

**Anhang Ia: Identifizierte putativ phosphorylierte Proteine von *Bacillus subtilis*,
die in die Publikation Eymann u. a. 2007 mit eingegangen sind**

Spot	identifiziertes Protein	Peptidsequenz	MH+	z	Xcorr (Sequest)	DeltaCn	Sp	RSp	Ionen	
CitZ/SerC	CitZ	R.LTNLTGESK.W	962,51530	2	3,22	0,66	854,8	1	14/16	
		R.IEDIVTSEK.K	1033,54118	2	3,12	0,59	626,6	1	13/16	
		K.RLTNLTGESK.W	1118,61641	2	2,94	0,61	662,9	1	15/18	
		K.ELEELKQQLAK.E	1328,74201	2	4,02	0,50	649,5	1	17/20	
		K.SYSENVHPM*AALR.T	1603,78969	2	4,58	0,80	683,9	1	19/26	
		K.VPGLVAAFSR.I	1016,58874	2	3,07	0,63	1158,2	1	17/18	
		K.EAAVPQEIIHFHFK.S	1510,79002	2	3,99	0,81	498,6	1	18/24	
		K.M*LTEIGEVENAEPYIR.A	1879,91059	2	5,89	0,59	1695,4	1	23/30	
	SerC	K.SWLQENANVVK.I	1399,69645	2	4,65	0,67	1186,8	1	19/22	
		K.FDVIYGGQAK.N	1097,56259	2	2,85	0,51	1083,1	1	15/18	
		K.NLGPSTVTVVIM*K.K	1330,73988	2	3,60	0,63	943,6	1	17/24	
		R.ASIYNAVSLIEDC@EK.L	1598,73670	2	4,50	0,72	1349,6	1	20/26	
	DnaK	DnaK	K.VIANAEGNR.T	943,49557	2	2,76	0,73	395,0	1	12/16
			R.NTTIPTSK.S	861,46762	1	2,01	0,47	374,5	1	10/14
R.M*VKEAEENADADAK.K			1536,68461	2	4,08	0,58	1932,9	1	24/26	
K.ENGIDLSK.D			875,44689	2	2,24	0,55	327,3	1	11/14	
R.IPAVQEAIIK.E			1096,67247	2	3,74	0,99	506,6	1	15/18	
K.VILVGGSTR.I			901,54654	2	2,69	0,58	837,6	1	14/16	
K.DLGTGKEQNITIK.S			1416,76928	2	4,22	0,50	1251,4	1	21/24	
K.SSSGLSDEEIER.M			1308,59138	2	3,37	0,72	1112,3	1	18/22	
R.IPAVQEAIIK.K			968,57751	2	3,04	0,77	505,9	1	15/16	
R.QSITNPNTIM*SIK.R			1462,75699	2	4,39	0,58	846,9	1	19/24	
K.IAGLEVER.I			886,49926	2	2,76	0,44	680,2	1	13/14	
K.FEELSSHLVER.T			1345,67466	2	3,39	0,66	1413,1	1	16/20	
K.SYAESYLGETVSK.A			1433,67947	2	5,55	0,72	2287,5	1	21/24	
R.NEADQLVFQTEK.T			1421,69070	2	4,92	0,59	1751,2	1	19/22	
R.FQLTDIPPAPR.G			1254,68410	2	3,66	0,50	1113,0	1	18/20	
K.DYTPQEVSAIILQHLK.S			1854,99599	2	4,59	0,73	805,2	1	21/30	

Spot	identifiziertes Protein	Peptidsequenz	MH+	z	Xcorr (Sequest)	DeltaCn	Sp	RSp	Ionen
Eno1	Eno	K.KLSEGIK.N	774,47198	2	2,24	0,30	215,8	1	10/12
		K.LAM*DAASSEFYNK.E	1462,65186	2	4,85	0,52	2194,4	1	21/24
		K.NGVGNSILIK.V	1014,59422	2	2,92	0,52	435,4	1	13/18
		R.M*GAQIFHSLK.S	1147,59283	2	3,61	0,49	658,9	1	15/18
		R.MGAQIFHSLK.S	1131,59793	2	3,25	0,43	1844,6	1	16/18
		R.ALVPSGASTGEYEAVELR.D	1848,93378	2	5,47	0,81	1124,9	1	28/34
		K.VQLVGDDLFTNTKK.L	1676,92176	2	3,74	0,58	1218,6	1	20/28
		K.KVQLVGDDLFTNTK.K	1676,92176	2	4,82	0,80	2341,1	1	24/28
		R.GNPTVEVEVYTETGAFGR.A	1925,92395	2	6,26	0,78	3169,9	1	26/34
		K.VQLVGDDLFTNTK.K	1548,82680	2	5,08	0,79	2125,6	1	23/26
		K.TSAEM*VDWYEELVSK.Y	1802,81529	2	4,82	0,75	1600,3	1	22/28
		Eno2	Eno	K.LAM*DAASSEFYNK.E	1462,65186	2	4,32	0,51	2023,5
K.NGVGNSILIK.V	1014,59422			2	2,95	0,47	443,3	1	13/18
R.M*GAQIFHSLK.S	1147,59283			2	3,62	0,51	818,5	1	16/18
K.LGANAILGVSM*AC@AR.A	1519,77197			2	4,01	0,72	1759,7	1	22/28
R.ALVPSGASTGEYEAVELR.D	1848,93378			2	5,63	0,83	1197,6	1	28/34
K.VQLVGDDLFTNTK.K	1548,82680			2	5,42	0,76	2130,7	1	23/26
K.TSAEM*VDWYEELVSK.Y	1802,81529			2	4,76	0,73	1683,8	1	22/28
K.VNQIGTLTETFDAIEM*AK.R	1996,98957			2	6,64	0,67	2617,4	1	27/34
K.VNQIGTLTETFDAIEMAK.R	1980,99467			2	5,95	0,81	2357,1	1	27/34
K.TSAEMVDWYEELVSK.Y	1786,82039			2	5,22	0,75	1581,5	1	22/28
GapA	GapA			K.HLEAGAKK.V	853,48903	2	2,53	0,42	699,9
		K.HLEAGAK.K	725,39406	2	2,56	0,56	945,8	1	11/12
		K.EAAEGDLK.G	832,40469	2	2,22	0,56	393,7	1	11/14
		K.TIEVSAER.D	904,47344	2	2,62	0,28	607,4	1	13/14
		K.TIEVSAERDPAK.L	1315,68522	2	3,69	0,55	671,1	1	17/22
		R.AAAENIIPSTGAAK.A	1414,75363	2	4,73	0,77	1105,4	1	23/28
		K.VGINGFGR.I	819,44716	2	2,62	0,63	839,5	1	13/14
		K.VISWYDNESGYSNR.V	1689,75034	2	4,57	0,70	1967,7	1	21/26
		K.NSSTIDALSTM*VM*EGSM*VK.V	2048,91843	2	5,92	0,69	1888,3	1	26/36
		K.LDAEVSV DGNL LVVNGK.T	1742,89192	2	4,88	0,67	2138,1	1	23/32
		R.VVDLAAYIAK.K	1062,61937	2	4,11	0,68	998,1	1	16/18
		K.AVSLVLP ELK.G	1068,66632	2	3,35	0,88	1456,7	1	16/18
		K.GILGYSEEPLVSGDYNGNK.N	2011,96073	2	6,31	0,73	1799,4	1	26/36
		K.QGVEIVVESTGFFTK.R	1640,85301	2	5,14	0,60	2708,6	1	25/28

