARHG7	Rho guanine nucleotide exchange factor 7 OS	90	15	8	15	8	0,68	0,45	1,23	0,76	-0,61	-0,70	0,85	0,77

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
O94955	RHBT3	Rho-related BTB domain-containing protein 3 OS	69	2	5	n.i.	n.i.	0,12	0,36	n.c.	n.c.	1,62	n.c.	n.c.	n.c.
P11908	PRPS2	Ribose-phosphate pyrophosphokinase 2 OS	35	2	2	n.i.	n.i.	0,24	0,29	n.c.	n.c.	0,29	n.c.	n.c.	n.c.
Q96EU6	RRP36	Ribosomal RNA processing protein 36 homolog OS	30	12	12	8	6	1,65	2,02	1,98	1,72	0,29	-0,21	0,27	-0,23
Q9Y3A4	RRP7A	Ribosomal RNA-processing protein 7 homolog A OS	32	n.i.	n.i.	4	n.i.	n.c.	n.c.	0,91	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O94822	RN160	RING finger protein 160 OS	200	46	43	34	30	0,94	1,08	1,25	1,28	0,20	0,03	0,42	0,25
Q63HN8	RN213	RING finger protein 213 OS	374	11	26	18	7	0,12	0,35	0,36	0,16	1,53	-1,16	1,56	-1,13
Q96PK6	RBM14	RNA-binding protein 14 OS	69	31	41	44	50	1,83	2,96	4,68	6,14	0,70	0,39	1,36	1,05
Q15287	RNPS1	RNA-binding protein with serine-rich domain 1 OS	34	n.i.	n.i.	n.i.	7	n.c.	n.c.	n.c.	1,75	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q5TZA2	CROCC	Rootletin OS	228	199	80	109	134	3,56	1,76	3,53	5,00	-1,02	0,50	-0,02	1,51
P22087	FBRL	rRNA 2'-O-methyltransferase fibrillarin OS	34	16	19	27	11	1,94	2,82	5,91	2,78	0,54	-1,09	1,61	-0,02
Q9BY12	SCAPE	S phase cyclin A-associated protein in the endoplasmic reticulum OS	158	n.i.	n.i.	3	7	n.c.	n.c.	0,14	0,38	n.c.	1,43	n.c.	n.c.
Q9NZJ4	SACS	Sacsin OS	521	4	12	5	15	0,03	0,12	0,07	0,25	1,88	1,79	1,18	1,09
P82979	SARNP	SAP domain-containing ribonucleoprotein OS	24	n.i.	3	n.i.	4	n.c.	0,64	n.c.	1,44	n.c.	n.c.	n.c.	1,18
P16615	AT2A2	Sarcoplasmic/endoplasmic reticulum calcium ATPase 2 OS	115	216	146	210	170	7,70	6,38	13,53	12,64	-0,27	-0,10	0,81	0,99
Q8WVM8	SCFD1	Sec1 family domain-containing protein 1 OS	72	2	n.i.	2	n.i.	0,11	n.c.	0,20	n.c.	n.c.	n.c.	0,85	n.c.
Q8WU76	SCFD2	Sec1 family domain-containing protein 2 OS	75	11	18	13	9	0,60	1,20	1,28	1,02	1,00	-0,32	1,09	-0,23
O15269	SPTC1	Serine palmitoyltransferase 1 OS	53	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,29	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q13535	ATR	Serine/threonine-protein kinase ATR OS	301	126	235	101	42	1,71	3,91	2,48	1,19	1,19	-1,06	0,53	-1,72
P42345	MTOR	Serine/threonine-protein kinase mTOR OS	289	141	189	60	19	2,00	3,28	1,54	0,56	0,72	-1,45	-0,38	-2,55
P51955	NEK2	Serine/threonine-protein kinase Nek2 OS	51,7	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,24	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P53350	PLK1	Serine/threonine-protein kinase PLK1 OS	68	2	4	2	n.i.	0,12	0,29	0,22	n.c.	1,29	n.c.	0,85	n.c.
Q96Q15	SMG1	Serine/threonine-protein kinase SMG1 OS	410	7	26	7	2	0,07	0,32	0,13	0,04	2,19	-1,60	0,85	-2,93
Q7L7X3	TAOK1	Serine/threonine-protein kinase TAO1 OS	116	n.i.	n.i.	7	n.i.	n.c.	n.c.	0,45	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9UL54	TAOK2	Serine/threonine-protein kinase TAO2 OS	138	n.i.	n.i.	14	11	n.c.	n.c.	0,75	0,68	n.c.	-0,14	n.c.	n.c.
P30153	2AAA	Serine/threonine-protein phosphatase 2A 65 kDa regulatory subunit A alpha isoform OS	65	23	24	17	10	1,44	1,84	1,92	1,31	0,36	-0,56	0,42	-0,50

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q969Q6	P2R3C	Serine/threonine-protein phosphatase 2A regulatory subunit B" subunit gamma OS	53,3	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,23	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q5MIZ7	P4R3B	Serine/threonine-protein phosphatase 4 regulatory subunit 3B OS	97	11	4	5	5	0,46	0,21	0,38	0,44	-1,17	0,21	-0,28	1,09
Q9UPN7	PP6R1	Serine/threonine-protein phosphatase 6 regulatory subunit 1 OS	97	2	n.i.	3	n.i.	0,08	n.c.	0,23	n.c.	n.c.	n.c.	1,44	n.c.
