

7. Anhang:

Gene Fragmentgröße	TRPC1 371 Bp	TRPC2 326 Bp	TRPC3 317 Bp	TRPC4 414 Bp	TRPC5 339 Bp	TRPC6 326 Bp	TRPC7 692 Bp
Dünndarm	-	-	-	-	-	-	-
Aorta	+	-	-	-	-	-	-
M. gastrocnemius	-	-	-	-	-	-	-
Zwerchfell	-	-	-	-	-	-	-
Herz	-	-	-	-	-	-	-
Leber	-	-	-	-	-	-	-
Lunge	+	-	-	-	-	+	-
Milz	-	-	-	-	-	+	-
Niere	+	+	+	-	-	-	-
Hoden	+	+	+	-	+	+	+
Nebenhoden	+	-	-	-	-	+	-
Samenblase	+	-	+	+	+	+	+
Ovar	+	+	+	+	-	+	-
Uterus	-	+	-	-	-	-	-
Vorderhirn	+	-	+	+	+	+	+
Kleinhirn	+	+	+	+	+	+	+
Hippocampus	+	+	+	+	+	+	+
Stammhirn	+	-	+	+	+	+	+
Grosshirn	+	+	+	+	+	+	+
Stammganglien	+	+	+	+	+	+	+
C2C12	+	-	-	-	-	-	-

Tabelle 8: Expression von TRPC1-7 mRNA

Die mRNA wurde in unterschiedlichen Geweben_a von Balb/c-Mäusen mittels Standard RT-PCR amplifiziert und auf einem Agarosegel detektiert, wobei in dieser Tabelle ein erhaltenes Amplifikat mit einem „+“ angegeben wurde, während die Gewebe, in denen kein PCR-Transkript nachgewiesen werden konnte, mit einem „-“ gekennzeichnet sind.

a: Dünndarm, Aorta, Musculus gastrocnemius, Zwerchfell, Herz, Leber, Lunge, Milz, Niere, Hoden, Nebenhoden, Samenblase, Ovar, Uterus, Vorderhirn, Kleinhirn, Hippocampus, Stammhirn, Grosshirn, Stammganglien, C2C12-Muskelzelllinie.

Gene	TRPV1	TRPV2	TRPV3	TRPV4	TRPV5	TRPV6	TRPA1
Fragmentgröße	276 Bp	427 Bp	198 Bp	249 Bp	172 Bp	318 Bp	73 Bp
Dünndarm	-	-	-	+	-	-	-
Aorta	-	-	-	-	-	-	+
M. gastrocnemius	-	-	-	+	-	+	+
Zwerchfell	-	+	-	-	-	-	-
Herz	-	-	-	-	+	-	-
Leber	-	-	-	+	-	+	-
Lunge	-	+	-	+	+	-	-
Milz	-	+	-	+	+	-	-
Niere	-	-	+	+	+	-	-
Hoden	-	-	-	+	+	-	-
Nebenhoden	-	+	-	+	+	+	-
Samenblase	-	+	+	+	-	+	+
Ovar	+	+	+	+	-	+	+
Uterus	-	-	-	-	-	-	-
Vorderhirn	-	+	+	+	-	+	+
Kleinhirn	+	+	+	+	+	-	+
Hippocampus	+	+	+	+	+	+	+
Stammhirn	-	+	+	+	-	+	+
Grosshirn	-	+	+	+	-	+	+
Stammganglien	-	+	+	+	-	-	+
C2C12	-	+	-	-	-	+	-

Tabelle 9: Expression von TRPV1-6 mRNA

Die mRNA wurde in unterschiedlichen Geweben_a von Balb/c-Mäusen mittels Standard RT-PCR amplifiziert und auf einem Agarosegel detektiert, wobei in dieser Tabelle ein erhaltenes Amplifikat mit einem „+“ angegeben wurde, während die Gewebe, in denen kein PCR-Transkript nachgewiesen werden konnte, mit einem „-“ gekennzeichnet sind.

a: Dünndarm, Aorta, Musculus gastrocnemius, Zwerchfell, Herz, Leber, Lunge, Milz, Niere, Hoden, Nebenhoden, Samenblase, Ovar, Uterus, Vorderhirn, Kleinhirn, Hippocampus, Stammhirn, Grosshirn, Stammganglien, C2C12-Muskelzelllinie.