Spot	identifiziertes Protein	Peptidsequenz	MH+	z	Xcorr (Sequest)	DeltaCn	Sp	RSp	Ionen	
GapA/YxjG/YjcI	GapA	K.HLEAGAK.K	725,39406	2	2,36	0,56	800,9	1	10/12	
		K.HLEAGAKK.V	853,48903	2	2,33	0,42	583,6	1	11/14	
		K.TIEVSAER.D	904,47344	2	2,25	0,28	517,9	1	12/14	
		K.TIEVSAERDPAK.L	1315,68522	2	3,77	0,62	685,0	1	17/22	
		R.AAAENIIPSTGAAK.A	1414,75363	2	4,44	0,79	1179,3	1	23/28	
		K.VGINGFGR.I	819,44716	2	2,33	0,63	711,5	1	12/14	
		R.VVDLAAYIAK.K	1062,61937	2	3,95	0,65	987,2	1	16/18	
		K.AVSLVLPCLK.G	1068,66632	2	3,51	0,84	1448,2	1	16/18	
		K.GILGYSEEPLVSGDYNGNK.N	2011,96073	2	6,15	0,65	1691,1	1	26/36	
		K.QGVEIVVESTGFFTK.R	1640,85301	2	5,41	0,57	2636,5	1	24/28	
	YxjG	K.AAGEM*TAEQLR.Q	1192,56265	2	3,23	0,53	1025,1	1	17/20	
		K.AAGEMTAEQLR.Q	1176,56775	2	3,77	0,65	1756,0	1	18/20	
		R.SGGFEPLR.Y	862,44174	2	2,84	0,62	797,6	1	12/14	
		K.AIQAFYDR.G	983,49451	2	2,73	0,75	839,2	1	12/14	
		R.ADQVGSLLR.S	958,53162	2	2,87	0,50	951,9	1	15/16	
		K.FGELENPDDVK.R	1262,58992	2	3,51	0,58	1377,7	1	16/20	
		K.QIEAFGTTPELDR.Q	1476,73290	2	3,93	0,63	922,5	1	18/24	
		R.HVVEIANDVWK.-	1309,68991	2	3,39	0,71	638,1	1	15/20	
		R.YLQLDDTAWAVFLSEK.G	1898,95346	2	5,98	0,72	3947,5	1	28/30	
		Yjc	K.LAQIGNR.S	771,44716	2	2,26	0,64	866,4	1	11/12
	K.GGM*LSFR.L		783,38177	2	2,23	0,33	665,3	1	10/12	
	K.GGMLSFR.L		767,38687	2	2,31	0,35	546,3	1	10/12	
	R.GIGESTGFDYVR.T		1300,61681	2	3,40	0,64	1293,9	1	17/22	
	K.SGDELIVSSDLYGGTYR.L		1831,87085	2	5,99	0,75	2065,9	1	24/32	
	R.QLVEDAIANLENGAR.G		1612,82892	2	5,11	0,71	1938,3	1	22/28	
	GlyA	GlyA	K.YAEGYPGKR.Y	1040,51597	2	2,29	0,51	564,4	1	14/16
			R.LGTAAVTSR.G	875,49451	2	2,92	0,76	440,7	1	15/16
			R.GGM*ILC@R.E	822,39608	2	2,21	0,29	630,2	1	9/12
			K.TYAQNVISNAK.R	1208,62698	2	3,98	0,82	1459,6	1	18/20
			K.LIVAGASAYPR.T	1117,63642	2	3,49	0,63	2039,0	1	19/20
R.YYGGC@EHDVVEDIAR.D			1881,84362	2	5,33	0,74	2011,7	1	22/30	
R.VAALTDKFLYK.E			1365,77766	2	3,53	0,71	1724,9	1	19/22	
K.VAEHVLDEIGITSNK.N			1624,85408	2	5,17	0,74	2219,5	1	23/28	
K.AVSFGEVLQDDFK.T			1454,71619	2	5,00	0,57	2268,7	1	20/24	