P62136	PP1A	Serine/threonine-protein phosphatase PP1-alpha catalytic subunit OS	37	n.i.	n.i.	22	n.i.	n.c.	n.c.	4,34	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q13315	ATM	Serine-protein kinase ATM OS	350	51	77	34	18	0,60	1,10	0,72	0,44	0,89	-0,71	0,27	-1,33
Q15165	PON2	Serum paraoxonase/arylesterase 2 OS	39	4	4	n.i.	n.i.	0,42	0,51	n.c.	n.c.	0,29	n.c.	n.c.	n.c.
Q8NEF9	SRFB1	Serum response factor-binding protein 1 OS	49	7	12	7	12	0,59	1,24	1,06	2,10	1,07	0,98	0,85	0,77
P29353	SHC1	SHC-transforming protein 1 OS	63	42	65	53	14	2,74	5,19	6,24	1,90	0,92	-1,71	1,19	-1,45
Q92529	SHC3	SHC-transforming protein 3 OS	64	65	47	81	18	4,15	3,68	9,35	2,40	-0,17	-1,96	1,17	-0,62
Q6S5L8	SHC4	SHC-transforming protein 4 OS	69	5	6	20	8	0,30	0,44	2,15	0,99	0,557	-1,115	2,853	1,181
Q5T5P2	SKT	Sickle tail protein homolog OS	214	42	2	53	30	0,80	0,05	1,83	1,20	-4,10	-0,61	1,19	4,67
P40763	STAT3	Signal transducer and activator of transcription 3 OS	88	94	104	96	16	4,37	5,92	8,06	1,55	0,44	-2,38	0,88	-1,93
P51692	STA5B	Signal transducer and activator of transcription 5B OS	90	15	9	20	n.i.	0,68	0,50	1,65	n.c.	-0,44	n.c.	1,27	n.c.
Q92783	STAM1	Signal transducing adapter molecule 1 OS	59	n.i.	n.i.	n.i.	5	n.c.	n.c.	n.c.	0,72	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O43166	SI1L1	Signal-induced proliferation-associated 1-like protein 1 OS	200	361	210	231	147	7,39	5,27	8,54	6,27	-0,49	-0,45	0,21	0,25
Q9P2F8	SI1L2	Signal-induced proliferation-associated 1-like protein 2 OS	190	106	56	90	67	2,28	1,47	3,49	3,00	-0,63	-0,22	0,62	1,02
O60292	SI1L3	Signal-induced proliferation-associated 1-like protein 3 OS	194	185	82	175	100	3,89	2,11	6,65	4,38	-0,88	-0,60	0,77	1,05
P62304	RUXE	Small nuclear ribonucleoprotein E OS	11	6	6	9	8	2,27	2,79	6,16	6,32	0,29	0,04	1,44	1,18
P62306	RUXF	Small nuclear ribonucleoprotein F OS	10	4	n.i.	7	n.i.	1,68	n.c.	5,32	n.c.	n.c.	n.c.	1,66	n.c.
P14678	RSMB	Small nuclear ribonucleoprotein-associated proteins B and B' OS	25	21	28	27	21	3,49	5,71	8,11	7,28	0,71	-0,16	1,22	0,35

Accession	Gen	Protein	M [kDa]	PSM				% von EGFR				log2			
				NCH	NCH+	NCHvIII	NCHvIII+	NCH	NCH+	NCHvIII	NCHvIII+	NCH+/ NCH	NCHvIII+/ NCHvIII	NCHvIII/ NCH	NCHvIII+/ NCH+
O75691	UTP20	Small subunit processome component 20 homolog OS	318	22	58	22	10	0,28	0,91	0,51	0,27	1,69	-0,93	0,85	-1,77
P63165	SUMO1	Small ubiquitin-related modifier 1 OS	12	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	1,30	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q13573	SNW1	SNW domain-containing protein 1 OS	61	24	37	50	31	1,60	3,02	6,01	4,30	0,92	-0,48	1,91	0,51
Q9Y6M7	S4A7	Sodium bicarbonate cotransporter 3 OS	136	n.i.	n.i.	10	7	n.c.	n.c.	0,54	0,44	n.c.	-0,31	n.c.	n.c.