Gene Fragmentgröße	TRPM1 100 Bp	TRPM2 187 Bp	TRPM3 497 Bp	TRPM4 176 Bp	TRPM5 360 Bp	TRPM6 219 Bp	TRPM7 195 Bp	TRPM8 344 Bp
Dünndarm	+	+	-	+	+	-	-	+
Aorta	+	-	+	-	+	-	+	+
M. gastrocnemius	+	-	-	+	-	+	+	-
Zwerchfell	+	+	+	+	-	-	+	-
Herz	-	+	-	+	+	-	+	+
Leber	+	+	-	-	-	-	+	-
Lunge	-	+	-	-	+	+	+	-
Milz	+	+	-	+	+	-	+	+
Niere	+	-	-	-	+	-	+	-
Hoden	+	+	+	+	-	+	+	+
Nebenhoden	+	+	+	+	+	+	+	-
Samenblase	+	+	+	-	+	-	+	-
Ovar	+	+	+	+	+	+	+	-
Uterus	-	-	-	-	-	+	-	-
Vorderhirn	+	+	+	-	-	+	-	-
Kleinhirn	-	+	+	-	+	+	+	-
Hippocampus	+	+	+	-	-	+	+	+
Stammhirn	+	+	+	-	+	+	-	-
Grosshirn	+	+	+	-	-	+	+	-
Stammganglien	+	+	+	+	+	+	+	+
C2C12	+	-	-	+	+	+	-	+

Tabelle 10: Expression von TRPM1-8 mRNA

Die mRNA wurde in unterschiedlichen Geweben_a von Balb/c-Mäusen mittels Standard RT-PCR amplifiziert und auf einem Agarosegel detektiert, wobei in dieser Tabelle ein erhaltenes Amplifikat mit einem „+“ angegeben wurde, während die Gewebe, in denen kein PCR-Transkript nachgewiesen werden konnte, mit einem „-“ gekennzeichnet sind.

a: Dünndarm, Aorta, Musculus gastrocnemius, Zwerchfell, Herz, Leber, Lunge, Milz, Niere, Hoden, Nebenhoden, Samenblase, Ovar, Uterus, Vorderhirn, Kleinhirn, Hippocampus, Stammhirn, Grosshirn, Stammganglien, C2C12-Muskelzelllinie.

Gene Fragmentgröße	SCN4A 329 Bp	SCNN1a 223 Bp	SCNN1b 267 Bp	SCNN1g 215 Bp	ACCN1 110 Bp	ACCN2 185 Bp
Dünndarm	-	-	+	-	+	-
Aorta	-	+	-	+	+	-
M. gastrocnemius	+	+	-	-	+	-
Zwerchfell	+	+	+	+	+	+
Herz	+	-	-	-	+	-
Leber	-	+	+	-	+	-
Lunge	+	+	+	+	+	+
Milz	-	+	+	-	+	-
Niere	-	+	+	+	+	-
Hoden	+	+	+	-	+	-
Nebenhoden	+	+	+	-	+	-
Samenblase	-	+	+	-	+	+
Ovar	-	+	-	-	+	-
Uterus	-	-	-	-	+	-
Vorderhirn	-	+	+	+	+	+
Kleinhirn	-	+	+	+	+	+
Hippocampus	-	+	+	+	+	+
Stammhirn	-	+	+	+	+	+
Grosshirn	-	+	+	-	+	+
Stammganglien	-	+	+	-	+	+
C2C12	+	+	-	-	+	-

Tabelle 11: Expression von SCN4A, SCNN1a, 1b und 1g, sowie ACCN1 und ACCN2 mRNA

Die mRNA wurde in unterschiedlichen Geweben_a von Balb/c-Mäusen mittels Standard RT-PCR amplifiziert und auf einem Agarosegel detektiert, wobei in dieser Tabelle ein erhaltenes Amplifikat mit einem „+“ angegeben wurde, während die Gewebe, in denen kein PCR-Transkript nachgewiesen werden konnte, mit einem „-“ gekennzeichnet sind.

a: Dünndarm, Aorta, Musculus gastrocnemius, Zwerchfell, Herz, Leber, Lunge, Milz, Niere, Hoden, Nebenhoden, Samenblase, Ovar, Uterus, Vorderhirn, Kleinhirn, Hippocampus, Stammhirn, Grosshirn, Stammganglien, C2C12-Muskelzelllinie.