Spot	identifiziertes Protein	Peptidsequenz	MH+	z	Xcorr (Sequest)	DeltaCn	Sp	RSp	Ionen
GroEL	GroEL	R.NVVLEKK.F	829,51418	2	2,87	0,43	697,1	1	11/12
		K.LVAEVASK.T	816,48254	1	2,25	0,66	489,7	1	10/14
		K.NVTAGANPVGVRK.G	1282,72261	2	3,36	0,66	1095,6	1	18/24
		K.VGAATETELK.E	1018,54152	2	3,44	0,70	1135,3	1	17/18
		K.VGAATETELKER.K	1303,68522	2	3,61	0,71	1459,8	1	19/22
		R.IEDALNSTR.A	1018,51636	2	3,41	0,66	919,1	1	15/16
		K.NVTAGANPVGVR.K	1154,62765	2	3,75	0,70	1557,2	1	20/22
		K.ENTTIVEGAGETDK.I	1463,68601	2	4,72	0,71	1546,4	1	23/26
		K.STQIAQLGR.A	973,54252	2	3,32	0,60	1211,0	1	14/16
		R.GTFNAVAVK.A	906,50434	2	3,38	0,63	699,5	1	13/16
		R.AQVEETTSEFDREK.L	1668,77113	2	4,25	0,72	1813,2	1	19/26
		K.GIVDPTKIVTR.S	1085,63133	2	2,70	0,72	733,5	1	15/18
		K.LAGGVAVIK.V	827,53491	2	3,68	0,58	609,3	1	15/16
		R.AQVEETTSEFDR.E	1411,63358	2	4,27	0,77	1775,2	1	19/22
		R.GYASPYM*VTDSK.M	1449,62022	2	4,00	0,79	870,4	1	19/24
		R.VGNDGVITIEESK.G	1360,69545	2	4,65	0,60	1309,2	1	20/24
		R.GVDALADAVK.V	958,52039	2	3,95	0,51	1382,2	1	16/18
		K.LRIEDALNSTR.A	1287,70154	2	3,50	0,75	674,5	1	16/20
		R.KGM*EQAVAVAIENLK.E	1616,86760	2	5,51	0,62	682,1	1	21/28
		K.FGSPLITNDGVTIAK.E	1532,83188	2	4,47	0,67	1261,2	1	23/28
		K.GM*EQAVAVAIENLK.E	1488,77264	2	5,23	0,69	2267,8	1	22/26
		K.EIELEDAFENM*GAK.L	1611,72066	2	4,91	0,68	1641,9	1	20/26
		K.GFTTELEVVEGM*QFDR.G	1873,86364	2	5,75	0,77	1938,4	1	23/30
		R.KGMEQAVAVAIENLK.E	1600,87270	2	4,60	0,58	2630,8	1	23/28
K.GMEQAVAVAIENLK.E	1472,77774	2	4,08	0,56	2315,0	1	21/26		
lcd1	lcd	R.IAEEQKDAANK.A	1273,63827	2	3,97	0,61	1844,8	1	19/22
		K.EVYAGEK.A	795,38831	1	2,22	0,47	200,3	1	9/12
		K.SVTLVHK.G	783,47231	2	2,34	0,90	486,3	1	10/12
		R.KSVTLVHK.G	911,56728	2	2,80	0,71	303,2	1	13/14
		K.VLEAAVEK.A	858,49311	2	3,01	0,44	520,1	1	13/14
		R.LM*DGATEVK.C	979,47646	2	3,14	0,44	928,0	1	15/16
		R.LMDGATEVK.C	963,48156	2	2,61	0,58	484,2	1	12/16
		R.AAIDYAIEHGRK.S	1343,70662	2	3,40	0,68	1160,9	1	17/22
		R.AAIDYAIEHGR.K	1215,61166	2	3,17	0,73	1335,3	1	16/20
		K.VVTYDFAR.L	970,49926	2	2,32	0,63	407,1	1	12/14
		R.YFTGVSPVK.R	1094,58807	1	2,82	0,73	498,9	1	13/18
		K.C@SEFGEELIK.N	1211,56130	2	2,86	0,41	1259,2	1	15/18
		R.EYFIAIK.G	883,49238	1	2,57	0,55	490,5	1	10/12
		K.RPEDTDMVIFR.E	1378,67836	2	3,64	0,59	1460,1	1	18/20
		K.C@SEFGEELIKNM*D.-	1587,66656	2	4,29	0,64	1050,5	1	17/24
		K.NWGYELAEKEYGDK.V	1701,77549	2	4,04	0,56	1369,1	1	20/26
		R.ENTEDIYAGIEYAK.G	1615,74861	2	5,02	0,65	1495,1	1	21/26
		K.C@SEFGEELIKNM.D.-	1571,67166	2	3,84	0,61	1136,8	1	18/24
K.LISFLQNELNVNK.I	1531,84787	2	4,85	0,51	2594,8	1	21/24		

Spot	identifiziertes Protein	Peptidsequenz	MH+	z	Xcorr (Sequest)	DeltaCn	Sp	RSp	Ionen
Icd2	Icd	R.IAEEQGKDAANK.A	1273,63827	2	4,17	0,58	1820,2	1	19/22
		R.LM*DGATEVK.C	979,47646	2	3,19	0,39	854,5	1	15/16
		K.VLEAAVEK.A	858,49311	2	3,02	0,40	523,9	1	13/14
		R.LMDGATEVK.C	963,48156	2	2,58	0,57	462,9	1	12/16
		K.FTEGAFK.N	799,39848	1	2,03	0,42	350,9	1	9/12
		R.SLNVALR.Q	772,46756	2	2,23	0,20	546,8	1	10/12
		R.AAIDYAIEHGRK.S	1343,70662	2	3,25	0,67	1493,3	1	18/22
		R.AAIDYAIEHGR.K	1215,61166	2	2,95	0,81	1384,5	1	16/20
		K.VVTYDFAR.L	970,49926	2	2,40	0,65	336,4	1	11/14
		R.YFTGVPSPVK.R	1094,58807	2	2,66	0,73	711,2	1	15/18
		K.C@SEFGEELIK.N	1211,56130	2	2,79	0,46	1112,6	1	15/18
		R.EYFIAIK.G	883,49238	1	2,55	0,56	446,7	1	10/12
		K.C@SEFGEELIKNM*D.-	1587,66656	2	4,12	0,67	1367,3	1	19/24
		K.RPEDTDMVIFR.E	1378,67836	2	3,74	0,65	1439,8	1	18/20
		K.VFTWAQYDR.I	1185,56873	2	3,03	0,57	793,8	1	14/16
		R.ENTEDIYAGIEYAK.G	1615,74861	2	5,29	0,72	1647,6	1	22/26
		K.C@SEFGEELIKNMD.-	1571,67166	2	3,24	0,51	705,2	1	17/24
K.LISFLQNELNVNK.I	1531,84787	2	4,76	0,53	2483,1	1	21/24		
MetE	MetE	K.QFATGANSEQK.K	1180,55929	2	2,36	0,58	346,1	1	14/20
		K.ADIQALK.Q	758,44068	2	2,40	0,36	746,2	1	11/12
		K.AAISEEIQQAK.A	1187,62664	2	3,54	0,65	1140,4	1	16/20
		K.VLAAGVIDGR.N	970,56801	2	3,59	0,77	1239,1	1	16/18
		K.ELEQLTDKDFK.R	1365,68964	2	2,76	0,56	548,9	1	14/20
		K.QIDELFLSAVK.T	1262,69908	2	3,30	0,56	644,8	1	15/20
PdxS1 (YaaD1)	YaaD	R.KVNAQVR.K	814,48936	2	2,32	0,42	431,0	1	9/12
		R.IAEGASM*LR.T	963,49278	2	3,00	0,49	1193,8	1	15/16
		R.IGHIVEAR.V	894,51558	2	2,60	0,60	269,2	1	12/14
		K.VVAM*SEDELM*TEAK.N	1584,71312	2	4,67	0,58	1861,8	1	21/26
		R.IAEGASMLR.T	947,49788	2	2,34	0,59	822,8	1	14/16
		K.LIAELSK.E	773,47673	2	2,44	0,52	347,4	1	11/12
		K.GEPGTGNIVEAVR.H	1298,66990	2	3,26	0,79	295,5	1	19/24
		K.AIVEATTHFTDYK.L	1495,74274	2	4,10	0,74	1098,9	1	19/24
		K.GGVIM*DVINAEQAK.I	1460,74134	2	4,98	0,79	2463,5	1	21/26
		K.GIEISNLLPEQR.M	1368,74816	2	3,24	0,70	757,9	1	18/22
		K.GGVIMDVINAEQAK.I	1444,74644	2	4,88	0,79	2749,7	1	21/26