Q96NL6	SCLT1	Sodium channel and clathrin linker 1 OS	81	8	n.i.	n.i.	n.i.	0,40	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P05023	AT1A1	Sodium/potassium-transporting ATPase subunit alpha-1 OS	113	84	79	93	105	3,04	3,51	6,09	7,93	0,21	0,38	1,00	1,18
P55011	S12A2	Solute carrier family 12 member 2 OS	131	n.i.	5	7	18	n.c.	0,19	0,39	1,17	n.c.	1,57	n.c.	2,61
Q9BXP2	S12A9	Solute carrier family 12 member 9 OS	96	n.i.	n.i.	n.i.	4	n.c.	n.c.	n.c.	0,36	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q07889	SOS1	Son of sevenless homolog 1 OS	152	75	148	201	70	2,01	4,87	9,75	3,92	1,27	-1,32	2,28	-0,31
Q07890	SOS2	Son of sevenless homolog 2 OS	153	24	80	90	27	0,64	2,62	4,35	1,51	2,03	-1,53	2,76	-0,80
Q96FF9	CDCA5	Sororin OS	28	n.i.	2	n.i.	n.i.	n.c.	0,36	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96RF0	SNX18	Sorting nexin-18 OS	68,9	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,18	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96L92	SNX27	Sorting nexin-27 OS	61	n.i.	11	10	19	n.c.	0,90	1,21	2,65	n.c.	1,13	n.c.	1,55
O60493	SNX3	Sorting nexin-3 OS	19	n.i.	3	6	n.i.	n.c.	0,80	2,36	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96JI7	SPTCS	Spatacsin OS	279	n.i.	2	n.i.	n.i.	n.c.	0,04	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q13813	SPTA2	Spectrin alpha chain, brain OS	284	369	191	450	319	5,31	3,37	11,69	9,56	-0,66	-0,29	1,14	1,51
Q01082	SPTB2	Spectrin beta chain, brain 1 OS	274	271	140	320	203	4,04	2,56	8,61	6,31	-0,66	-0,45	1,09	1,30
O15020	SPTN2	Spectrin beta chain, brain 2 OS	271	94	40	143	82	1,42	0,74	3,90	2,58	-0,94	-0,60	1,46	1,80
P28290	SSFA2	Sperm-specific antigen 2 OS	138	160	62	199	143	4,73	2,25	10,63	8,81	-1,07	-0,27	1,17	1,97
P63208	SKP1	S-phase kinase-associated protein 1 OS	19	5	n.i.	n.i.	n.i.	1,10	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9NXE4	NSMA3	Sphingomyelin phosphodiesterase 4 OS	93	5	4	10	n.i.	0,22	0,21	0,79	n.c.	-0,03	n.c.	1,85	n.c.
O95470	SGPL1	Sphingosine-1-phosphate lyase 1 OS	63	33	26	24	41	2,13	2,05	2,79	5,51	-0,05	0,98	0,39	1,42
Q15637	SF01	Splicing factor 1 OS	68	20	21	36	29	1,20	1,54	3,89	3,62	0,36	-0,11	1,70	1,23
Q15428	SF3A2	Splicing factor 3A subunit 2 OS	49	10	21	29	13	0,83	2,14	4,35	2,25	1,36	-0,95	2,39	0,07
P37268	FDFT	Squalene synthase OS	48	12	8	n.i.	n.i.	1,02	0,83	n.c.	n.c.	-0,29	n.c.	n.c.	n.c.
Q9C0H9	SRCN1	SRC kinase signaling inhibitor 1 OS	112	n.i.	n.i.	14	13	n.c.	n.c.	0,92	0,99	n.c.	0,100	n.c.	n.c.
Q14247	SRC8	Src substrate cortactin OS	62	93	42	83	57	6,18	3,42	9,96	7,89	-0,85	-0,34	0,69	1,21
Q86SK9	SCD5	Stearoyl-CoA desaturase 5 OS	38	3	2	3	n.i.	0,33	0,27	0,59	n.c.	-0,291	n.c.	0,853	n.c.
Q6SZW1	SARM1	Sterile alpha and TIR motif-containing protein 1 OS	79	10	17	8	10	0,52	1,07	0,74	1,07	1,06	0,53	0,53	0,00

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
O00391	QSOX1	Sulfhydryl oxidase 1 OS	83	5	6	11	12	0,25	0,36	0,98	1,24	0,56	0,33	1,99	1,77
Q9UH99	SUN2	SUN domain-containing protein 2 OS	80	4	2	n.i.	n.i.	0,20	0,12	n.c.	n.c.	-0,71	n.c.	n.c.	n.c.
O95425	SVIL	Supervillin OS	248	341	230	344	269	5,63	4,66	10,26	9,26	-0,27	-0,15	0,87	0,99
O15260	SURF4	Surfeit locus protein 4 OS	30	5	4	n.i.	n.i.	0,67	0,66	n.c.	n.c.	-0,03	n.c.	n.c.	n.c.
Q16637	SMN	Survival motor neuron protein OS	32	19	22	17	14	2,44	3,46	3,95	3,75	0,51	-0,07	0,69	0,11
O14893	GEMI2	Survival of motor neuron protein-interacting protein 1 OS	32	7	10	n.i.	5	0,91	1,59	n.c.	1,35	0,81	n.c.	n.c.	-0,23
Q92797	SYMPK	Symplekin OS	141	n.i.	n.i.	n.i.	10	n.c.	n.c.	n.c.	0,60	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q7L0J3	SV2A	Synaptic vesicle glycoprotein 2A OS	83	9	n.i.	4	4	0,45	n.c.	0,36	0,41	n.c.	0,21	-0,32	n.c.
Q9H987	SYP2L	Synaptopodin 2-like protein OS	102	7	n.i.	14	7	0,28	n.c.	1,01	0,58	n.c.	-0,79	1,85	n.c.
Q8N3V7	SYNPO	Synaptopodin OS	99	159	79	148	90	6,54	3,98	11,00	7,72	-0,72	-0,51	0,75	0,95
O00161	SNP23	Synaptosomal-associated protein 23 OS	23	4	2	n.i.	n.i.	0,70	0,43	n.c.	n.c.	-0,71	n.c.	n.c.	n.c.