Spot	identifiziertes Protein	Peptidsequenz	MH+	z	Xcorr (Sequest)	DeltaCn	Sp	RSp	Ionen
PdxS2 (YaaD2)	YaaD	R.KVNAQVR.K	814,48936	2	2,64	0,33	704,1	1	11/12
		R.GMAEM*QK.G	810,34842	2	2,56	0,38	581,6	1	10/12
		R.GMAEMQK.G	794,35352	2	2,74	0,32	436,6	1	10/12
		R.GM*AEM*QK.G	826,34332	2	2,56	0,46	688,3	1	11/12
		R.IAEGASM*LR.T	963,49278	2	3,26	0,62	1192,9	1	15/16
		R.IGHIVEAR.V	894,51558	2	2,95	0,64	541,0	1	13/14
		K.VVAM*SEDELM*TEAK.N	1584,71312	2	4,88	0,59	1832,5	1	21/26
		K.LIAELSK.E	773,47673	1	2,34	0,45	698,7	1	10/12
		R.IAEGASMLR.T	947,49788	2	3,55	0,67	1014,6	1	15/16
		R.RIAEGASMLR.T	1103,59899	2	3,29	0,57	957,9	1	15/18
		K.GEPGTGNIVEAVR.H	1298,66990	2	3,41	0,79	379,9	1	20/24
		R.KVVAMSEDELM*TEAK.N	1696,81318	2	5,08	0,40	1242,4	1	22/28
		K.VVAM*SEDELMTEAK.N	1568,71822	2	4,37	0,37	1793,2	1	21/26
		R.KVVAM*SEDELMTEAK.N	1696,81318	2	4,99	0,06	1329,0	1	23/28
		K.VVAMSEDELM*TEAK.N	1568,71822	2	4,45	0,32	2062,3	1	21/26
		K.AIVEATTHFTDYK.L	1495,74274	2	4,23	0,76	1122,8	1	19/24
		K.VVAMSEDELMTEAK.N	1552,72332	2	4,45	0,68	1913,3	1	21/26
		K.NEYVVPFVC@GC@R.D	1501,65632	2	2,62	0,48	506,9	1	16/22
		K.GGVIM*DVINAEQAK.I	1460,74134	2	5,15	0,80	2370,7	1	21/26
		K.GIEISNLLPEQR.M	1368,74816	2	3,73	0,69	730,1	1	18/22
K.NLGAPYELLQIKK.D	1599,94685	2	4,06	0,71	975,2	1	21/26		
K.GGVIMDVINAEQAK.I	1444,74644	2	5,50	0,82	2633,9	1	21/26		
PdxS3 (YaaD3)	YaaD	R.KVNAQVR.K	814,48936	2	2,47	0,29	690,2	1	11/12
		R.IAEGASM*LR.T	963,49278	2	3,17	0,54	1204,9	1	15/16
		R.IGHIVEAR.V	894,51558	2	2,77	0,66	421,8	1	13/14
		K.VVAM*SEDELM*TEAK.N	1584,71312	2	4,58	0,65	1774,4	1	21/26
		R.IAEGASMLR.T	947,49788	2	2,69	0,64	1009,9	1	15/16
		K.LIAELSK.E	773,47673	1	2,45	0,49	686,8	1	10/12
		K.GEPGTGNIVEAVR.H	1298,66990	2	3,95	0,81	374,4	1	20/24
		K.VVAMSEDELM*TEAK.N	1568,71822	2	4,01	0,33	1743,2	1	20/26
		K.AIVEATTHFTDYK.L	1495,74274	2	4,16	0,71	1075,3	1	19/24
		K.GGVIM*DVINAEQAK.I	1460,74134	2	5,19	0,81	2448,6	1	21/26
		K.GIEISNLLPEQR.M	1368,74816	2	3,41	0,70	814,4	1	19/22
		K.GGVIMDVINAEQAK.I	1444,74644	2	5,13	0,79	2661,0	1	21/26
		Pgm1	Pgm	R.AM*AYGEGPSYR.S	1217,52553	2	3,25	0,77	1719,1
R.AMAYGEGPSYR.S	1201,53063			2	2,47	0,63	1044,2	1	16/20
R.EAEFPGEER.I	1063,46908			2	2,22	0,48	329,6	1	12/16
R.NETVGNALAK.K	1186,64263			2	3,09	0,46	1161,2	1	18/22
K.EM*TGTSLIQK.-	1123,56634			2	2,78	0,57	397,5	1	13/18
K.TYINQLNDQIK.E	1349,70596			2	3,97	0,50	1516,1	1	17/20
K.EIGVGEIASISGR.Y	1287,69031			2	3,84	0,78	1683,8	1	21/24
R.NQTFDLAISNAK.E	1321,67466			2	3,67	0,64	1885,1	1	19/22
K.AIEAVDEC@LGEVVDAILAK.G	2015,03657			2	5,76	0,56	2129,9	1	26/36

Spot	identifiziertes Protein	Peptidsequenz	MH+	z	Xcorr (Sequest)	DeltaCn	Sp	RSp	Ionen
Pyk2	Pyk	R.GAVYQGR.A	750,38931	2	2,22	0,66	520,5	1	9/12
		K.LM*ESGM*NVAR.L	1139,51833	2	3,02	0,56	812,3	1	16/18
		K.LMESGM*NVAR.L	1123,52343	2	3,03	0,39	1054,3	1	16/18
		K.SLNSGIVK.H	817,47779	2	2,24	0,26	395,9	1	11/14
		K.M*TDGAVLVTK.S	1050,54996	2	3,03	0,32	607,3	1	15/18
		K.LM*ESGMNVAR.L	1123,52343	2	2,74	0,47	836,0	1	16/18
		K.STDRDM*IASLEK.A	1381,66276	2	3,07	0,68	455,5	1	16/22
		K.SAYGPVVVAQNAK.E	1303,70048	2	4,65	0,73	1437,1	1	19/24
		R.RSTDVLEIR.E	1088,60585	2	3,05	0,52	798,6	1	14/16
		R.STDVLEIR.E	932,50474	2	2,82	0,59	1004,2	1	13/14
		R.SEEALNYKEILSK.R	1523,79516	2	4,17	0,65	2458,0	1	21/24
		K.IVC@TIGPASESIEM*LTK.L	1864,93948	2	5,38	0,57	1229,2	1	26/32
		R.GDLGVEIPAEVPLVQK.E	1792,96911	2	5,18	0,72	1355,9	1	24/32
		Pyk3	Pyk	R.SEEALNYK.E	953,45745	2	2,62	0,66	602,2
K.SLNSGIVK.H	817,47779			2	2,35	0,29	406,2	1	11/14
K.M*TDGAVLVTK.S	1050,54996			2	3,05	0,36	537,3	1	15/18
K.SAYGPVVVAQNAK.E	1303,70048			2	4,73	0,71	1434,7	1	19/24
R.STDVLEIR.E	932,50474			2	2,71	0,65	646,8	1	13/14
K.NVGILLDTK.G	972,57242			2	2,42	0,70	486,4	1	12/16
R.GDLGVEIPAEVPLVQK.E	1792,96911			2	5,50	0,76	1320,2	1	24/32
RsbRA2	RsbR	R.AVQIGLSM*K.F	962,53391	2	2,68	0,52	1431,1	1	15/16
		K.GIQTALEM*TDKR.I	1378,69948	2	3,36	0,70	1074,6	1	18/22
		R.KIVSLGE.-	745,44543	2	2,60	0,42	669,4	1	12/12
		K.GIQTALEM*TDK.K	1250,60451	2	3,60	0,58	1092,4	1	16/20
		K.GIQTALEMTDRK.I	1362,70458	2	3,65	0,75	560,8	1	17/22
		K.GIQTALEMTDR.K	1234,60961	2	4,10	0,68	1281,7	1	17/20
		R.IM*ENLLNGVVK.H	1245,68712	2	3,40	0,45	756,9	1	16/20
		R.IMENLLNGVVK.H	1229,69222	2	3,25	0,30	871,4	1	15/20
		R.LPDQESTELIWQIDR.F	1842,92322	2	5,50	0,65	1782,2	1	22/28
		K.FLATALAEFWK.R	1296,69869	2	3,35	0,63	2072,7	1	18/20
SpollA	SpollAA	K.VTQSLEKDDIR.H	1303,68522	2	3,13	0,65	636,4	1	17/20
		R.LTGELDHHTAETLK.Q	1564,79656	2	4,57	0,70	888,5	1	19/26
		K.QIGGEMVVC@AISPAVK.R	1658,86046	2	4,24	0,64	1567,8	1	21/30
		R.LFDM*SGLFK.I	1073,53358	2	2,47	0,56	721,2	1	14/16
		R.FEQSEQQALLTLGVAS.-	1720,87521	2	4,23	0,76	1813,9	1	24/30
		R.LFDM*SGLFK.I	1057,53868	2	2,97	0,58	585,5	1	14/16

Spot	identifiziertes Protein	Peptidsequenz	MH+	z	Xcorr (Sequest)	DeltaCn	Sp	RSp	Ionen
ThiG1	ThiG	K.LAVEAGR.L	715,40971	2	2,22	0,39	535,0	1	11/12
		R.LSYEAGR.I	795,39954	1	2,41	0,61	199,4	1	9/12
		K.VEVIGC@SR.S	919,46661	2	2,69	0,69	766,4	1	12/14
		K.ASGLC@DM*IK.V	1010,46455	2	3,21	0,65	979,6	1	15/16
		R.LLLGTGK.Y	701,45560	1	2,17	0,61	418,0	1	10/12
		R.LSYEAGRIPK.Q	1246,71540	2	2,35	0,47	792,2	1	15/20
		K.ASGLC@DMIK.V	994,46965	2	3,63	0,56	763,8	1	14/16
		K.YPSFDIQK.E	997,49892	2	2,53	0,46	741,5	1	12/14
		K.VPVIVDAGIGSPK.D	1251,73071	2	3,80	0,99	1541,1	1	19/24
		K.QYGTASSPGEGLPV.-	1362,65359	2	3,57	0,75	518,8	1	19/26
		K.YTLLPNTAGASTAEAVR.I	1863,94468	2	4,87	0,78	980,3	1	26/34
		R.SLLPDPVETLK.A	1211,68818	2	2,43	0,39	422,1	1	16/20
		K.EAVAVSESDILTFAVR.R	1706,89594	2	5,39	0,73	1968,7	1	25/30
		R.M*NIFEASQPNFLEQLDLSK.Y	2240,09035	2	6,19	0,62	1283,5	1	27/36
ThiG2	ThiG	R.LSYEAGR.I	795,39954	1	2,09	0,51	203,8	1	9/12
		K.VEVIGC@SR.S	919,46661	2	2,31	0,54	672,0	1	11/14
		K.YPSFDIQK.E	997,49892	2	2,75	0,48	678,3	1	12/14
		K.VPVIVDAGIGSPK.D	1251,73071	2	3,70	0,94	1472,8	1	19/24
		K.QYGTASSPGEGLPV.-	1362,65359	2	3,72	0,79	499,1	1	19/26
		K.YTLLPNTAGASTAEAVR.I	1863,94468	2	4,96	0,80	816,4	1	24/34
		R.SLLPDPVETLK.A	1211,68818	2	2,36	0,37	355,1	1	15/20
TufA	TufA	R.GQVLAKPGTITPHSK.F	1533,87475	2	4,33	0,80	1525,9	1	23/28
		K.TTVTGVEM*FRK.L	1284,66163	2	2,78	0,60	410,9	1	14/20
		K.TTVTGVEM*FRK	1156,56667	2	3,26	0,68	1518,7	1	17/18
		K.GTAM*AYDQIDGAPEER.E	1739,75409	2	3,78	0,67	1380,1	1	23/30
		K.ALEGDAEWEAK.I	1218,56371	2	3,18	0,66	942,6	1	16/20
		R.GITISTAHVEYETETR.H	1806,88683	2	5,15	0,66	1831,6	1	23/30
		K.TTVTGVEMFR.K	1140,57177	2	3,59	0,47	1500,7	1	17/18
		K.VGDEVEIIGLQEENK.T	1799,93853	2	5,30	0,72	1267,1	1	21/30
		K.LLDYAEAGDNIGALLR.G	1703,89628	2	5,34	0,71	2970,3	1	26/30
		R.DLLSEYDFPGDDVPVVK.G	1907,92730	2	4,98	0,63	1962,8	1	26/32