Q9BT88	SYT11	Synaptotagmin-11 OS	48	n.i.	n.i.	n.i.	7	n.c.	n.c.	n.c.	1,24	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P34741	SDC2	Syndecan-2 OS	22	n.i.	n.i.	6	n.i.	n.c.	n.c.	2,00	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O43752	STX6	Syntaxin-6 OS	29	n.i.	4	7	4	n.c.	0,69	1,77	1,17	n.c.	-0,60	n.c.	0,77
O00186	STXB3	Syntaxin-binding protein 3 OS	68	n.i.	8	4	7	n.c.	0,59	0,44	0,88	n.c.	1,01	n.c.	0,57
Q9Y6J9	TAF6L	TAF6-like RNA polymerase II p300/CBP-associated factor-associated factor 65 kDa subunit 6L OS	68	n.i.	5	3	3	n.c.	0,37	0,33	0,38	n.c.	0,21	n.c.	0,03
Q4KMQ1	TPRN	Taperin OS	76	9	n.i.	12	11	0,49	n.c.	1,17	1,24	n.c.	0,08	1,27	n.c.
Q9BVC4	LST8	Target of rapamycin complex subunit LST8 OS	36	4	4	n.i.	n.i.	0,46	0,56	n.c.	n.c.	0,29	n.c.	n.c.	n.c.
Q9ULW0	TPX2	Targeting protein for Xklp2 OS	86	n.i.	n.i.	5	12	n.c.	n.c.	0,43	1,20	n.c.	1,47	n.c.	n.c.
O14981	BTAF1	TATA-binding protein-associated factor 172 OS	207	16	27	7	2	0,32	0,65	0,25	0,08	1,05	-1,60	-0,34	-2,99
Q92804	RBP56	TATA-binding protein-associated factor 2N OS	62	9	n.i.	9	n.i.	0,60	n.c.	1,08	n.c.	n.c.	n.c.	0,85	n.c.
Q4KMP7	TB10B	TBC1 domain family member 10B OS	87	22	23	28	44	1,03	1,32	2,37	4,30	0,36	0,86	1,20	1,70
Q8TC07	TBC15	TBC1 domain family member 15 OS	79	n.i.	5	4	3	n.c.	0,32	0,37	0,32	n.c.	-0,21	n.c.	0,03
Q66K14	TBC9B	TBC1 domain family member 9B OS	140	n.i.	n.i.	5	9	n.c.	n.c.	0,26	0,55	n.c.	1,05	n.c.	n.c.
O43156	TTI1	TEL2-interacting protein 1 homolog OS	122	20	26	17	11	0,67	1,07	1,03	0,77	0,672	-0,421	0,619	-0,475
Q9Y4R8	TELO2	Telomere length regulation protein TEL2 homolog OS	92	24	5	5	3	1,07	0,27	0,40	0,28	-1,97	-0,53	-1,41	0,03
Q5UIP0	RIF1	Telomere-associated protein RIF1 OS	274	14	37	3	n.i.	0,21	0,68	0,08	n.c.	1,70	n.c.	-1,37	n.c.

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q63HR2	TENC1	Tensin-like C1 domain-containing phosphatase OS	152	168	62	195	140	4,51	2,04	9,45	7,83	-1,14	-0,27	1,07	1,94
Q6P3X3	TTC27	Tetratricopeptide repeat protein 27 OS	97	12	6	7	4	0,51	0,31	0,54	0,35	-0,71	-0,60	0,08	0,18
P36897	TGFR1	TGF-beta receptor type-1 OS	56	n.i.	n.i.	n.i.	5	n.c.	n.c.	n.c.	0,76	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9H3N1	TMX1	Thioredoxin-related transmembrane protein 1 OS	32	14	4	13	n.i.	1,80	0,63	3,02	n.c.	-1,51	n.c.	0,75	n.c.
Q96FV9	THOC1	THO complex subunit 1 OS	76	n.i.	n.i.	n.i.	4	n.c.	n.c.	n.c.	0,45	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9BW92	SYTM	Threonyl-tRNA synthetase, mitochondrial OS	81	2	5	n.i.	n.i.	0,10	0,31	n.c.	n.c.	1,62	n.c.	n.c.	n.c.
Q6YHU6	THADA	Thyroid adenoma-associated protein OS	219	106	122	63	35	1,98	2,79	2,12	1,36	0,50	-0,64	0,10	-1,04
Q07157	ZO1	Tight junction protein ZO-1 OS	195	308	152	382	271	6,45	3,90	14,45	11,83	-0,73	-0,29	1,16	1,60
Q9UDY2	ZO2	Tight junction protein ZO-2 OS	134	12	n.i.	25	16	0,37	n.c.	1,38	1,02	n.c.	-0,44	1,91	n.c.
Q13009	TIAM1	T-lymphoma invasion and metastasis-inducing protein 1 OS	177	n.i.	n.i.	4	n.i.	n.c.	n.c.	0,17	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q6ZVM7	TM1L2	TOM1-like protein 2 OS	56	n.i.	n.i.	3	5	n.c.	n.c.	0,40	0,77	n.c.	0,94	n.c.	n.c.