Spot	identifiziertes Protein	Peptidsequenz	MH+	z	Xcorr (Sequest)	DeltaCn	Sp	RSp	Ionen
YhxB1	YhxB	R.GEIGAGTNR.M	874,43772	2	2,35	0,61	725,4	1	13/16
		R.M*NIYTVR.K	912,46075	2	2,37	0,42	832,0	1	11/12
		K.VYGDDGGQLPPK.E	1245,61099	2	3,88	0,66	1020,6	1	18/22
		K.QVVTAEDYAVSKR.T	1465,76453	2	3,82	0,70	621,1	1	19/24
		K.TIVTSEIGR.A	975,54694	2	2,84	0,66	791,9	1	15/16
		R.GVVIAYDSR.H	979,52072	2	3,29	0,86	1194,5	1	14/16
		K.SPEFAMEAAK.T	1080,50302	2	2,75	0,52	688,8	1	16/18
		K.SPEFAM*EAAK.T	1096,49792	2	3,24	0,61	1431,8	1	16/18
		R.LAVLSEDVM*K.T	1120,59182	2	3,41	0,65	1260,6	1	16/18
		K.TVDEIVESTAK.-	1191,61032	2	4,31	0,71	1172,2	1	18/20
		R.GLEALGYK.N	850,46689	2	2,83	0,77	718,9	1	12/14
		K.ASAGFAAYISK.Q	1085,56259	2	3,83	0,68	1931,4	1	18/20
		K.KQGILPDNGVVLK.T	1380,82093	2	3,78	0,54	1075,6	1	17/24
		R.LAVLSEDVMK.T	1104,59692	2	3,09	0,63	1216,6	1	16/18
		K.DLEFGTGGMR.G	1082,49352	2	2,40	0,69	932,9	1	15/18
		R.TLLTESKEEAILPK.S	1686,91601	2	4,60	0,83	1849,2	1	22/28
		K.QGILPDNGVVLK.T	1252,72596	2	2,73	0,73	465,1	1	16/22
		R.LIELEGDEQALED@FYK.D	2071,95290	2	6,13	0,70	2515,3	1	25/32
		R.AVASSFGLDTIDTLTGFK.F	1842,94837	2	6,37	0,72	2704,2	1	27/34
		K.GKQGAEQIEAILASFR.Q	1717,92316	2	5,33	0,71	3222,1	1	25/30
K.QGAEQIEAILASFR.Q	1532,80673	2	4,68	0,67	1494,4	1	21/26		
YhxB2	YhxB	K.GSSLEDSEKR.L	1107,52766	2	2,72	0,62	690,6	1	13/18
		R.GEIGAGTNR.M	874,43772	2	2,50	0,65	1097,0	1	15/16
		K.SPEFAM*EAAK.T	1096,49792	2	3,48	0,62	1336,9	1	16/18
		K.QVVTAEDYAVSKR.T	1465,76453	2	3,69	0,72	618,3	1	19/24
		K.VYGDDGGQLPPK.E	1245,61099	2	3,93	0,71	1047,1	1	18/22
		K.QVVTAEDYAVSKR.R	1309,66342	2	3,74	0,59	756,7	1	19/22
		K.TIVTSEIGR.A	975,54694	2	2,98	0,73	777,9	1	15/16
		R.GVVIAYDSR.H	979,52072	2	3,19	0,83	1328,9	1	15/16
		K.SPEFAMEAAK.T	1080,50302	2	2,91	0,56	1215,3	1	16/18
		K.EEAIDLPK.S	914,48294	1	2,38	0,64	249,3	1	10/14
		K.TVDEIVESTAK.-	1191,61032	2	4,21	0,71	1234,6	1	18/20
		R.LAVLSEDVM*K.T	1120,59182	2	3,58	0,69	1293,1	1	16/18
		R.RGLEALGYK.N	1006,56801	2	2,24	0,48	836,4	1	14/16
		K.DLEFGTGGM*R.G	1098,48842	2	2,71	0,48	1009,3	1	15/18
		R.GLEALGYK.N	850,46689	2	2,81	0,77	839,6	1	13/14
		K.ASAGFAAYISK.Q	1085,56259	2	3,71	0,68	1843,1	1	18/20
		R.TLLTESKEEAILPK.S	1686,91601	2	4,60	0,86	1999,4	1	23/28
		K.DLEFGTGGMR.G	1082,49352	2	2,86	0,75	1392,7	1	16/18
		R.LAVLSEDVMK.T	1104,59692	2	3,15	0,66	1252,8	1	16/18
		R.LIELEGDEQALED@FYK.D	2071,95290	2	6,37	0,68	3076,1	1	27/32
K.GKQGAEQIEAILASFR.Q	1717,92316	2	5,34	0,75	3225,9	1	25/30		
K.QGAEQIEAILASFR.Q	1532,80673	2	4,72	0,66	2126,6	1	22/26		

Spot	identifiziertes Protein	Peptidsequenz	MH+	z	Xcorr (Sequest)	DeltaCn	Sp	RSp	Ionen
YhxB3	YhxB	K.SPEFAM*EAAK.T	1096,49792	2	3,30	0,62	1475,2	1	16/18
		R.M*NIYTVR.K	912,46075	2	2,43	0,45	839,6	1	11/12
		K.VYGDDGGQLPPK.E	1245,61099	2	3,11	0,56	862,4	1	16/22
		K.QVVTAEDYAVSKR.T	1465,76453	2	3,92	0,74	615,0	1	19/24
		K.TIVTSEIGR.A	975,54694	2	2,82	0,67	771,8	1	15/16
		R.GVVIAYDSR.H	979,52072	2	3,26	0,82	1159,3	1	14/16
		K.SPEFAMEAAK.T	1080,50302	2	2,61	0,33	371,8	1	14/18
		R.LAVLSEDVM*K.T	1120,59182	2	3,23	0,64	1298,1	1	16/18
		K.TVDEIVESTAK.-	1191,61032	2	4,10	0,72	1173,9	1	18/20
		R.GLEALGYK.N	850,46689	2	2,82	0,77	727,7	1	12/14
		R.LAVLSEDVMK.T	1104,59692	2	3,11	0,67	1244,8	1	16/18
		R.TLLTESKEEAIDLPK.S	1686,91601	2	4,29	0,82	2008,7	1	23/28
		R.LIELEGDEQALED@FYK.D	2071,95290	2	6,10	0,66	2748,5	1	26/32
		R.AVASSFGLDITDITLTGFK.F	1842,94837	2	5,49	0,72	2323,1	1	25/34
		K.QGAEQIEAILASFR.Q	1532,80673	2	4,29	0,68	1023,4	1	20/26
		YkoB1 (RsbRB)	YkoB	K.FAEENESAFEPGEK.Q	1583,68601	2	4,58	0,65	1862,5
K.TNLAQALNYHQ.-	1272,63313			2	4,63	0,72	1807,4	1	17/20
R.HLNYM*YVLPEK.Q	1422,70858			3	4,13	0,57	1179,0	1	22/40
K.WADLIVK.V	844,49272			2	2,37	0,24	219,9	1	11/12
K.HLDTPVQYVIR.E	1340,73211			3	3,80	0,65	1311,8	1	23/40
K.FILENTLQAC@AK.R	1407,73010			2	4,14	0,50	2438,5	1	20/22
R.HLNYMYVLPEK.Q	1406,71368			2	3,06	0,69	693,6	1	16/20
R.EM*ILELSSPVITLSK.S	1675,91864			2	4,64	0,75	1165,7	1	20/28
K.STALLPLVGDIDT#ERAK.F	1878,95720			2	5,72	0,69	1173,4	1	31/48
K.STALLPLVGDIDTER.A	1599,85883			2	4,26	0,64	627,1	1	20/28
K.LIEALNLIGVR.S	1210,75178			2	4,29	0,70	2032,7	1	19/20
R.EMILELSSPVITLSK.S	1659,92374			2	4,91	0,55	1900,1	1	22/28
K.VFDFTIYTFVDHAEM*NAK.Q	2164,00555			2	5,09	0,69	746,7	1	20/34
K.VFDFTIYTFVDHAEMNAK.Q	2148,01065			3	3,92	0,59	643,6	1	29/68
K.STALLPLVGDIDT#ER.A	1679,82513			2	3,98	0,48	891,0	1	26/42
R.STLSGIRPEIAQTAVQLGIDFSNITIK.T	2872,57785			3	5,92	0,87	1245,0	1	36/104
K.QFLEEFQEWVIELTNDQK.H	2296,11320	2	6,28	0,73	2954,7	1	26/34		
YwjH2	YwjH	K.GSVSAEVISLK.A	1089,61502	2	2,89	0,42	1453,9	1	16/20
		R.AGATYVSPFLGR.L	1238,65280	2	3,68	0,88	699,1	1	15/22
		K.GIEQFLADWNK.-	1320,65828	2	3,00	0,61	969,2	1	16/20

`*` = Methioninoxidation

`@` = Carbamidomethylierung des Cysteins

`#` = Phosphorylierung am Serin, Threonin oder Tyrosin

**Anhang Ib: Identifizierte putativ phosphorylierte Proteine von *Bacillus subtilis*,
die die Identifizierungen von Anja Klutzny validieren**

Spot	identifiziertes Protein	Peptidsequenz	MH+	z	Xcorr (Sequest)	DeltaCn	Sp	RSp	Ionen
Crh	Crh	R.PAALFVQEANR.F	1215,64805	2	3,27	0,68	1277,1	1	16/20
		R.PAALFVQEANR.F	1215,64805	2	3,44	0,71	1385,9	1	17/20
		K.LAAYVQEEV.-	1021,52005	1	2,22	0,45	416,2	1	10/16
		R.FTSDVFLEK.D	1085,55135	2	2,64	0,59	445,8	1	12/16
GuaB2	GuaB	K.NM*SIEQQAEQVDK.V	1535,70060	2	4,55	0,54	2066,0	1	21/24
		K.LPLVDDQNK.L	1041,55750	2	3,14	0,76	440,9	1	13/16
		R.ISGVPIVNNEEDQK.L	1541,78058	2	3,91	0,68	552,1	1	19/26
		R.ALIEAGADVVK.V	1085,62010	2	2,70	0,38	1346,7	1	16/20
		R.DVDLSVELTK.T	1118,59395	2	3,13	0,71	919,4	1	15/18
		K.EGLTFDDVLLVPAK.S	1516,82574	2	3,56	0,53	1112,2	1	21/26
PurH/AsnS	AsnS	R.DTSKLEQIK.A	1061,58372	2	2,81	0,52	309,0	1	12/16
		K.TTINQVYK.H	966,52547	2	2,68	0,59	522,8	1	12/14
		K.EHGTEFLM*DHR.H	1387,60591	2	2,97	0,62	504,6	1	16/20
		R.IHDM*ELLESR.L	1258,60960	2	3,06	0,68	792,6	1	15/18
		K.IELNTLGR.D	915,52581	2	2,73	0,49	607,2	1	12/14
		K.SVTQETSLYIK.G	1268,67326	2	3,13	0,51	1514,0	1	16/20
		R.TVAWISGAPHVR.E	1293,70623	2	3,14	0,68	912,9	1	16/22
		K.AEVEESIFQTAK.S	1351,67399	2	4,56	0,72	2126,2	1	19/22
		R.DGTGFIQGVVVK.A	1219,66811	2	3,88	0,70	1187,6	1	17/22
		K.VFSFGPTFR.A	1057,54654	2	2,69	0,66	534,9	1	13/16
		R.ATYEFFNNEGFK.V	1565,72709	2	4,21	0,61	1791,5	1	19/24
		R.ITYDEAIEFLK.E	1341,69366	2	3,73	0,73	873,8	1	16/20