Q9NZ01	TECR	Trans-2,3-enoyl-CoA reductase OS	36	23	20	18	8	2,61	2,78	3,69	1,89	0,09	-0,96	0,50	-0,56
Q15370	ELOB	Transcription elongation factor B polypeptide 2 OS	13	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	1,69	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O14776	TCRG1	Transcription elongation regulator 1 OS	124	n.i.	n.i.	2	4	n.c.	n.c.	0,12	0,28	n.c.	1,21	n.c.	n.c.
Q9ULX9	MAFF	Transcription factor MafF OS	18	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,85	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O15525	MAFG	Transcription factor MafG OS	18	n.i.	n.i.	4	n.i.	n.c.	n.c.	1,66	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P48431	SOX2	Transcription factor SOX-2 OS	34	n.i.	5	5	3	n.c.	0,73	1,08	0,75	n.c.	-0,53	n.c.	0,03
Q7Z7C8	TAF8	Transcription initiation factor TFIID subunit 8 OS	34	n.i.	n.i.	7	10	n.c.	n.c.	1,51	2,49	n.c.	0,72	n.c.	n.c.
P46100	ATRX	Transcriptional regulator ATRX OS	282	n.i.	2	2	n.i.	n.c.	0,04	0,05	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9Y4P3	TBL2	Transducin beta-like protein 2 OS	50	7	5	4	n.i.	0,58	0,50	0,59	n.c.	-0,192	n.c.	0,046	n.c.
P02786	TFR1	Transferrin receptor protein 1 OS	85	5	6	13	27	0,24	0,35	1,13	2,71	0,56	1,26	2,23	2,94
Q9Y4A5	TRRAP	Transformation/transcription domain-associated protein OS	437	5	14	5	10	0,05	0,16	0,08	0,19	1,78	1,21	0,85	0,28
Q8WUH2	TGFA1	Transforming growth factor-beta receptor-associated protein 1 OS	97	n.i.	n.i.	4	n.i.	n.c.	n.c.	0,30	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96QT4	TRPM7	Transient receptor potential cation channel subfamily M member 7 OS	213	n.i.	n.i.	6	3	n.c.	n.c.	0,21	0,12	n.c.	-0,79	n.c.	n.c.
P29401	TKT	Transketolase OS	68	n.i.	3	n.i.	3	n.c.	0,22	n.c.	0,38	n.c.	n.c.	n.c.	0,77
Q14232	EI2BA	Translation initiation factor eIF-2B subunit alpha OS	34	12	11	5	3	1,46	1,64	1,10	0,76	0,17	-0,53	-0,41	-1,11
P49770	EI2BB	Translation initiation factor eIF-2B subunit beta OS	39	9	11	5	n.i.	0,94	1,42	0,95	n.c.	0,58	n.c.	0,01	n.c.

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q9UI10	EI2BD	Translation initiation factor eIF-2B subunit delta OS	58	20	28	11	17	1,42	2,44	1,41	2,52	0,78	0,83	-0,01	0,05
Q13144	EI2BE	Translation initiation factor eIF-2B subunit epsilon OS	80	34	37	26	19	1,73	2,31	2,39	2,02	0,42	-0,25	0,47	-0,20
Q9NR50	EI2BG	Translation initiation factor eIF-2B subunit gamma OS	50	9	14	11	5	0,73	1,40	1,62	0,85	0,93	-0,93	1,14	-0,72
Q92616	GCN1L	Translational activator GCN1 OS	293	221	249	119	72	3,09	4,27	3,00	2,10	0,47	-0,52	-0,04	-1,02
Q15629	TRAM1	Translocating chain-associated membrane protein 1 OS	43	3	5	2	n.i.	0,29	0,58	0,34	n.c.	1,03	n.c.	0,27	n.c.
P43307	SSRA	Translocon-associated protein subunit alpha OS	32	6	7	4	n.i.	0,76	1,09	0,92	n.c.	0,52	n.c.	0,27	n.c.
P49755	TMEDA	Transmembrane emp24 domain-containing protein 10 OS	25	n.i.	3	2	n.i.	n.c.	0,60	0,59	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9BVK6	TMED9	Transmembrane emp24 domain-containing protein 9 OS	27	3	n.i.	2	n.i.	0,45	n.c.	0,54	n.c.	n.c.	n.c.	0,27	n.c.
Q9HC07	TM165	Transmembrane protein 165 OS	35	4	3	2	n.i.	0,47	0,43	0,42	n.c.	-0,12	n.c.	-0,15	n.c.
Q96SK2	TM209	Transmembrane protein 209 OS	63	n.i.	5	6	n.i.	n.c.	0,40	0,70	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q6NUQ4	TM214	Transmembrane protein 214 OS	77	5	10	17	9	0,27	0,65	1,63	1,00	1,29	-0,71	2,62	0,61
Q9BTV4	TMM43	Transmembrane protein 43 OS	45	6	7	5	n.i.	0,55	0,78	0,82	n.c.	0,52	n.c.	0,59	n.c.
Q86T03	TM55B	Transmembrane protein 55B OS	29	3	4	3	n.i.	0,42	0,68	0,75	n.c.	0,71	n.c.	0,85	n.c.