Spot	identifiziertes Protein	Peptidsequenz	MH+	z	Xcorr (Sequest)	DeltaCn	Sp	RSp	Ionen
	PurH	K.HM*NPC@GVGTGK.T	1173,51396	2	3,17	0,74	398,5	1	14/20
		K.DNM*TVGVGAGQM*NR.V	1481,64711	2	4,26	0,62	1269,6	1	23/26
		K.GSIAQAEQLHGK.E	1238,64878	2	3,54	0,63	1428,1	1	18/22
		K.IAIEQAGEK.A	958,52039	2	2,69	0,51	797,8	1	15/16
		K.SNAIVLAK.D	815,49853	2	2,67	0,56	967,3	1	13/14
		K.DADAAVQIVR.E	1057,56365	2	3,54	0,64	1742,0	1	17/18
		K.ELTELGVEVISTGGTK.K	1632,86906	2	5,12	0,77	1320,8	1	24/30
		K.TSIFGGIILNR.E	1261,72630	2	3,55	0,77	1674,1	1	18/22
RsbV	RsbV	K.LENLSER.L	860,44722	2	2,55	0,43	542,3	1	11/12
		-.M*NINVDVK.Q	948,48188	2	3,14	0,41	1676,8	1	14/14
		K.LVPLAEQQADLR.I	1281,71613	2	3,86	0,81	668,7	1	20/22
		R.LFDITGLKDIIDISAK.S	1761,99968	2	4,23	0,71	2000,1	1	23/30
RsbRA1a	RsbRA	K.GIQTALEM*TDRK.I	1378,69948	2	3,75	0,79	619,3	1	18/22
		R.KIVSLGE.-	745,44543	2	2,63	0,38	572,0	1	11/12
		K.GIQTALEM*TDR.K	1250,60451	2	2,90	0,63	1045,3	1	16/20
		K.GIQTALEMTDRK.I	1362,70458	2	3,23	0,72	1048,5	1	18/22
		K.GIQTALEMTDR.K	1234,60961	2	3,78	0,65	1313,9	1	17/20
		R.IM*ENLLNGVVK.H	1245,68712	2	3,41	0,46	782,2	1	16/20
		R.IMENLLNGVVK.H	1229,69222	2	3,34	0,29	1266,0	1	17/20
		R.LPDQESTELIWQIDR.F	1842,92322	2	5,64	0,68	1773,1	1	22/28
		K.FLATALAEFWK.R	1296,69869	2	3,36	0,62	1955,4	1	18/20
RsbRA1b	RsbRA	R.AVQIGLSM*K.F	962,53391	2	2,68	0,52	1431,1	1	15/16
		K.GIQTALEM*TDRK.I	1378,69948	2	3,36	0,70	1074,6	1	18/22
		K.GIQTALEM*TDR.K	1250,60451	2	3,49	0,64	1074,1	1	16/20
		K.GIQTALEMTDRK.I	1362,70458	2	3,65	0,75	560,8	1	17/22
		K.GIQTALEMTDR.K	1234,60961	2	4,10	0,68	1281,7	1	17/20
		R.IMENLLNGVVK.H	1229,69222	2	3,25	0,30	871,4	1	15/20
		R.IM*ENLLNGVVK.H	1245,68712	2	2,83	0,55	656,4	1	15/20
		R.LPDQESTELIWQIDR.F	1842,92322	2	5,50	0,65	1782,2	1	22/28
		K.FLATALAEFWK.R	1296,69869	2	3,35	0,63	2072,7	1	18/20

Spot	identifiziertes Protein	Peptidsequenz	MH+	z	Xcorr (Sequest)	DeltaCn	Sp	RSp	Ionen
Tig	Tig	R.LEEAKENEADAK.L	1346,64342	2	4,09	0,64	1477,9	1	19/22
		K.QAIGSTDAM*KEDLK.V	1522,74173	2	4,31	0,73	728,6	1	19/26
		K.QAIGSTDAMKEDLK.V	1506,74683	2	4,10	0,56	996,5	1	21/26
		R.MLKEFEQR.L	1080,55064	2	2,99	0,66	1086,0	1	13/14
		K.M*AEAYNMPVENIK.Q	1525,70251	2	5,22	0,40	1719,8	1	20/24
		K.IEKGESLIFTAK.V	1335,75184	2	4,11	0,82	953,7	1	19/22
		K.M*AEAYNM*PVENIK.Q	1541,69741	2	4,76	0,66	1983,5	1	19/24
		K.DDTTVTDEDVQNELK.A	1721,77119	2	5,40	0,63	1746,3	1	23/28
		R.KAIDFLVENR.-	1204,66845	2	4,03	0,69	1713,4	1	17/18
		K.GESLIFTAK.V	965,53022	2	2,92	0,54	780,1	1	15/16
		K.AIDFLVENR.-	1076,57349	2	3,12	0,59	978,3	1	15/16
		K.DIDEEVETLAELTEK.T	1733,83273	2	5,58	0,70	3120,4	1	24/28
		K.SNLTLEAIAK.A	1059,60445	2	3,18	0,73	885,2	1	14/18
		K.AENLEVSDEEVDAELTK.M	1890,88147	2	5,96	0,76	2199,2	1	26/32

`*` = Methioninoxidation

`@` = Carbamidomethylierung des Cysteins

`#` = Phosphorylierung am Serin, Threonin oder Tyrosin

Anhang Ic: Korrigierte Proteinspots PurQ/LexA 1 und 2

Die Identifizierungen für die 2D-Gel Spots PurQ/LexA 1 und 2 konnten in dieser Arbeit nicht bestätigt werden. Stattdessen wurden diese Spots als RsbRA2a und RsbRA2b identifiziert.

Spot	identifiziertes Protein	Peptidsequenz	MH+	z	Xcorr (Sequest)	DeltaCn	Sp	RSp	Ionen
RsbRA2a	RsbRA	K.GIQTALEMTDR.K	1234,60961	2	3,68	0,63	1280,3	1	17/20
		K.GIQTALEM*TDR.K	1250,60451	2	2,67	0,66	1195,0	1	16/20
		R.IM*ENLLNGVVK.H	1245,68712	2	3,37	0,54	816,6	1	16/20
		K.DENAAESQISELALR.A	1645,80277	2	4,85	0,65	3304,6	1	24/28
		R.LPDQESTELIWQIDR.F	1842,92322	2	5,57	0,67	1973,8	1	23/28
		K.FLATALAEFWK.R	1296,69869	2	3,27	0,60	1394,5	1	18/20
RsbRA2b	RsbRA	R.AVQIGLSM*K.F	962,53391	2	2,50	0,58	1255,4	1	14/16
		K.GIQTALEM*TDRK.I	1378,69948	2	3,18	0,75	545,5	1	16/22
		K.GIQTALEMTDR.K	1234,60961	2	3,87	0,68	1327,9	1	17/20
		K.GIQTALEM*TDR.K	1250,60451	2	2,71	0,63	1206,6	1	16/20
		R.IM*ENLLNGVVK.H	1245,68712	2	3,16	0,49	736,9	1	16/20
		R.LPDQESTELIWQIDR.F	1842,92322	2	5,36	0,61	1972,3	1	23/28
		K.EYIDILLSVK.D	1305,76643	2	2,80	0,63	1297,5	1	16/20

`*` = Methioninoxidation

`@` = Carbamidomethylierung des Cysteins

`#` = Phosphorylierung am Serin, Threonin oder Tyrosin