Q92973	TNPO1	Transportin-1 OS	102	169	126	66	60	6,76	6,17	4,77	5,00	-0,13	0,07	-0,50	-0,30
O14787	TNPO2	Transportin-2 OS	101	71	49	21	18	2,87	2,42	1,53	1,51	-0,24	-0,02	-0,90	-0,68
Q9Y5L0	TNPO3	Transportin-3 OS	104	106	54	41	23	4,16	2,60	2,91	1,88	-0,68	-0,63	-0,52	-0,47
P53007	TXTP	Tricarboxylate transport protein, mitochondrial OS	34	7	2	n.i.	n.i.	0,84	0,29	n.c.	n.c.	-1,51	n.c.	n.c.	n.c.
P40939	ECHA	Trifunctional enzyme subunit alpha, mitochondrial OS	83	133	83	142	91	6,56	5,02	12,65	9,35	-0,39	-0,44	0,95	0,90
Q9H2D6	TARA	TRIO and F-actin-binding protein OS	261	16	8	10	11	0,25	0,15	0,28	0,36	-0,71	0,34	0,18	1,23
Q7Z4K8	TRI46	Tripartite motif-containing protein 46 OS	83	n.i.	n.i.	2	n.i.	n.c.	n.c.	0,18	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O14773	TPP1	Tripeptidyl-peptidase 1 OS	61	16	8	6	n.i.	1,07	0,66	0,72	n.c.	-0,71	n.c.	-0,56	n.c.
Q9NZR1	TMOD2	Tropomodulin-2 OS	40	16	7	19	9	1,65	0,89	3,55	1,94	-0,90	-0,87	1,10	1,13
Q9NYL9	TMOD3	Tropomodulin-3 OS	40	17	6	18	n.i.	1,76	0,76	3,36	n.c.	-1,21	n.c.	0,94	n.c.
P49815	TSC2	Tuberin OS	200	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,09	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q71U36	TBA1A	Tubulin alpha-1A chain OS	50	321	200	n.i.	n.i.	26,20	20,01	n.c.	n.c.	-0,39	n.c.	n.c.	n.c.

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q9BTW9	TBCD	Tubulin-specific chaperone D OS	133	18	7	8	10	0,56	0,26	0,45	0,64	-1,07	0,53	-0,32	1,28
Q9UBB9	TFP11	Tuftelin-interacting protein 11 OS	97	6	4	n.i.	18	0,25	0,21	n.c.	1,59	-0,29	n.c.	n.c.	2,94
O14763	TR10B	Tumor necrosis factor receptor superfamily member 10B OS	48	n.i.	3	n.i.	8	n.c.	0,31	n.c.	1,43	n.c.	n.c.	n.c.	2,18
P41240	CSK	Tyrosine-protein kinase CSK OS	51	7	4	4	n.i.	0,56	0,40	0,58	n.c.	-0,51	n.c.	0,05	n.c.
P06241	FYN	Tyrosine-protein kinase Fyn OS	61	9	14	13	14	0,61	1,16	1,58	1,97	0,93	0,31	1,38	0,77
P23458	JAK1	Tyrosine-protein kinase JAK1 OS	133	n.i.	n.i.	3	9	n.c.	n.c.	0,17	0,58	n.c.	1,79	n.c.	n.c.
Q9H792	SG269	Tyrosine-protein kinase SgK269 OS	193	83	57	83	63	1,76	1,48	3,18	2,78	-0,25	-0,19	0,85	0,91
Q13308	PTK7	Tyrosine-protein kinase-like 7 OS	118	n.i.	n.i.	n.i.	19	n.c.	n.c.	n.c.	1,37	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P18031	PTN1	Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type 1 OS	49,9	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,25	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q06124	PTN11	Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type 11 OS	68	n.i.	11	7	10	n.c.	0,81	0,76	1,25	n.c.	0,72	n.c.	0,63
Q12923	PTN13	Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type 13 OS	277	15	9	17	12	0,22	0,16	0,45	0,37	-0,44	-0,30	1,03	1,18
Q15678	PTN14	Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type 14 OS	135	n.i.	n.i.	2	3	n.c.	n.c.	0,11	0,19	n.c.	0,79	n.c.	n.c.
Q9H3S7	PTN23	Tyrosine-protein phosphatase non-receptor type 23 OS	179	n.i.	n.i.	7	17	n.c.	n.c.	0,29	0,81	n.c.	1,487	n.c.	n.c.
P08579	RU2B	U2 small nuclear ribonucleoprotein B" OS	25	n.i.	n.i.	5	n.i.	n.c.	n.c.	1,45	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9Y5J1	UTP18	U3 small nucleolar RNA-associated protein 18 homolog OS	62	n.i.	n.i.	4	n.i.	n.c.	n.c.	0,48	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96QD9	UIF	UAP56-interacting factor OS	36	2	5	3	n.i.	0,23	0,70	0,62	n.c.	1,62	n.c.	1,44	n.c.
Q70CQ2	UBP34	Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase 34 OS	404	5	9	n.i.	3	0,05	0,11	n.c.	0,06	1,14	n.c.	n.c.	-0,82
P40818	UBP8	Ubiquitin carboxyl-terminal hydrolase 8 OS	127	n.i.	n.i.	4	12	n.c.	n.c.	0,23	0,80	n.c.	1,79	n.c.	n.c.
Q14139	UBE4A	Ubiquitin conjugation factor E4 A OS	122	n.i.	3	4	3	n.c.	0,12	0,24	0,21	n.c.	-0,208	n.c.	0,766
Q8TF42	UBS3B	Ubiquitin-associated and SH3 domain-containing protein B OS	73	53	61	72	7	2,98	4,21	7,32	0,82	0,50	-3,16	1,30	-2,36
Q15386	UBE3C	Ubiquitin-protein ligase E3C OS	124	n.i.	2	n.i.	n.i.	n.c.	0,08	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q92575	UBXN4	UBX domain-containing protein 4 OS	57	n.i.	n.i.	2	n.i.	n.c.	n.c.	0,26	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.

Accession	Gen	Protein	M [kDa]	PSM				% von EGFR				log2			
				NCH	NCH+	NCHvIII	NCHvIII+	NCH	NCH+	NCHvIII	NCHvIII+	NCH+/ NCH	NCHvIII+/ NCHvIII	NCHvIII/ NCH	NCHvIII+/ NCH+
Q6NSJ0	K1161	Uncharacterized family 31 glucosidase KIAA1161 OS	81	n.i.	n.i.	10	n.i.	n.c.	n.c.	0,91	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8NAT1	AGO61	Uncharacterized glycosyltransferase AGO61 OS	67	9	6	7	n.i.	0,55	0,45	0,78	n.c.	-0,29	n.c.	0,49	n.c.
Q9NSG2	CA112	Uncharacterized protein C1orf112 OS	96	13	5	4	3	0,55	0,26	0,31	0,27	-1,08	-0,21	-0,85	0,03
Q8NDD1	CA131	Uncharacterized protein C1orf131 OS	33	n.i.	n.i.	n.i.	3	n.c.	n.c.	n.c.	0,78	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
O94964	CT117	Uncharacterized protein C20orf117 OS	160	7	n.i.	5	n.i.	0,18	n.c.	0,23	n.c.	n.c.	n.c.	0,37	n.c.
Q6ZU35	K1211	Uncharacterized protein KIAA1211 OS	137	n.i.	n.i.	6	n.i.	n.c.	n.c.	0,32	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9P266	K1462	Uncharacterized protein KIAA1462 OS	148	31	7	26	18	0,86	0,24	1,30	1,03	-1,85	-0,32	0,60	2,13
Q9BY89	K1671	Uncharacterized protein KIAA1671 OS	197	205	143	212	180	4,26	3,65	7,97	7,81	-0,23	-0,03	0,90	1,10
Q7Z6I8	CE024	UPF0461 protein C5orf24 OS	20	n.i.	5	n.i.	4	n.c.	1,25	n.c.	1,69	n.c.	n.c.	n.c.	0,44
Q9HCE0	K1632	UPF0493 protein KIAA1632 OS	292	n.i.	4	n.i.	n.i.	n.c.	0,07	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8WUY1	CH055	UPF0670 protein C8orf55 OS	23,8	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,51	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q92738	US6NL	USP6 N-terminal-like protein OS	94	3	n.i.	3	n.i.	0,13	n.c.	0,24	n.c.	n.c.	n.c.	0,85	n.c.
P46939	UTRO	Utrophin OS	394	98	40	164	72	1,02	0,51	3,07	1,56	-1,00	-0,98	1,60	1,61
Q9BZF9	UACA	Uveal autoantigen with coiled-coil domains and ankyrin repeats OS	162	n.i.	n.i.	5	8	n.c.	n.c.	0,23	0,42	n.c.	0,88	n.c.	n.c.
Q9H270	VPS11	Vacuolar protein sorting-associated protein 11 homolog OS	108	n.i.	n.i.	n.i.	4	n.c.	n.c.	n.c.	0,32	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9H269	VPS16	Vacuolar protein sorting-associated protein 16 homolog OS	95	3	n.i.	5	n.i.	0,13	n.c.	0,39	n.c.	n.c.	n.c.	1,59	n.c.
Q9P253	VPS18	Vacuolar protein sorting-associated protein 18 homolog OS	110	n.i.	n.i.	n.i.	6	n.c.	n.c.	n.c.	0,46	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q96AX1	VP33A	Vacuolar protein sorting-associated protein 33A OS	68	3	n.i.	2	n.i.	0,18	n.c.	0,22	n.c.	n.c.	n.c.	0,27	n.c.
Q9NRW7	VPS45	Vacuolar protein sorting-associated protein 45 OS	65	n.i.	2	2	n.i.	n.c.	0,15	0,23	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8N1B4	VPS52	Vacuolar protein sorting-associated protein 52 homolog OS	82	8	8	5	8	0,40	0,49	0,45	0,83	0,29	0,88	0,18	0,77
Q5VIR6	VPS53	Vacuolar protein sorting-associated protein 53 homolog OS	80	3	n.i.	n.i.	4	0,15	n.c.	n.c.	0,43	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8N3P4	VPS8	Vacuolar protein sorting-associated protein 8 homolog OS	162	n.i.	4	10	15	n.c.	0,12	0,46	0,79	n.c.	0,79	n.c.	2,67

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
Q9P0L0	VAPA	Vesicle-associated membrane protein-associated protein A OS	28	23	9	30	n.i.	3,37	1,62	7,95	n.c.	-1,06	n.c.	1,24	n.c.
O95292	VAPB	Vesicle-associated membrane protein-associated protein B/C OS	27	17	5	17	n.i.	2,55	0,92	4,62	n.c.	-1,47	n.c.	0,85	n.c.
P46459	NSF	Vesicle-fusing ATPase OS	83	13	11	13	11	0,64	0,67	1,16	1,14	0,053	-0,034	0,853	0,766
O75396	SC22B	Vesicle-trafficking protein SEC22b OS	24,72	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,50	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
P08670	VIME	Vimentin OS	54	2354	1170	1690	1141	179,54	109,38	232,85	181,41	-0,71	-0,36	0,38	0,73
O60504	VINEX	Vinexin OS	75	8	18	12	17	0,43	1,20	1,18	1,93	1,46	0,71	1,44	0,68
P54289	CA2D1	Voltage-dependent calcium channel subunit alpha-2/delta-1 OS	124	5	n.i.	18	12	0,16	n.c.	1,07	0,82	n.c.	-0,38	2,70	n.c.
Q93050	VPP1	V-type proton ATPase 116 kDa subunit a isoform 1 OS	96	4	n.i.	3	n.i.	0,17	n.c.	0,23	n.c.	n.c.	n.c.	0,44	n.c.
P38606	VATA	V-type proton ATPase catalytic subunit A OS	68	n.i.	3	n.i.	n.i.	n.c.	0,22	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9UI12	VATH	V-type proton ATPase subunit H OS	56	4	n.i.	n.i.	n.i.	0,29	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8IZQ1	WDFY3	WD repeat and FYVE domain-containing protein 3 OS	395	6	8	n.i.	n.i.	0,06	0,10	n.c.	n.c.	0,71	n.c.	n.c.	n.c.
Q9BRX9	WDR83	WD repeat domain-containing protein 83 OS	34	3	4	4	n.i.	0,36	0,58	0,86	n.c.	0,71	n.c.	1,27	n.c.
Q96EX3	WDR34	WD repeat-containing protein 34 OS	58	n.i.	n.i.	2	7	n.c.	n.c.	0,26	1,03	n.c.	2,01	n.c.	n.c.
Q8IWA0	WDR75	WD repeat-containing protein 75 OS	94	n.i.	n.i.	2	n.i.	n.c.	n.c.	0,16	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q9UBH6	XPR1	Xenotropic and polytropic retrovirus receptor 1 OS	81	5	5	13	8	0,25	0,31	1,18	0,84	0,29	-0,49	2,23	1,44
Q702N8	XIRP1	Xin actin-binding repeat-containing protein 1 OS	198	25	9	10	2	0,52	0,23	0,37	0,09	-1,18	-2,12	-0,47	-1,40
Q86Y38	XYLT1	Xylosyltransferase 1 OS	108	n.i.	n.i.	5	4	n.c.	n.c.	0,34	0,32	n.c.	-0,12	n.c.	n.c.
Q9P2Y4	ZN219	Zinc finger protein 219 OS	77	8	10	20	35	0,43	0,65	1,92	3,88	0,62	1,01	2,18	2,57
Q9Y2X9	ZN281	Zinc finger protein 281 OS	97	n.i.	n.i.	3	4	n.c.	n.c.	0,23	0,35	n.c.	0,62	n.c.	n.c.
Q5VUA4	ZN318	Zinc finger protein 318 OS	251	n.i.	n.i.	3	n.i.	n.c.	n.c.	0,09	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q5T0B9	ZN362	Zinc finger protein 362 OS	46	n.i.	n.i.	n.i.	12	n.c.	n.c.	n.c.	2,23	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8TF68	ZN384	Zinc finger protein 384 OS	63	5	14	9	13	0,32	1,11	1,05	1,75	1,78	0,74	1,70	0,66
Q96KM6	Z512B	Zinc finger protein 512B OS	97	n.i.	n.i.	n.i.	3	n.c.	n.c.	n.c.	0,26	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q969S3	ZN622	Zinc finger protein 622 OS	54	3	3	13	5	0,23	0,28	1,77	0,79	0,29	-1,17	2,97	1,50
Q9UEG4	ZN629	Zinc finger protein 629 OS	97	n.i.	n.i.	n.i.	2	n.c.	n.c.	n.c.	0,18	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.

				PSM				% von EGFR				log2			
Accession	**Gen**	**Protein**	**M [kDa]**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH**	**NCH+**	**NCHvIII**	**NCHvIII+**	**NCH+/ NCH**	**NCHvIII+/ NCHvIII**	**NCHvIII/ NCH**	**NCHvIII+/ NCH+**
P17029	ZKSC1	Zinc finger protein with KRAB and SCAN domains 1 OS	64	12	18	14	18	0,77	1,42	1,63	2,41	0,88	0,57	1,08	0,77
Q8TAD4	ZNT5	Zinc transporter 5 OS	84	5	n.i.	3	n.i.	0,24	n.c.	0,26	n.c.	n.c.	n.c.	0,116	n.c.
Q6NXT4	ZNT6	Zinc transporter 6 OS	51	5	n.i.	n.i.	n.i.	0,40	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q6PML9	ZNT9	Zinc transporter 9 OS	63	n.i.	2	n.i.	n.i.	n.c.	0,16	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.
Q8N1S5	S39AB	Zinc transporter ZIP11 OS	35,3	3	n.i.	n.i.	n.i.	0,35	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.	n.c.